

Variabilidade e parâmetros genéticos para caracteres relacionados à produção de sementes em cruzamentos de *Brachiaria* spp

Primeiro autor: Wyverson Kim Rocha Machado

Demais autores: Machado, W. K. R.¹; Barrios, S. C. L.²; Valle, C. B.²; Dias, A. M.³; Gouveia, B. T.⁴; Candido, A. R.⁵; Queiroz Júnior, J. M.⁶; Santos, M. F.²; Jank, L.²

Resumo

Determinar a variabilidade e estimar os parâmetros genéticos entre caracteres relacionados ao potencial de produção de sementes é uma das etapas principais em programa de melhoramento genético, visto que frequentemente esse gênero apresenta peculiaridades reprodutivas, tornando, assim, um desafio a produção comercial de sementes. O objetivo desse trabalho foi estimar parâmetros genéticos para variáveis relacionadas a produção de sementes em genótipos resultantes dos cruzamentos entre genitores sexuais de *B. decumbens* e apomíticos de *B. brizantha*. O delineamento experimental foi o de blocos ao acaso, com sete blocos correspondendo a cada um dos genitores apomíticos. A parcela experimental foi constituída de duas plantas clonais de cada um dos 17 genitores sexuais. As sementes foram colhidas no cacho, manualmente, em cada genitor sexual. Após a colheita, as sementes foram pesadas para determinação do peso total de sementes (PTS). Após o beneficiamento, as sementes puras foram pesadas para determinação do peso de sementes cheias (PSC) e estimativa da porcentagem de sementes cheias (%SC), em peso. As análises estatísticas foram realizadas no

(1) Doutorando da Universidade Federal de Mato Grosso do Sul – UFMS, wyverson.krm@gmail.com. (2) Pesquisador (a) da Embrapa Gado de Corte. (3) Professor da Universidade Federal de Mato Grosso do Sul – UFMS. (4) Doutoranda da Universidade Federal de Lavras – UFLA. (5) Mestrando da Universidade Estadual de Mato Grosso do Sul – UEMS. (6) Graduando da Universidade Católica Dom Bosco – UCDB. * Autor correspondente.

software Selegen, empregando a metodologia da máxima verossimilhança restrita/melhor preditor linear não viesado (REML/BLUP). Foi constatada elevada precisão experimental, com estimativas de acurácia de 92% (PTS) e 93% (PSC e %SC). Os coeficientes de herdabilidade em nível de médias de tratamentos foram 85% para PTS, 86% para PSC e 87% para %SC, indicando que a maior parte da variação fenotípica observada foi devida a causas genéticas. Diferenças significativas foram constatadas entre os tratamentos - genitores sexuais ($p < 0,01$) e blocos – genitores apomíticos ($p < 0,05$) para todas as características avaliadas, demonstrando que os genitores sexuais e apomíticos diferiram quanto aos caracteres relacionados a produção de sementes. Destaque foi para os genitores sexuais B13 e X78 que apresentaram as melhores médias BLUP para todas as características analisadas.

Parceria / Apoio financeiro

Embrapa Gado de Corte, CAPES e Unipasto.