

MELHORAMENTO DE ESPÉCIES ANUAIS

Parâmetros Genéticos e Caracterização Morfoagronômica de Genótipos de Girassol no Cerrado do Distrito Federal

Carlos Henrique Patriota Moura¹; Ana Paula Leite Montalvão²; Renato Fernando Amabile³; Ricardo Meneses Sayd⁴; Pedro Ivo Aquino Leite Sala⁴; Felipe Augusto Alves Brige³; Cláudio Guilherme Portela de Carvalho⁵

¹União Pioneira de Integração Social, Campus 2, Agronomia, Planaltina, Distrito Federal, Brasil, carlospatriotamoura@gmail.com; ²Estudante de mestrado da University of Göttingen, Faculty of Agricultural Sciences, Crop Protection, Göttingen, Lower Saxony, Germany; ³Embrapa Cerrados, Planaltina, Distrito Federal, Brasil; ⁴Universidade de Brasília, Brasília, Distrito Federal, Brasil; ⁵Embrapa Soja, Londrina, Paraná, Brasil

O girassol (*Helianthus annuus* L.) possui grande potencial para se estabelecer em sistemas de produção diversificados devido à sua adaptabilidade, alta tolerância à seca, alto rendimento de grãos e seu óleo ser de excelente qualidade industrial e nutricional. Nesse contexto, é fundamental a identificação e caracterização de genótipos para atender as exigências dos diversos sistemas de produção do Cerrado e consolidá-lo como opção econômica para este bioma. O objetivo do trabalho foi avaliar e caracterizar genótipos de girassol em três ambientes no Cerrado. Os ensaios foram conduzidos em delineamento de Blocos ao Acaso com quatro repetições, na Embrapa Cerrados, na Embrapa Produtos e Mercado e na UnB (Fazenda Água Limpa). Foram avaliados 12 genótipos e analisadas as características:

rendimento de grãos (kg ha⁻¹), tamanho do capítulo (cm), peso de mil aquênios (g), altura de plantas (cm) e dias para floração inicial (DFI). Os dados foram submetidos à análise de variância, as médias agrupadas pelo teste Scott-Knott e foram estimadas as variâncias genotípica, fenotípica e ambiental. A verificação da variabilidade genética foi feita pela Análise de Componentes Principais com os dados padronizados. Os coeficientes das componentes principais foram obtidos pelos autovalores da matriz de correlação entre as medidas das variáveis morfoagronômicas. Os altos valores de herdabilidade, coeficiente de variação genético e acurácia demonstraram condições favoráveis à seleção, com exceção para a característica tamanho do capítulo. Na análise multivariada, o peso de mil aquênios, dias para floração inicial e altura compõem o

primeiro componente em todos os ambientes. Houve uma tendência de agrupamento dos genótipos da Embrapa BRS G43, BRS G44, BRS G45 e BRS G46, que possuem os mesmos parentais. Foi possível indicar o descarte da variável DFI em futuras análises deste grupo de genótipos no Cerrado.

Termos para indexação: *Helianthus annuus* L.; recursos genéticos; análise de componentes principais; melhoramento vegetal.