

073

VARIABILIDADE GENÉTICA EM TRÊS POPULAÇÕES DE CACHORRO-DO-MATO (CERDOCYON THOUS) INFERIDA ATRAVÉS DA ANÁLISE DE MICROSSATÉLITES.

Fernanda Pedone Valdez, Ligia Tchaicka, Denis Sana, Mariana Faria-Correa, José Flávio Cândido Junior, Eduardo Eizirik, Thales Renato Ochotorena de Freitas (orient.) (UFRGS).

Cerdocyon thous é uma espécie de canídeo neotropical distribuído em quase toda a América do Sul, desde as Guianas até o Uruguai, com exceção da Planície Amazônica. Habita matas abertas, florestas e savanas, além de frequentemente utilizar áreas antropicamente modificadas, como beiras de estradas e áreas de lazer, o que os torna suscetíveis à caça e a atropelamentos. Esse estudo visa investigar a variabilidade genética existente em dez locos de microssatélite em três populações inseridas na região de Mata Atlântica, sendo essas localizadas no Rio Grande do Sul, Paraná e Mato Grosso do Sul, totalizando 55 indivíduos. As amostras utilizadas (sangue ou tecido muscular) foram obtidas através de estudos ecológicos ou de animais encontrados atropelados. O protocolo de extração com fenol-clorofórmio foi empregado para obtenção de DNA genômico. Os *primers* utilizados para a amplificação por PCR foram selecionados a partir de locos de tetranucleotídeos descritos para *Canis familiaris*. Até o momento foram testados 16 locos, dos quais 8 mostraram-se polimórficos para a espécie em estudo. A diversidade genética será medida pelo número de locos polimórficos, número de alelos por loco, heterozigosidade observada (H_o) e esperada (H_e) a partir das frequências alélicas supondo equilíbrio de Hardy-Weinberg para cada um dos locos. O número de migrantes por geração será calculado a partir dos índices F_{st} e R_{st} , gerados através de análise da variância molecular. Dos 8 locos testados, dois foram totalmente amplificados, e dois outros locos estão em fase de conclusão. Os resultados parciais mostram 6 e 8 alelos para os locos concluídos, com tamanho da repetição entre 175 – 200pb e 200 – 250pb, respectivamente. Esses resultados preliminares indicam que estes marcadores serão úteis para estudos genéticos nesta espécie, pois apresentam variabilidade suficiente para embasar inferências de processos populacionais. (PIBIC).