

## Utilização dos marcadores moleculares SSR e ISSR no estudo de diversidade genética em galinhas caipiras: uma revisão sistemática\*

Sárvia Rafaelly Nunes Santos<sup>1</sup>; Maurício Sérgio Ferreira Soares da Silva Júnior<sup>1</sup>; Alberto Alexandre de Sousa Borges<sup>1</sup>; Vanessa Gomes de Moura<sup>1</sup>; José Williams Gomes de Oliveira Filho<sup>2</sup>; Adriana Mello de Araújo<sup>3</sup>

<sup>1</sup>Estagiário Embrapa/IFPI Ciências Biológicas, sarviards2@hotmail.com <sup>2</sup>Professor orientador do Departamento de Formação de Professores, Letras e Ciência – DFPLC. Instituto Federal do Piauí – IFPI/Campus Teresina Central. <sup>3</sup>Pesquisadora da Embrapa Meio-Norte, adriana.araujo@embrapa.br

A galinha caipira (*Gallus gallus domesticus*) é uma importante fonte de renda para pequenos e médios produtores, sem virtude da predileção dos consumidores por produtos naturais oriundos dessa espécie, como carne e ovos. A variabilidade genética de galinha caipira está em decadência por causa da criação de linhagens híbridas com finalidade comercial. Considerando a importância dos marcadores moleculares no estudo de populações e a necessidade de conservação da variabilidade genética de galinhas caipiras, objetivou com este trabalho realizar uma revisão sistemática e replicável sobre a utilização dos marcadores moleculares SSR e ISSR no estudo de diversidade genética em aves, com ênfase em galinhas caipiras, para auxiliar estudos futuros. Para análise de variabilidade genética, utilizou-se como recorte o período de 1994 a 2017. Foram realizadas buscas de artigos relacionados aos meses de janeiro a março de 2018, em cinco bases de dados previamente selecionadas: *Google Acadêmico*, *Pub Med*, *ScienceDirect*, *Scopus* e *Web of Science*. Com isso, a seleção dos artigos aconteceu em três etapas para cada base de dados, na primeira etapa utilizaram-se o título e o resumo como critérios de seleção, a segunda etapa correspondeu a triagem dos trabalhos que utilizaram marcadores moleculares e na terceira etapa, selecionaram-se somente os trabalhos que utilizaram esses marcadores para estudo de diversidade genética. Foram contabilizados 66 artigos que envolveram a aplicação de marcadores microssatélites ou ISSR no estudo de diversidade genética em aves. Quanto aos marcadores moleculares utilizados nas pesquisas, foram encontrados 62 artigos com SSR e quatro com ISSR. A maior utilização de SSR deve-se à capacidade específica de amplificação de uma característica. Os marcadores moleculares de DNA representam uma importante ferramenta para identificar populações através de sequências de nucleotídeos, o que contribui para o estudo sobre a variabilidade genética, bem como, o mapeamento genético e a identificação de parentesco.

**Palavras-chave:** Base de dados, conservação de recursos genéticos, genoma.

**Agradecimentos:** Embrapa Meio-Norte, Instituto Federal do Piauí (IFPI-Campus Teresina Central)

\*Trabalho financiado pelo Programa Iniciação Científica Institucional do IFPI.