

Caracterização de *Erinnyis ello* Granulovirus isolado de populações de mandarová da mandioca em Cruzeiro do Sul, Acre

William Sihler¹; Marcio M. Sanches¹; Rosana Falcão¹;
Murilo Fanzolin²; Joelma L. V. Estrela²; Marlinda L. Souza¹

¹Embrapa Recursos Genéticos e Biotecnologia, Parque Estação Biológica, Brasília, DF, Brasil, 70770-917. ²Embrapa Acre, Caixa Postal 321, 69908-970, Rio Branco, AC, Brasil, Email: marlinda.souza@embrapa.br.

Baculovirus são vírus em forma de bastão, envelopados, com DNA dupla fita circular, sendo que a maioria das espécies infecta insetos da ordem Lepidoptera. Devido a seu potencial como agentes de controle de pragas na agricultura e florestas, eles tem sido empregados com sucesso como bioinseticidas. O mandarová da mandioca (*Erinnyis ello*) é uma importante praga da mandioca e da seringueira com alta capacidade de migração. Neste trabalho é apresentada a caracterização de um baculovírus com ocorrência em populações de *Erinnyis ello* em área privada (agricultura familiar) no município de Cruzeiro do Sul, Acre (Latitude -7,55086; Longitude -72,72570). Inicialmente partículas virais foram purificadas de larvas com sintomas de infecção através de ultracentrifugação em gradiente de sacarose. Após tratamento para microscopia eletrônica seguido de contraste com acetato de uranila 2%, as partículas foram fotografadas utilizando-se microscópio eletrônico JEOL 1011. O vírus de forma ovalada, apresentando apenas um vírion por envelope e com menos de 0,5 µM, foi identificado como sendo do gênero *Betabaculovirus* (extinto gênero *Granulovirus*) da família *Baculoviridae*. Em seguida o DNA viral foi extraído através de ciclos de fenol e clorofórmio, digerido com diferentes enzimas de restrição e submetido a eletroforese em gel de agarose. A análise dos perfis de restrição obtidos com as enzimas *Bam* HI e com *Hind* III revelou um total de sete e de três fragmentos, respectivamente. Na clivagem com *Pst* I, foram identificados oito fragmentos molares e três submolares. Na digestão com *Eco* RI foi observado um número superior a vinte fragmentos incluindo várias bandas submolares. Embora tenha apresentado algumas diferenças, o perfil de restrição do DNA do isolado EeGV coletado no Acre foi similar ao descrito para o isolado EeGV proveniente de Itajai, SC, cujo genoma completo possui 102,759 bp. A determinação da sequência genômica do isolado do Acre encontra-se em andamento.

Palavras-chave: controle biológico, baculovírus, *Erinnyis ello*

Apoio: Embrapa, CNPq