

Оригинальные статьи / Original articles

<https://doi.org/10.18619/2072-9146-2019-6-96-100>
УДК 635.1/.8:631.563.6

Кондратенко В.В.,
Посокина Н.Е.,
Семенова Ж.А.

Всероссийский научно-исследовательский институт технологии консервирования – филиал Федерального государственного бюджетного научного учреждения «Федеральный научный центр пищевых систем им. В.М. Горбатова» РАН (ВНИИТЭК – филиал ФГБНУ «ФНЦ пищевых систем им. В.М. Горбатова» РАН) www.vniitek.ru
E-mail: vnikipotok@yandex.ru

Конфликт интересов: Авторы заявляют об отсутствии конфликта интересов.

Для цитирования: Кондратенко В.В., Посокина Н.Е., Семенова Ж.А. Динамика типа взаимодействия молочнокислых микроорганизмов в парных консорциумах при направленной ферментации овощного сырья. *Овощи России*. 2019;(6):96-100. <https://doi.org/10.18619/2072-9146-2019-6-96-100>

Поступила в редакцию: 08.08.2019
Принята к печати: 14.11.2019
Опубликована: 25.11.2019

Vladimir V. Kondratenko,
Nataliya E. Posokina,
Jeanne A. Semenova

Russian Research Institute of Canning Technology – Branch of V.M. Gorbатов Federal Research Center for Food Systems of RAS (VNIITEK – Branch of Gorbатов Research Center for Food Systems) 78, Shkolnaya Str., Vidnoe, Moscow region, Russia, 142703 www.vniitek.ru
E-mail: vnikipotok@yandex.ru

Conflict of interest: The authors declare no conflict of interest.

For citation: Kondratenko V.V., Posokina N.E., Semenova Je.A. Dynamics of interaction of lactic acid microorganisms in paired consortia aiming at fermentation of vegetable raw materials. *Vegetable crops of Russia*. 2019;(6):96-100. (In Russ.) <https://doi.org/10.18619/2072-9146-2019-6-96-100>

Received: 08.08.2019
Accepted for publication: 14.11.2019
Accepted: 25.11.2019

Динамика типа взаимодействия молочнокислых микроорганизмов в парных консорциумах при направленной ферментации овощного сырья

РЕЗЮМЕ

Актуальность. Капуста белокочанная ферментируется чаще всего с добавлением различных овощей. При ферментации остаются не только первоначальные питательные вещества, такие как витамин С, аминокислоты, пищевые волокна и др., но также развиваются функциональные микроорганизмы, такие как молочнокислые бактерии. Ферментация оказывает важное влияние на качество и вкус капусты, поэтому важно изучить процесс ферментации, микробное разнообразие и изменение питательных веществ и химических элементов в процессе ферментации. *Leuconostoc mesenteroides* считается доминирующим видом на ранней гетероферментативной стадии ферментации. Однако имеется мало информации о разнообразии видов и штаммов *Leuconostoc*, участвующих в ферментации квашеной капусты. Исследования, в которых использовали традиционные биохимические методы изучения ферментации квашеной капусты, показали, что в процессе ферментации задействованы четыре основных вида молочнокислых бактерий: *Leuconostoc mesenteroides*, *Lactobacillus plantarum*, *Pediococcus pentosaceus* и *Lactobacillus brevis*. Учитывая важность проведения двухстадийной ферментации овощного сырья с тем, чтобы на первом этапе создать оптимальные условия для развития «основного» пула молочнокислых микроорганизмов, актуальным становится проведение комплекса исследований, направленных на воспроизведение «природоподобного» процесса, в котором на первом этапе основную роль играют бактерии рода *Leuconostoc mesenteroides*, на втором – монокультуры молочнокислых микроорганизмов и их консорциумы.

Методы. В работе исследована динамика типа взаимодействия молочнокислых микроорганизмов в парных консорциумах на модельных средах, прошедших предварительную обработку культурой вида *Leuconostoc mesenteroides*, на основном этапе ступенчатого ферментирования белокочанной капусты сорта «Парус».

Результаты. Установлено, что по сумме критериев, консорциум «*L. mesenteroides* \ *L. casei* + *L. plantarum*» демонстрирует наиболее выраженное преимущество по сравнению с культивированием соответствующих монокультур в формате псевдоконсорциумов; несмотря на выраженный синергизм при культивировании консорциума «*L. mesenteroides* \ *L. brevis* + *L. plantarum*», динамика показателя сравнения по темпу нарастания концентрации микроорганизмов указывает на необходимость проведения дополнительных исследований.

Ключевые слова: тип взаимодействия, направленное ферментирование, штаммы молочнокислых микроорганизмов, консорциум, модельная среда.

Dynamics of interaction of lactic acid microorganisms in paired consortia aiming at fermentation of vegetable raw materials

ABSTRACT

Relevance. Cabbage is one of the most popular products, which is mainly fermented with the addition of various vegetables. When fermentation is not only the original nutrients such as vitamin C, amino acids, dietary fibers, etc., but also develop functional microorganisms such as lactic acid bacteria. Fermentation has an important effect on the quality and taste of cabbage, so it is important to study the fermentation process, microbial diversity and changes in nutrients and chemical elements in the fermentation process. *L. mesenteroides* is considered to be the dominant species on heterofermentative early stages of fermentation. However, there is little information on the diversity of species and strains of *Leuconostoc* involved in fermentation of sauerkraut. Studies that used traditional biochemical methods to study fermentation of sauerkraut showed that four main types of lactic acid bacteria were involved in the fermentation process: *Leuconostoc mesenteroides*, *Lactobacillus plantarum*, *Pediococcus pentosaceus* and *Lactobacillus brevis*. Taking into account the importance of two-stage fermentation of vegetable raw materials in order to create optimal conditions for the development of the "main" pool of lactic acid microorganisms at the first stage, it becomes urgent to conduct a complex of studies aimed at reproducing the "natural" process in which the main role is played by bacteria of the genus *Leuconostoc mesenteroides* at the second stage – monocultures of lactic acid microorganisms and their consortia.

Methods. The paper studies the dynamics of the type of interaction of lactic acid microorganisms in paired consortia on model media pretreated by the culture of the species *Leuconostoc mesenteroides*, at the main stage of step fermentation of white cabbage of the "Parus" variety.

Results. It is established that the sum of the criteria, the consortium "*L. mesenteroides* \ *L. casei* + *L. plantarum*" demonstrates the most pronounced advantage compared with monoculture cultivation of appropriate format of pseudotensorial; despite the pronounced synergy in the cultivation of the consortium "*L. mesenteroides* \ *L. brevis* + *L. plantarum*", the dynamics of the comparison index on the rate of increase in the concentration of microorganisms indicates the need for additional research.

Keywords: type of interaction, directed fermentation, strains of lactic acid microorganisms, consortium, model medium.

Введение

Капуста является одним из самых популярных ферментированных продуктов. Она обычно ферментируется с добавлением различных овощей. При ферментации остаются не только первоначальные питательные вещества, такие как витамин С, аминокислоты, пищевые волокна и др., но также развиваются функциональные микроорганизмы, такие как молочнокислые бактерии. Ферментация оказывает важное влияние на качество и вкус капусты, поэтому очень важно изучить процесс ферментации, микробное разнообразие и изменение питательных веществ и химических элементов в процессе ферментации [1]. Процессы ферментации пищевых продуктов часто приводят к глубоким изменениям вкуса по сравнению с исходными ингредиентами. Однако ферментированные продукты обычно представляют собой очень сложные экосистемы с активными ферментными системами из ингредиентов, взаимодействующих с метаболической активностью ферментационных организмов. Такие факторы, как добавленная соль, размеры частиц, температура и уровень кислорода также оказывают важное влияние на процесс ферментации. Очень важна роль молочнокислых бактерий в изменении соединений, которые помогают определить характер ферментированных продуктов [2].

Исследования, в которых использовали традиционные биохимические методы изучения ферментации квашеной капусты, показали, что в процессе ферментации задействованы четыре основных вида молочнокислых бактерий: *Leuconostoc mesenteroides*, *Lactobacillus plantarum*, *Pediococcus pentosaceus* и *Lactobacillus brevis*.

L. mesenteroides является, пожалуй, наиболее преобладающим видом молочнокислых бактерий, найденных во фруктах и овощах, которые отвечают за иницирование ферментации капусты и других овощей. Осознавая практическое значение *L. mesenteroides* в ферментации, была определена целая геномная последовательность *L. mesenteroides* ATCC 8293. *L. mesenteroides* представляет собой упрощенную, но уникальную модель с интересными характеристиками. Представленные данные оценивают *L. mesenteroides* как предмет для изучения гетероферментативного метаболизма молочнокислых бактерий [3].

L. mesenteroides считается доминирующим видом на ранней гетероферментативной стадии ферментации. Однако имеется мало информации о разнообразии видов и штаммов *Leuconostoc*, участвующих в ферментации квашеной капусты. В опыте, проведенном авторами [4], установлено, что конечный pH ферментации капустного сока составлял 3,6, а основными конечными продуктами ферментации были молочная кислота, уксусная кислота и маннит. Показано, что малолактическая активность молочнокислых бактерий может оказать существенное влияние на химические свойства ферментированной капусты, поэтому важно определить, какие виды *Leuconostoc* преобладают в ферментации и как они взаимодействуют.

Штамм *L. mesenteroides* LMG 7954 и штамм *Lactobacillus plantarum* L4 применяли для контролируемой ферментации кочанов капусты. Наблюдали за параметрами контролируемой и спонтанной ферментации, включая антимикробный эффект рассола капусты, полученного в конце обеих ферментаций. Начальные культуры, применяемые для ферментации кочанов капусты, позволили снизить концентрацию NaCl с 4,0% до 2,5%, значительно ускорить процесс ферментации на 14 дней и улучшить качество продукта. Полученные кочаны квашеной капусты считаются пробиотическим продуктом, поскольку количество жизнеспособных пробиотических клеток в конечном продукте было выше, чем 10⁶ колониеобразующих единиц (КОЕ) на грамм продукта. Результаты этого исследования показали, что применение *L. mesenteroides* LMG 7954 вместе с *Lb. plantarum* L4, положительно повлияло на ферментацию, улучшив качество конечного продукта с добавленными пробиотическими свойствами, значительно сократив время ферментации и предлагая возможность низких солевых ферментаций [5].

Leuconostoc mesenteroides является преобладающим микроорганизмом на ранних стадиях ферментации капусты и оказывает большое влияние на вкус и качество продукта ферментации, поэтому важной задачей являлось изучение характеристик генома *L. mesenteroides*, а также разнообразие геномов молочнокислых бактерий (*Lactobacillus gasseri*, *L. casei*, *L. bulgaricus*, and *L. brevis*, *L.*

mesenteroides, *Oenococcus oeni*, *Lactococcus cremoris*, *P. pentosaceus*, *Streptococcus thermophilus*, *Brevibacterium linens*) и формирование их в 1 геном консорциум. Данные показали, что бактериофаги могут играть важную роль в естественной смене молочнокислых бактерий [6]. Исследование последовательности бактериофага *Leuconostoc mesenteroides* Ф1-А4, выделенного в процессе промышленной ферментации овощей, представляет собой первую полную геномную и молекулярную характеристику фага *Leuconostoc*, и результаты исследования могут положить начало развитию технологии управления фагами. Ферментация овощей зависит от правильной последовательности различных молочнокислых бактерий. Иницирует ферментацию *L. mesenteroides*. По мере протекания процесса ферментации, *L. mesenteroides* отмирает, а завершает ферментацию другие молочнокислые бактерии. Фаг Ф1-А4, поражающий *L. mesenteroides*, имеет существенное влияние на развитие вкуса квашеной капусты. В связи с чем нужно отметить, что правильное чередование молочнокислых микроорганизмов непосредственно определяет качество и безопасность готовой ферментированной продукции [7].

На процесс ферментации квашеной капусты могут влиять технологические, микробиологические и сырьевые факторы: хлорид натрия, углеводы, температура, стартерные культуры. Бактериофаги в ферментации квашеной капусты не вызывают особых проблем, так как их распространение внутри ферментера очень ограничено. Молочная кислота, полученная в процессе ферментации капусты, обычно состоит из двух изомеров L-(+) и D-(-) форм. Большая потребность существует в продуктах, содержащих преимущественно L-(+) – молочной кислоты, а исследование гетероферментативных лактобацилл в ферментации квашеной капусты привело к выделению штаммов, характеризующихся исключительно образованием именно этой кислоты. Такая квашеная капуста производится с помощью применения стартерной культуры *Lb. Sakei*, которая способна даже подавлять штаммы, иницирующие брожение – *L. mesenteroides*. В связи с чем, можно сделать вывод, что молочнокислые бактерии, участвующие в ферментации квашеной капусты улучшают свойства квашеной капусты и помогают укреплению здоровья человека [8].

Учитывая важность проведения двухстадийной ферментации овощного сырья, с тем, чтобы на первом этапе создать оптимальные условия для развития «основного» пула молочнокислых микроорганизмов, актуальным становится проведение комплекса исследований, направленных на воспроизведения «природоподобного» процесса, в котором на первом этапе основную роль играют бактерии рода *Leuconostoc mesenteroides*, на втором – монокультуры молочнокислых микроорганизмов и их консорциумы.

Цели и задачи – исследовать динамику типа взаимодействия молочнокислых микроорганизмов в парных консорциумах на модельных средах, прошедших предварительную обработку культурой вида *Leuconostoc mesenteroides*, на основном этапе ступенчатого ферментирования капусты белокачанной сорта Парус.

Материалы и методы

В качестве объектов исследований были взяты:

– штаммы микроорганизмов рода *Leuconostoc mesenteroides*, *Lactobacillus brevis*, *Lactobacillus casei* и *Lactobacillus plantarum*, предоставленные ФГУП ГосНИИгенетика;

– стерилизованная модифицированная модельная среда на основе капусты белокачанной сорта Парус.

Модельную среду готовили последовательными операциями, включающими мойку сырья проточной водой, шинкование на полоски толщиной не более 8 мм, гомогенизацию на измельчителе растительного сырья до получения однородной кашицеобразной массы. В полученную массу вносили NaCl в количестве 1,5% от массы среды, перемешивая до полного растворения. Среда фасовали в стеклянные банки объемом 0,1 дм³ с винтовым типом укупорки, герметично укупоривали и стерилизовали при избыточном давлении 1 бар в течение 20 мин с последующим охлаждением до комнатной температуры, затем в стерильных условиях добавляли аскорбиновую кислоту в количестве 35 мг на 100 г среды, перемешивали до полного растворения и вторично укупоривали также в стерильных условиях.

Процесс ферментации осуществляли в два последовательных этапа. На первом (предварительном) этапе модельную среду инокулировали суспензией *L.*

mesenteroides с концентрацией микроорганизмов 104 КОЕ/г в количестве 1,76% от массы среды и инкубировали в чашках Петри при температуре 23...25°C в течение 72 ч. На втором (основном) этапе в подготовленные среды вносили инокулят монокультур (штаммы *L. brevis*, *L. casei* и *L. plantarum*) и консорциумов («*L. brevis* + *L. casei*», «*L. brevis* + *L. plantarum*» и «*L. plantarum* + *L. casei*») молочнокислых микроорганизмов с общей концентрацией 10⁴ КОЕ/г в количестве 2% от массы среды. Основной этап ферментации проводили при температуре 25°C в течение 32 суток. Отбор проб на основной стадии ферментации проводили как в контрольном варианте с *L. mesenteroides* через 0, 1, 2, 3, 7 и 10 суток, так и в вариантах с культурами *Lactobacillus* и их консорциумами через 0, 3, 7, 8, 9, 14, 18, 23 и 32 суток, отсчитывая с момента начала первой стадии ферментирования. В силу объективного присутствия в начальный период основного этапа ферментации некоторой остаточной концентрации практически неактивных клеток микроорганизмов *L. mesenteroides*, общий микробиологический состав сред после внесения монокультур лактобацилл рассматривали как псевдоконсорциумы, в отличие от истинных консорциумов, образуемых при внесении одновременно двух монокультур лактобацилл.

Определение скорости культивирования микроорганизмов проводили путём контроля концентрации микроорганизмов в модельной среде в процессе культивирования в точках отбора проб на протяжении всего процесса ферментации путем посева в агаризованную питательную среду разведений отобранного образца. Посевы инкубировали при температуре 30°C в течение 72/120 часов с последующим подсчётом общего количества всех видимых колоний.

Для уменьшения статистической погрешности каждый эксперимент проводили в трёхкратной повторности с отбраковкой статистически недостоверных данных.

Граничные условия применимости критериев оценки потенциала трансформации некрахмальных биополимеров углеводной природы растительного сырья определяли с использованием частной функции желательности Харрингтона по [9].

Отбор проб при исследовании первого этапа ферментации с культурой *L. mesenteroides* проводили на 0-3-4-5-6-7 сутки. Отбор проб при исследовании второй стадии ферментации с культурами *Lactobacillus* и их консорциумами проводили для каждой культуры и консорциума по истечении 0, 3, 7, 8, 9, 14, 18, 23 и 32 суток ферментирования, отсчитывая с момента инокуляции.

Для предотвращения контаминации исследуемых образцов сторонней микрофлорой, отбор проб проводили в боксе стерильными инструментами. Образцы отбирали в одноразовые чашки Петри по 1 г для микробиологических исследований.

Концентрацию молочнокислых микроорганизмов определяли по [10,11]. Определение проводили путем посева в агаризованную питательную среду разведений отобранных проб, инкубирования посевов при температуре 30°C в течение 72/120 часов и подсчёта всех видимых колоний.

Математическую обработку и моделирование проводили с использованием табличного процессора Microsoft Excel 2010 (Microsoft Corporation) с установленными надстройками «Анализ данных», «Поиск решения» и «Подбор параметра», а также специализированного программного обеспечения – TableCurve 2D v.5.01 (SYSTAT Software Inc.) и Wolfram Mathematica v.10.4 (Wolfram Research Inc.)

Обработку экспериментальных данных проводили по следующему алгоритму:

а) отсеивали статистически ненадёжные экспериментальные данные в повторностях по существующим методикам;

б) массив данных, представляющих динамику исследуемого или промежуточного показателя, аппроксимировали двухфакторными функциями вида $y=f(x)$ при следующих граничных условиях:

– квадрат коэффициента корреляции должен быть не менее 0,96;

– вид аппроксимирующей функции должен подчиняться логике процесса (также и при экстраполяции);

– коэффициенты и константа должны быть значимы по критерию Стьюдента при $\alpha \leq 0,05$;

– вся функция в целом должна быть адекватна по критерию Фишера при $\alpha \leq 0,05$.

Результаты

Анализ данных показал, что функциональные зависимости, наиболее адекватно аппроксимирующие экспериментальные данные, имеют вид:

– для монокультуры *L. mesenteroides*:

$$\lg N = \exp\left(\frac{a + c \cdot \tau}{1 + b \cdot \tau + d \cdot \tau^2}\right) \quad (1)$$

где N – концентрация микроорганизмов, КОЕ/г

τ – продолжительность ферментации, ч

a – константа

b, c, d и f – коэффициенты

– для псевдоконсорциума *L. mesenteroides* \ *L. brevis*:

$$\lg N = \exp\left(\frac{a + c \cdot \tau}{1 + b \cdot \tau + d \cdot \tau^2}\right) \quad (2)$$

– для псевдоконсорциума *L. mesenteroides* \ *L. casei*:

$$\lg N = \frac{a}{1 + \exp\left(-\frac{\tau - b}{c}\right)} \quad (3)$$

– для псевдоконсорциума *L. mesenteroides* \ *L. plantarum*:

$$\lg N = \exp\left(\frac{a + c \cdot \tau + f \cdot \tau^2}{1 + b \cdot \tau + d \cdot \tau^2 + f \cdot \tau^3}\right) \quad (4)$$

В силу неоднозначности полученных зависимостей исследовали динамику темпа нарастания концентрации микроорганизмов как в псевдоконсорциумах, так и в консорциумах.

Темпы нарастания концентрации микроорганизмов вида $u=f_v(\tau)$ определяли дифференцированием функций (2) – (4) по их аргументу:

$$v = \frac{\partial(\lg N)}{\partial \tau} \quad (5)$$

где v – темп нарастания концентрации микроорганизмов, [lg (КОЕ/г)]/ч.

Для удобства графического представления логики дальнейших рассуждений, функции темпов были преобразованы следующим образом:

$$v = \begin{cases} v, & v \geq 0 \\ |v|, & v < 0 \end{cases} \quad (6)$$

При выраженной lg N, значения темпа нарастания концентрации микроорганизмов для разных моментов времени будут логически неэквивалентны друг другу даже в случае их численного равенства. Поэтому дальнейшие расчёты выполняли приведёнными значениями темпа:

$$v_{pr} = \frac{v}{\lg N} \cdot 10^8 \quad (7)$$

Аддитивные значения концентрации и приведённого темпа нарастания микроорганизмов в консорциумах рассчитывали, соответственно, как

$$\lg N_{add} = \lg\left(10^{\lg N_1} + 10^{\lg N_2}\right) \quad (8)$$

и

$$v_{pr_{add}} = \frac{\partial \lg N_{add}}{\partial \tau} \quad (9)$$

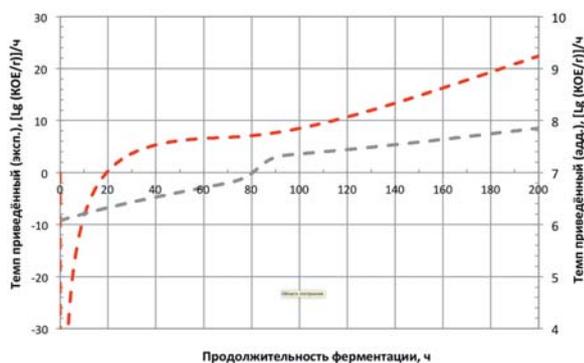


Рис. 1. Экспериментальная и аддитивная функции изменения приведённых темпов убывания концентрации микроорганизмов консорциума *L. mesenteroides* \ *L. brevis* + *L. casei*
Fig.1. Experimental and additive change functions the reduced rate of decrease in the concentration of microorganisms consortium *L. mesenteroides* \ *L. brevis* + *L. casei*
 The red line is the consortium; gray – additive curve

На рисунках 1-3 приведены экспериментальные и аддитивные зависимости темпов нарастания концентраций консорциумов от продолжительности культивирования.

Анализ данных, приведённых на рисунке 1, показывает не просто отсутствие фазы нарастания микробиальной биомассы, но и прогрессирующее нарастание темпа убывания концентрации, превышающего аддитивное значение уже после 10 часов культивирования, что говорит о том, что культуры *L. brevis* и *L. casei* в условиях основного

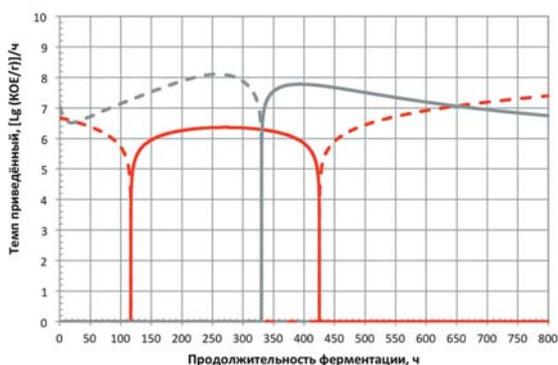


Рис. 2. Экспериментальная и аддитивная функции изменения приведённых темпов убывания концентрации микроорганизмов консорциума *L. mesenteroides* \ *L. brevis* + *L. plantarum*
Fig.2. Experimental and additive change functions the reduced rate of decrease in the concentration of microorganisms consortium *L. mesenteroides* \ *L. brevis* + *L. plantarum*
 Red lines – consortium; gray – additive curves; solid – growth rates; dashed – the rate of decrease

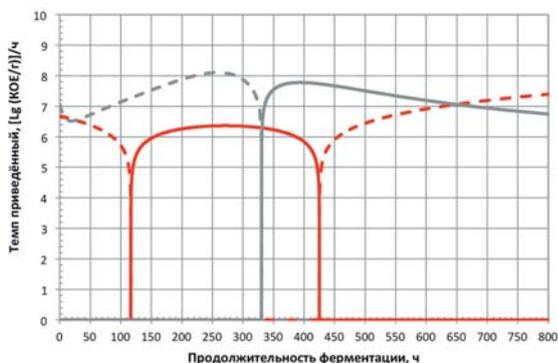


Рис. 3. Экспериментальная и аддитивная функции изменения приведённых темпов убывания концентрации микроорганизмов консорциума *L. mesenteroides* \ *L. casei* + *L. plantarum*
Fig. 3. Experimental and additive change functions the reduced rate of decrease in the concentration of microorganisms consortium *L. mesenteroides* \ *L. casei* + *L. plantarum*
 Red lines – consortium; gray – additive curves; solid – growth rates; dashed – the rate of decrease

этапа ферментирования не просто испытывают стресс, но и оказывают негативное влияние друг на друга в консорциуме.

В силу значительной разобщённости, адекватная интерпретация информации, представленной на рисунках 2 и 3, затруднена. В этой связи для полноценной оценки динамики развития консорциумов на основном этапе ферментирования исследовали показатели сравнения как для концентрации микроорганизмов, так и для темпов её нарастания и убывания.

Показатели сравнения для данных показателей рассчитывали, соответственно, как

$$k(N) = \lg \left(\frac{10^{\lg N}}{10^{\lg N_{add}}} \right) = \lg N - \lg N_{add} \quad (10)$$

$$k(v) = \begin{cases} \lg \left(\frac{v_{pr}}{v_{pr_{add}}} \right), & v_{pr_{add}} > 0, v_{pr} > 0 \\ \lg \left(\frac{v_{pr_{add}}}{v_{pr}} \right), & v_{pr_{add}} < 0, v_{pr} < 0 \\ \lg (v_{pr} \cdot |v_{pr_{add}}|), & v_{pr_{add}} < 0, v_{pr} > 0 \\ \lg \left(\frac{1}{|v_{pr}| \cdot v_{pr_{add}}} \right), & v_{pr_{add}} > 0, v_{pr} < 0 \end{cases} \quad (11)$$

На рисунках 4-6 представлены показатели сравнения по приведённому темпу и концентрации микроорганизмов для исследованных консорциумов.

Анализ данных, представленных на рисунке 4, показывает слабый синергизм по концентрации микроорганизмов с 25 по 120 часов культивирования, что указывает на некоторое благотворное влияние соседствующих культур

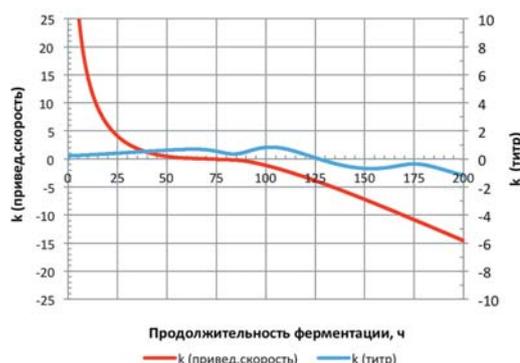


Рис. 4. Динамики показателей сравнения для консорциума *L. mesenteroides* \ *L. brevis* + *L. casei*
Fig. 4. Dynamics of comparison indicators for the consortium *L. mesenteroides* \ *L. brevis* + *L. casei*
 k (привед. скорость) – показатель сравнения по приведённому темпу; k (титр) – показатель сравнения по концентрации микроорганизмов

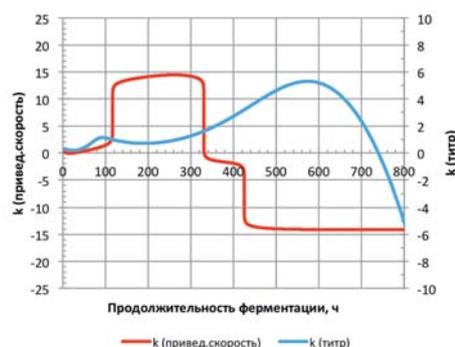


Рис. 5. Динамики показателей сравнения для консорциума *L. mesenteroides* \ *L. brevis* + *L. plantarum*
Fig. 5. Dynamics of comparison indicators for the consortium *L. mesenteroides* \ *L. brevis* + *L. plantarum*
 k (привед. скорость) – показатель сравнения по приведённому темпу; k (титр) – показатель сравнения по концентрации микроорганизмов

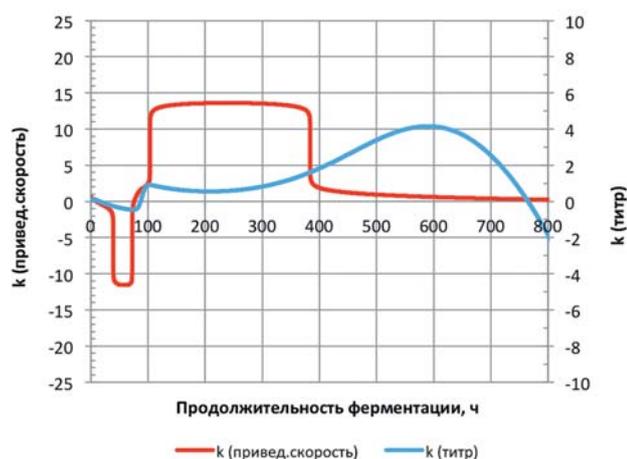


Рис. 6. Динамики показателей сравнения для консорциума *L. mesenteroides* + *L. casei* + *L. plantarum* *k* (привед. скорость) – показатель сравнения по приведённому темпу; *k* (титр) – показатель сравнения по концентрации микроорганизмов
Fig. 6. Dynamics of comparison indicators for the consortium *L. mesenteroides* + *L. casei* + *L. plantarum* *k* (reduced speed) is a comparison indicator for the reduced rate; *k* (titer) – a comparison indicator for the concentration of microorganisms

друг на друга в части сосуществования, несколько замедляя темп отмирания, но по истечении 100 часов культивирования подобный синергизм сходит на нет.

Анализ результатов, представленных на рисунках 5 и 6, показывает выраженный синергизм взаимодействия культур в консорциуме в отношении концентрации микроорганизмов практически в течение всего основного этапа ферментирования. Однако в отношении показателя сравнения по приведённому темпу в случае с консорциумом «*L. mesenteroides* \ *L. brevis* + *L. plantarum*» отмечен переход в фазу антагонизма по прошествии чуть более 330 часов с начала процесса, что, вероятно указывает на проявление некоторого депрессирующего фактора.

По сумме критериев консорциум «*L. mesenteroides* + *L. casei* + *L. plantarum*» демонстрирует наиболее выраженное преимущество по сравнению с культивированием соответствующих монокультур в формате псевдоконсорциумов. Тем не менее, консорциум «*L. mesenteroides* \ *L. brevis* + *L. plantarum*» также демонстрирует преимущество, однако динамика показателя сравнения по темпу нарастания концентрации микроорганизмов указывает на необходимость проведения дополнительных исследований.

Выводы

1. Установлено, что по сумме критериев консорциум «*L. mesenteroides* \ *L. casei* + *L. plantarum*» демонстрирует наиболее выраженное преимущество по сравнению с культивированием соответствующих монокультур в формате псевдоконсорциумов.

2. Установлено, что, несмотря на выраженный синергизм при культивировании консорциума «*L. mesenteroides* \ *L. brevis* + *L. plantarum*», динамика показателя сравнения по темпу нарастания концентрации микроорганизмов указывает на необходимость проведения дополнительных исследований.

Об авторах:

Кондратенко Владимир Владимирович – зам. директора по науке, к.т.н.
Посокина Наталья Евгеньевна – зав. лабораторией технологии консервирования, к.т.н.
Семенова Жанна Александровна – научный сотрудник

About the authors:

Vladimir V. Kondratenko – Deputy Director for Science, Candidate of Technical Sciences (Ph.D.)
Nataliya E. Posokina – Head of the laboratory, Candidate of Technical Sciences (Ph.D.)
Jeanne A. Semenova – Researcher

● Литература / References

1. Zhang Yu-Long; Hu Ping; Zhan Jian-Long. Research of fermented sauerkraut and its advancement. *Journal of Food Safety and Quality*. 2014;5(12):3998-4003.
 2. McFeeters R. F. Fermentation Microorganisms and Flavor Changes in Fermented Foods. *Journal of food science*. 2004;69(1):35-37.
 3. Plengvidhya, Vethachai. Microbial ecology of sauerkraut fermentation and genome analysis of lactic acid bacterium *Leuconostoc mesenteroides* ATCC 8293. *Food Science*. 2004.
 4. Ji Young Jung, Seung Hyeon Lee, Se Hee Lee and Che Ok Jeon. Complete Genome Sequence of *Leuconostoc mesenteroides* subsp. *mesenteroides* Strain J18, isolated from kimchi. *Journal of Bacteriology*. 2012;194(3):730-731.
 5. B. Wiander Hannu J.T. Korhonen. Preliminary studies on using LAB strains isolated from spontaneous sauerkraut fermentation in combination with mineral salt, herbs and spices in sauerkraut and sauerkraut juice fermentations. *Agricultural and Food Science*. 2011;20:176-182.
 6. Dimic G.R. Characteristics of the *Leuconostoc mesenteroides* strains from fresh vegetables. *Original scientific paper*. 2006. P.3-11.
 7. F. Breidt, K.A. Crowley, H.P. Fleming. Isolation and characterization of nisin-

resistant *Leuconostoc mesenteroides* for use in cabbage fermentations. *Applied and Environmental Microbiology*. 1993. P.3778-3783.
 8. L.J. Harris, H.P. Fleming, T.R. Klaenhammer. Novel paired starter culture system for sauerkraut, consisting of a nisin-resistant *Leuconostoc mesenteroides* strain and a nisin-producing *Lactococcus lactis* strain. *Appl. Environ. Microbiol.* 1992;58(5):1484-1489.
 9. Harrington E.C. The Desirability Function. *Industrial Quality Control*. 1965;21:494-498.
 10. ГОСТ 10444.11-2013 (ISO 15214:1998) Микробиология пищевых продуктов и кормов для животных. Методы выявления и подсчета количества мезофильных молочнокислых микроорганизмов. М.: Стандартинформ, 2014. 23 с. [GOST 10444.11-2013 (ISO 15214:1998) Microbiology of food and animal feed. Methods of detection and counting of mesophilic lactic acid microorganisms. Moscow: STANDARTINFORM, 2014. 23 p.]
 11. ГОСТ ISO 7218-2015 Микробиология пищевых продуктов и кормов для животных. Общие требования и рекомендации по микробиологическим исследованиям. М.: Стандартинформ, 2015. 70 с. [GOST ISO 7218-2015 Microbiology of food and animal feed. General requirements and recommendations for microbiological studies. Moscow: STANDARTINFORM, 2015. 70 p.]