

207

**IDENTIFICAÇÃO DE GENES ENVOLVIDOS NA INTERAÇÃO ENTRE MAGNAPORTHE  
GRISEA E ARROZ.** *Johannes Humbertus Falcade, Paulo Alexandre Gomes, Marcelo Gravina de  
Moraes (orient.)* (UFRGS).

Na interação gene-a-gene as plantas respondem ao ataque de patógenos ativando respostas de defesa através de alterações bioquímicas e estruturais, que levam à morte celular no local de infecção. Em determinados casos este complexo de respostas resulta no estabelecimento de uma resistência duradoura e de amplo espectro. Sendo assim, o objetivo deste trabalho é o de identificar genes envolvidos na resposta de resistência de amplo espectro à infecção de *Magnaporthe grisea* em arroz. A análise da expressão diferencial de genes foi realizada através de ensaios de inoculação em linhas quase-isogências (NILs) de arroz C104LAC e C101A51, contendo os genes de resistência *Pi-1* e *Pi-2*, respectivamente, além do cultivar suscetível CO39. A técnica utilizada foi cDNA-AFLP, a qual envolve quatro etapas: síntese de cDNA utilizando oligonucleotídeos poli-dT, digestão do cDNAs com duas enzimas de restrição e ligação dos adaptadores, pré amplificação com oligonucleotídeos correspondentes aos adaptadores e amplificação seletiva com oligonucleotídeos possuindo uma ou mais bases específicas. A expressão diferencial foi avaliada utilizando 11 combinações de oligonucleotídeos iniciadores seletivos e os produtos foram separados por eletroforese em gel de poliacrilamida. A comparação dos padrões de expressão gênica permitiu a identificação de 634 fragmentos de cDNAs, dos quais 402 foram polimórficos. Os fragmentos de cDNAs de interesse foram coletados do gel e sujeitos a re-amplificação. Um total de 286 foram re-amplificados e separados em gel de agarose 2%. Esses fragmentos serão utilizados em arranjos de cDNAs a fim de validar possíveis candidatos a serem avaliados *in vivo* quanto ao papel na resistência. (PIBIC).