

# A szintetikus kémiától az enzimmérnökségig – A Bioorganikus Kémiai Kutatócsoport bemutatása

POPPE László, NAGY József és HORNYÁNSZKY Gábor\*

*BME Szerves Kémia és Technológia Tanszék, Műegyetem rkp. 3, 1111 Budapest, Magyarország*

## 1. Bevezetés

### 1.1. Történelmi áttekintés

A Szerves Kémia és Technológia Tanszék 2006-ben jött létre a Szerves Kémia Tanszék és a Szerves Kémiai Technológiai Tanszék egyesítésével. A két jogelőd tanszéket 1913-ban illetve 1938-ban alapították Zemplén Géza és Csűrös Zoltán vezetésével, akik korábban hosszú ideig dolgoztak együtt. A Szerves Kémia Tanszék munkatársa volt a nemrég elhunyt nobel díjas kémikus Oláh György is. Zemplén Géza úttörő tevékenységét jól mutatja, hogy már 1915-ben – hazánkban először - nagysikerű könyvet írt az enzimekről.

A Bioorganikus Kémia Kutatócsoport 2005-ben alakult meg Dr. Poppe László egyetemi tanár vezetésével. A csoport munkáját jelenleg kettő senior kutató, egy poszt dok ösztöndíjas, 11 doktoráns és közel 30 hallgató segíti. A Csoportban az elmúlt években 3 doktori fokozat, számos szakdolgozat és diplomamunka született, valamint további 4-5 kolléga doktori védése a közeljövőben várható.

### 1.2. Kutatási háttér

A Tanszéken 220 m<sup>2</sup>-es jól felszerelt laboratórium áll a Csoport rendelkezésére, mely magában foglalja úgy a szintetikus munkák végzésére szolgáló berendezéseket, mind az enzimekkel kapcsolatos teendők ellátására alkalmas készülékeket. A Csoport munkáját 2 HPLC, 3 GC, 3 UV-VIS spektrofotométer, centrifugák és az áramlások kémia alkalmazására alkalmas eszközök segítik. Az enzimek modellezését megfelelő kapacitású számítógépeken tudjuk elvégezni a számításokhoz szükséges programcsomagok segítségével. Folyamatosan igyekszünk fejleszteni a rendelkezésre álló infrastruktúrát, különösen az enzimek testre szabásához szükséges berendezésekkel.

A Csoportunk jelenlegi tevékenységét számos korábbi kutatási projekt segítette elő. A 2008-2010 között lezajló FLOWREAC projektben a ThalesNano partnereként az áramlások technológiák és az enzimmögztítési módszerek fejlesztése állt a figyelem középpontjában (NKFP 07 A2 FLOWREAC, NKTH). A projekt eredményeként mind folytonos reakciók, mind az enzimmögztítések területén komoly „knowhow”-ra sikerült szert tenni.

Nemzetközi együttműködések is hozzájárultak az eredményességhez. A Babes-Bolyai Tudományegyetemen működő, Dr. Paizs Csaba professzor által vezetett kutatócsoporttal végzett közös kutatómunka eredményeként számos nem természetes -aminosav szintézise valósult meg szabad illetve különféleképpen rögzített fenilalanin ammónia-liáz és fenilalanin 2,3-aminomutáz enzimek (közismert nevükön MIO-enzimek) segítségével (OTKA NN-103242 2012-2015 és PN-II-ID-PCE-2011-3-0799). 2016 végén Dr. Poppe László vezetésével indult meg Kolozsavárott a négy évre elnyert „Nanoscale Enzyme Immobilization and Microfluidics for Systems Biocatalysis” projekt (NEMSyB, ID P37\_273, Cod MySMIS 103413). Dr. Poppe László professzor 2010-2012 között részt vett az EU COST (Actions „Cascade Chemoenzymatic Processes – New Synergies Between Chemistry and Biochemistry” CM 0701) projektjében, mely nagyban hozzájárult csoportunknak a biokatalízis terén meglévő tudása kiterjesztéséhez.

Az utóbbi években ipari szereplők partnereként két fontos KMR projektben is részt vettünk. Az „Új típusú, komplex kódolási eljárások alapuló biztonsági, eredet- és egyediségjelölő hamisítás elleni rendszerek kifejlesztése” című projektben (KMR 12-1-2012-0051, 2012-2015) a Pharmapress partnereként olyan anyagok kifejlesztésén dolgoztunk, melyeket folyékony vonalkódként lehet alkalmazni. Egy másik pályázat keretében a Fermentia Kft-vel közösen egy olyan berendezés kifejlesztésében vettünk részt, mely segítségével gyorsan és hatékonyan lehet rekombináns fehérjéket tisztítani. („Új hordozó család és automatizált módszerfejlesztő rendszer rekombináns fehérjék affinitás tisztítási technológiájának gyors kidolgozására”, KMR 12-1-2012-0140, 2013-2015.)

A molekulamodellezési kapacitásunk kiterjesztésében nagy segítségünkre volt a BME által elnyert TÁMOP pályázat („Új tehetséggondozó programok és kutatások a Műegyetem tudományos műhelyeiben”, TÁMOP-4.2.2/B-10/1-2010-0009, 2011-2013), melynek keretében beszerzésre került egy szuperszámítógép. A nagyobb kapacitások kihasználásával lényegesen lerövidíthető a számításokra fordított gépidő.

Csoportunk szorosan együttműködik Dr. Vértessy G. Beáta tanszékvezető egyetemi tanár kutatócsoportjával (Alkalmazott Biotechnológia és Élelmiszertudományi Tanszék) is a fehérjék kristályosítása és röntgenszerkezet-meghatározása területén.

\* Tel.: 463-2230 ; fax: 463-3297 ; e-mail: [hornyanszky@mail.bme.hu](mailto:hornyanszky@mail.bme.hu)

## 2. Kutatási tevékenység

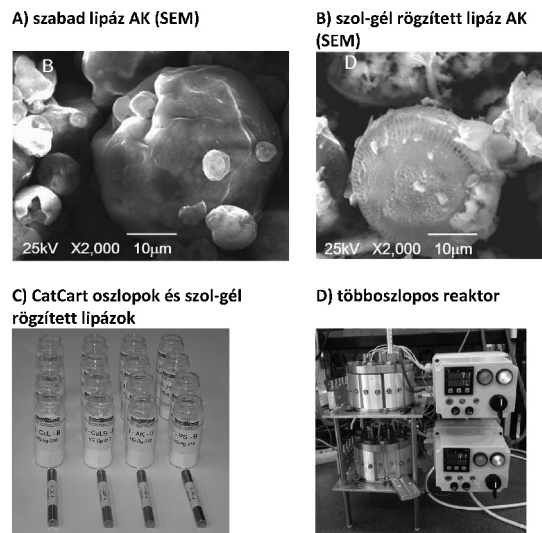
A Bioorganikus Kémiai Kutatócsoport aktivitása széles tartományt ölel át. Az új szintetikus eljárások kidolgozásától kezdve, melyek során általában biokatalízist<sup>1</sup> alkalmazunk sztereoselektív szintézisekhez,<sup>2</sup> a különböző enzimtisztítási és enzimrögzítési technikák kidolgozásán át, a szakaszos és folyamatos rendszerekben végzett enzim katalizálta reakciók vizsgálatán keresztül,<sup>3</sup> a számítástechnika segítségével végzett enzimtervezésig.<sup>4,5</sup> A csoportunk által leginkább tanulmányozott enzimek a lipázok és a MIO enzimeknek nevezett enzimcsaládok. Az utóbbi években az érdeklődésünket kiterjesztettük a ketoreduktázokra és a transzaminázokra is.

Az enzimek szerves makromolekulák, enyhe körülmények között működnek, nagy enantiomerszelektivitással rendelkeznek és könnyen lebonthatóak, ezért környezetbarát anyagok. Hatásuk megegyezik a hagyományos katalizátorokéval. Azonban van néhány nehézség a használatukkal kapcsolatban. Az enzimek általában érzékenyek a külső körülményekre (hőmérséklet, pH, oldószer, stb.), az enzimgátlást kifejtő szennyezőkre, általában kis koncentrációjú oldatokban lehet velük dolgozni (gyenge a volumetrikus hozamuk), gyakran még drágábbak a hagyományos kémiai katalizátoroknál és előfordul, hogy működésükhöz kofaktorra is szükség van. A fent említett nehézségek azonban nem leküzdhetetlenek. Megfelelő rögzítési módszerek alkalmazásával elérhető, hogy az adott enzim tág működési tartományban aktív maradjon, a folytonos technológiák alkalmazásával megnövelhető a volumetrikus hozam, a biotechnológia hihetetlen fejlődésének következtében pedig az enzimek előállításának költségei lassan vetekednek a közönséges kémiai katalizátorokéval. (Különösen, ha figyelembe vesszük az egyre szigorodó környezetvédelmi előírásokból adódó járulékos költségeket.) A rohamosan fejlődő számítástechnikai háttér segítségével egyre pontosabb képet kaphatunk az enzimek működési mechanizmusairól, lehetővé válva ezáltal akár speciális, az adott szubsztrátra tervezett enzimek létrehozása.

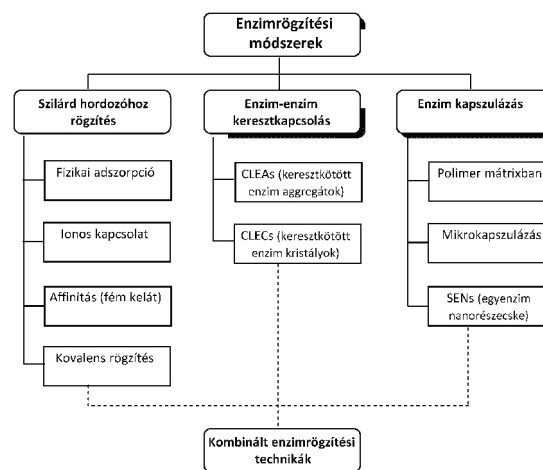
### 2.1. Enzimtisztítási és enzimrögzítési módszerek fejlesztése

A Kutatócsoport fő érdeklődési területe új enzimrögzítési technikák kifejlesztése és azok alkalmazhatóságának vizsgálata kinetikus rezolválások és enantiotóp szelektív biotranszformációk során, különösen a folyamatos átfolyós rendszerekben való alkalmazhatóság tekintetében (1. ábra). A már említett FLOWREAC projekt során rengeteg tapasztalatot szereztünk e témában, és a kutatásaink eredményeként, azóta is számos eredményt értünk el.

Az enzimek immobilizálása történhet szilárd hordozóhoz rögzítéssel, tárhálósítással illetve szerves vagy szerves polimer gélbe zárással. A fenti módszereken belül többfajta technikai megvalósítás létezik, illetve lehetséges az egyes módszerek kombinálása is (2. ábra).



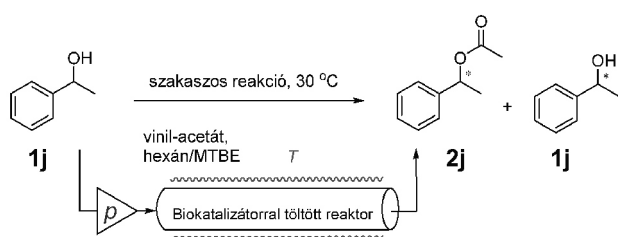
1. Ábra. Folyamatos átfolyós reaktorokhoz használt enzimek (lipáz AK, lipáz PS, CcL, CaL B)



2. Ábra. Enzimrögzítési technikák bemutatása

Az enzimek szilárd hordozóhoz való rögzítése egyike azon eljárásoknak melyet az ipar is elszerűtlenül alkalmaz. A módszer előnye, hogy a katalizátor könnyen szeparálható a termékektől és általában megnövekszik általa az enzim hő és pH stabilitása, valamint a katalizátor újrafelhasználhatóvá is válhat. A különböző szerves és szerves hordozók közül a csoportunk a mezopórusos szilikagél hordozók vizsgálatára fókuszált.<sup>6-8</sup> A szilikagél nagy fajlagos felülettel rendelkezik, relatív nagy pórusátmérője van (5-100 nm), ami megfelel az alkalmazott enzimek méretének. A felszín könnyen módosítható, ami lehetőséget nyújt a hordozó tulajdonságainak megváltoztatására. Lipázok esetén az adszorpciós rögzítés a leggyakrabban alkalmazott módszer, mert az eljárás nagyon egyszerű és nem igényli az enzimek módosítását. Ráadásul a felület módosításával kapott hordozók sikerrel alkalmazhatók az enzimszeparációs műveletekben is.<sup>6</sup> A fenti eljárással készült, felületmódosított szilikagél hordozót sikerrel alkalmaztuk az 1-feniletanol kinetikus rezolválása során (3. ábra). Az aminoalkil funkció csoportokat különböző biszopoxidokkal reagáltatva további variációs lehetőségek nyílnak meg.<sup>9</sup> Számos felületmódosított szilikagél hordozót vizsgáltunk

meg szisztematikusan a *Candida antartica*-ból (CaL A és CaL B),<sup>6</sup> a *Rhizomacor miehei*-ből (RmL) és a *Thermomyces lanuginosus*-ból (TIL)<sup>7</sup> származó lipázok rögzítésére hidrofób adszorpciós metodikát használva. A vizsgálatok eredményeként több új, különböző aktivitású és enantioszelektivitású biokatalizátor kifejlesztése történt meg. Sikeresen alkalmaztunk általunk kifejlesztett hordozókat Cal B enzim elválasztására másik lipáz enzim mellől, illetve a nyers fermentléből is. Ezen tapasztalatok megerősítették, hogy a hidrofób adszorpciós technika hatékony és olcsó eljárás enzimek elválasztására is. A módszer használhatóságát bizonyítottuk azzal is, amikor a *Pseudozyma aphidis*-ből (PaL) származó lipáz enzimet rögzítettünk közvetlenül a fermentléből hatékony biokatalizátort nyerve egylépésben.<sup>6</sup> Az a tény, hogy az egyes enzimek esetében különböző módosítások szükségesek a hatékony biokatalizátorok előállításához rámutatott, hogy a rögzítés optimális körülményei nem jósolhatóak meg előre.<sup>6,7</sup> A legjobban teljesítő oktil- és fenil-módosított szilikagélekre rögzített Cal B enzimet átfolyós rendszerekben is sikerrel alkalmaztuk.<sup>8</sup>



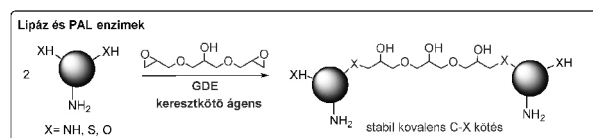
3. Ábra. 1-Feniletanol kinetikus rezolválása

Kutatócsoportunk összehasonlító vizsgálatokat végzett a hidrofób adszorpciós rögzítés és a kovalens rögzítés vonatkozásában.<sup>8</sup> Ennek során megállapítottuk, hogy a CaL B enzim esetében a mezopórusos szilikagél ideális hordozó mindkét módszer viszonylatában. Számos amin kinetikus rezolválásának vizsgálata során megállapítottuk, hogy az optimális immobilizálási módszer függ, mind a szubsztrát természetétől, mind az alkalmazott reakciókörülményektől.

Lipázok szol-gél rögzítése is egyszerű és hatékony módja, hogy megnöveljük a biokatalizátor mechanikus stabilitását és katalitikus aktivitását. A rögzítés során az enzim megőrzi a szelektivitását, azonban a hőstabilitása és az aktivitása szignifikánsan növekszik. Csoportunk különböző körülmények között tesztelt számos szol-gél rögzített enzimet.<sup>10-14</sup> A *Pseudomonas fluorescens*-ből (Lipáz AK) származó Celit hordozós lipáz enzim szol-gél rögzítését vizsgáltuk alkiltriétoxiszilánt (alkil-TEOS), feniltriétoxiszilánt (PhTEOS) és tetraétoxiszilánt (TEOS)<sup>12</sup> tartalmazó terner rendszerekben, és megállapítottuk, hogy legjobb eredményt az 1-feniletanol kinetikus rezolválásában a középhosszú láncot tartalmazó oktil-TEOS és perfluorooktil-TEOS tartalmú terner rendszerekkel érhetünk el. Dialkil-szubsztituált szilánok esetében azt találtuk, hogy a dimetildietoxiszilán (DMDEOS) használata mutatja a legjobb eredményt.<sup>14</sup> Számos enzim esetében tanulmányoztuk a „bioimprinting jelenséget”, mely során szubsztrátszerű molekulát juttatunk az enzim aktív

centrumába, melynek hatására az enzim felveszi az aktív konformációját, és ebben az állapotában végezzük el a szol-gél rögzítést. Ezt követően a segédmolekulát eltávolítjuk a rendszerből, viszont a rögzítés következtében az enzim az aktív konformációjában marad, megnövelve ezzel a kapott biokatalizátor aktivitását.<sup>13</sup> A „bioimprinting jelenséget” elektro spray technikával készített poli(vinil-alkohol) nanoszálban rögzített enzimekkel is tanulmányoztuk 8 különböző potenciális szubsztrátszerű anyagot tesztelve.<sup>15</sup>

Kutatócsoportunk elsőként mutatta be két különböző enzimes család esetében is, hogy az olcsó glicerindiglicidil-éter (GDE) előnyösen használható biszopoxid típusú keresztkötő ágensként térhálósított enzim aggregátumok (CLEAs) készítésekor.<sup>16</sup> A GDE alkalmazásával lipáz CLEAs készítésekor számos lipáz enzim (Lipáz AK, Lipáz PS, CaL B) esetében mutattuk ki, hogy az jobb eredményeket szolgáltat, mint a megszokott glutaraldehid (GA) alkalmazása. A módszert sikeresen alkalmaztuk a *Petroselinum crispum*-ból származó fenilalanin ammónia-liáz (PcPAL) esetében is (4. ábra).



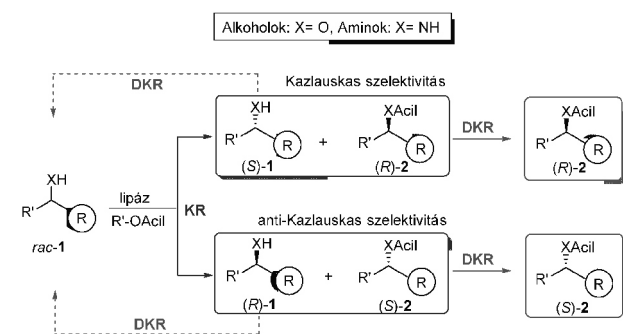
4. Ábra. Glicerindiglicidil-éter (GDE) mint jól használható keresztkötő CLEA-k létrehozásához

## 2.2. Kinetikus és dinamikus kinetikus rezolválások vizsgálata

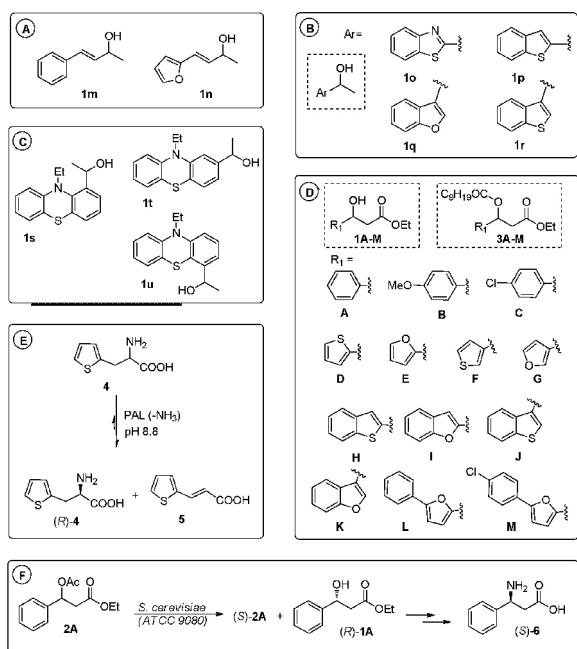
A királis intermedierek és finomvegyeszek nagyon fontos szerepet töltenek be a gyógyszeripar és a növényvédőszer gyártás folyamataiban. Számos multitonás ipari folyamat használ enzimatikus kinetikus rezolválást, a legtöbb esetben lipázokat, melyek jól tolerálják a különböző szubsztrátokat. Ebből a megfontolásból fordult kutatócsoportunk is az enzim katalizálta kinetikus rezolválások (KR) és dinamikus kinetikus rezolválások (DKR) fejlesztése felé (5. ábra). Kinetikus rezolválás során azt használjuk ki, hogy a jelenlévő két enantiomer közül csak az egyik reagál. A kialakuló termékben pedig már két különböző vegyülettípus (pl.: alkohol és észter, vagy amin és savamid) lesz jelen, aminek elválasztása lényegesen egyszerűbb. Azonban bármennyire is tökéletesen működik a módszerünk 50%-os konverzióval jobb átalakulást nem érhetünk el. Amennyiben sikerülne megoldani azt, hogy a visszamaradó enantiomer folyamatosan racemizáljon, abban az esetben akár a 100%-os konverzió is elérhető. Ez esetben beszélünk dinamikus kinetikus rezolválásról. Az enzimek nagy szelektivitásuk miatt célszerű választásnak tűnnek a KR és a DKR folyamatok katalizátorainak.

A különböző rezolválások tesztelése során elengedhetetlen, hogy gyors és hatékony elemzési módszer álljon rendelkezésre az adatok kiértékeléséhez. Ezért kutatócsoportunk kidolgozott egy enantioszelektív GC módszerrel alapuló multi-szubsztrát elemző módszert lipáz enzimek által végzett kinetikus rezolválásokhoz.<sup>17</sup>

Az elmúlt években számos alkohol, amin és aminosav kinetikus rezolválását valósítottuk meg jó termeléssel és enantiomertisztasággal. Néhány példa a 6. ábrán látható.<sup>16,18-22</sup>



5. Ábra. Aminok és alkoholok kinetikus (KR) és dinamikus kinetikus (DKR) rezolválási lehetőségeinek bemutatása



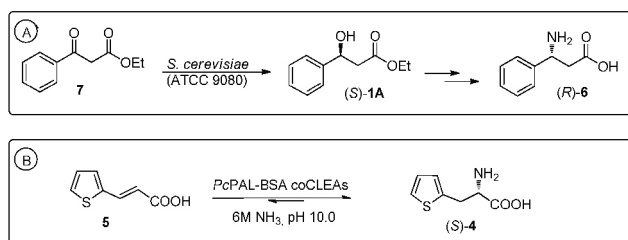
6. Ábra. Enzymekatalizált kinetikus rezolválások

Sikerrel alkalmaztuk a CaL B enzimet 1-feniletiamin kinetikus rezolválásában etil cianoacetátot használva acilezőszerként. Mindkét enantiomert sikerült nagy enantiomertisztaságban ( $e_e > 98\%$ ) előállítani. (Az (S) enantiomert a visszamaradó (S) aminosav acilezése által nyertük.) Az enantiomerek felhasználásával tirozin kináz inhibitorokat állítottunk elő.<sup>23</sup> Különbözőképpen rögzített CaL B enzimet vizsgáltunk ecetsav, 2-metoxiecetsav és 2-etoxiecetsav izopropil észtereivel végzett amidálási reakciókban. Megállapítottuk, hogy az izopropil észterek minden mutatásban felülmúlják az etil észterek teljesítményét, mind szakaszos, mind folytonos eljárások esetében.<sup>24</sup>

### 2.3. Enantiotóp szelektív biotranszformációk

Akirális szubsztrátok enantiotóp felületére történő addíció során főként a termék egyik enantiomere keletkezik. Az etil 3-fenil-3-oxopropionát aszimmetrikus redukciója

*Saccharomyces cerevisiae* élesztőtörzs (ATCC 9080) segítségével tipikus példája ennek a biotranszformációnak (7A ábra).<sup>22</sup> A GDE alapú PAL/BSA (szarvasmarha szérumban albumin) társ-CLEA enzimszisztéma aktív biokatalizátor sztereoselektív ammónia addíciójában. E katalizátorral az (E)-3-(tiofén-2-il)akrilsavból enantiospecifikusan keletkezik az (S)-2-amino-3-(tiofén-2-il)propionsav (7B ábra).<sup>16</sup> Ez utóbbi reakciót szén nanocsövekre rögzített PAL enzimmal is tanulmányoztuk mind szakaszos módban, mind folytonos átfolyós mikroreaktorban. A mikroreaktorban 60 °C felett 72 óra után sem tapasztaltuk az enzim aktivitásának csökkenését.<sup>25</sup>



7. Ábra. Enantiotópszelektív biotranszformációk

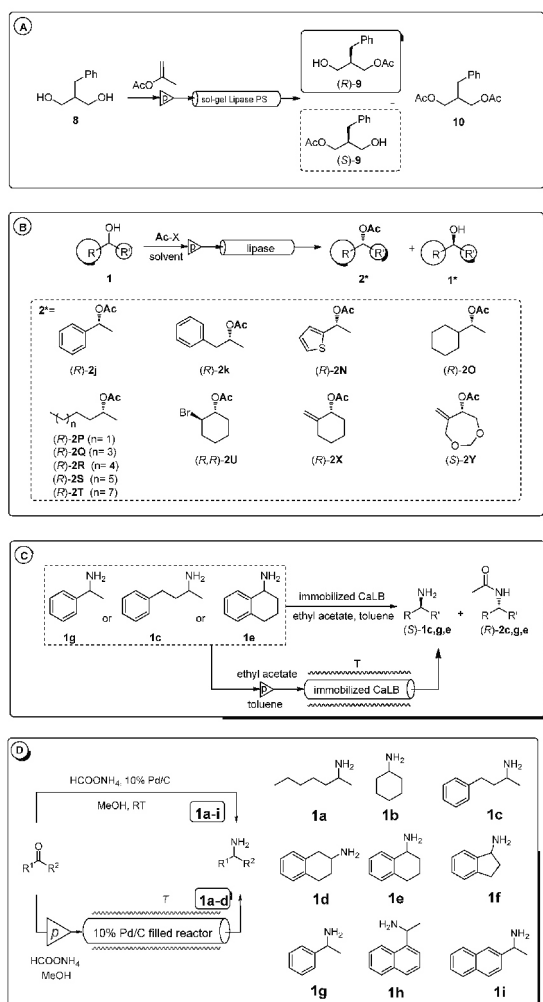
Elsőként számoltunk be *Wickerhamomyces subpelliculosus* törzs egészségjes biokatalizátorként való felhasználásáról prokirális ketonok sztereoselektív redukciójában kosubsztrátként glükózt felhasználva.<sup>26</sup>

### 2.4. Sztereoselektív biotranszformációk átfolyós reaktorokban

A folytonos átfolyós reaktorokban végzett reakciók nagy előnye, hogy egy adott időperiódusban viszonylag kis mennyiségű szubsztrát érintkezik nagy mennyiségű katalizátorral, ezáltal az átalakulás nagyon gyorsan megtörténik. A tartózkodási idő megfelelő megválasztásával a folyamat optimálható. Szerencsés esetben (100%-os konverzió) a reaktorból kizárólag a termék lép ki. Megfelelően rögzített enzimet töltve a reaktorba sztereoselektív folyamatok is végrehajthatók.

Prokirális diol aszimmetrikus acetilezését tanulmányoztuk folytonos átfolyós töltött reaktorban szilikon gél rögzített Lipáz PS katalizátor alkalmazásával (8A ábra).<sup>27</sup> Vizsgáltuk a hőmérséklet (0-60 °C) és az átfolyási sebesség 0,1-0,2 ml/perc hatásait a konverzióra és az enantiomertisztaságra. Számos racém alkohol kinetikus rezolválását vizsgáltuk folytonos átfolyós töltött reaktorban különböző lipáz katalizátorok alkalmazásával mind analitikai, mind preparatív léptékben (8B ábra).<sup>8,13,14,28,29</sup> A folytonos és a szakaszos technológiák összehasonlító elemzése alapján megállapítható, hogy a folytonos technológiák minden esetben nagyobb produktivitást eredményeztek, miközben az enantiomertisztaság hasonló volt.<sup>28</sup> Hasonló eredményekre vezettek a racém aminosavak körében végzett kinetikus rezolválások is (8C ábra).<sup>30,31</sup> Különböző módon rögzített CaL B enzim katalitikus hatását vizsgáltuk átfolyós reaktorban, és megállapítottuk, hogy a produktivitás és az enantiomertisztaság hőmérsékletfüggését mind a szubsztrát szerkezete, mind a rögzítés módja

befolyásolja. A vizsgálatokhoz felhasznált racém aminokat egylépéses redukív aminálással nyertük ketonokból. A reakciókat elvégeztük szakaszos és folytonos rendszerben is (8D ábra).<sup>32</sup> Megállapítottuk, hogy az olcsó cinkpor a leghatékonyabb katalizátor a benzil helyzetű karbonil vegyületek esetében és a 10%-os Pd/C katalizátor abban az esetben, ha a karbonil-csoport nincs konjugált rendszerben.



8. Ábra. Enzimkatalizált kinetikus reakciók folytonos átfolyásos reaktorban

## 2.5. Enzimek szerkezetének és hatásmechanizmusának tanulmányozása számítási kémia segítségével.

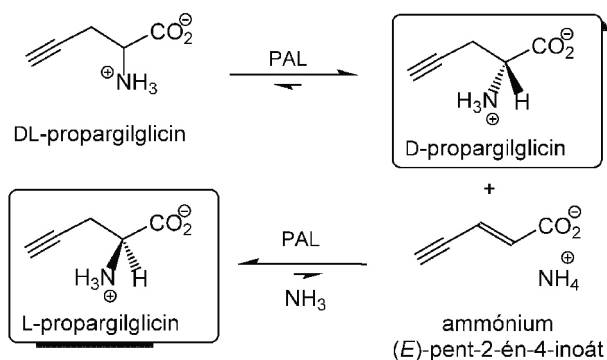
Kutatócsoportunkban a különböző enzimek kutatása során sikerrel alkalmaztuk az elméleti számításokat, úgy mint a homológia modellezést, a dokkolást, a molekuladinamikai és a QM/MM számításokat.

QM/MM módszerekkel vizsgáltuk a CaL B enzim működését heteroaromás etanolok acilezési reakciójában. A számítások segítségével sikeresen megjósolható a keletkező észter abszolút konfigurációja.<sup>19</sup>

A MIO enzimek közé tartozó PcPAL enzim röntgenszerkezetén alapuló részleges homológia modellezése során sikerült megszerkeszteni az alapvetően meghatározó tirozin tartalmú hurok katalitikusan aktív állapotú konformációját, és megállapítottuk, hogy a vizsgált röntgenszerkezetben az enzim inaktív állapotban van. Molekuladinamikai számítások segítségével felállítottunk egy hipotézist a C-terminális multihélix régióknak a tirozin-hurokra gyakorolt modulációs szerepére.<sup>33</sup> A *Rubrobacter xylanophilus* törzsből származó, extrém magas pH optimummal rendelkező RxPAL tulajdonságait alátámasztó magyarázatot adtunk homológia modellezés segítségével, lehetséges diszulfid hidak, kiterjedt sóhid formációk és megemelkedett felszíni negatív elektrosztatikus potenciál jelenlétét demonstrálva.<sup>34</sup>

A hisztidin, a fenilalanin és a tirozin ammónia-liázok (HAL, PAL és TAL) mindegyike katalizálja az ammónia eliminációját a post-transzlációs elektrofil proszteritikus csoportjuk (MIO) segítségével.<sup>35-37</sup> Két egymástól eltérő magyarázat született a reakció mechanizmusának magyarázatára az *N*-MIO illetve a Friedel-Crafts (FC) típusú intermedier feltételezve. Mindkét magyarázat közös pontja egy kovalens intermedier képződése. Ez a zárt szerkezetű aktív centrumban lehetővé tesz egy szisztematikus konformációs analízist. QM/MM módszerrel végzett összehasonlító elemzés segítségével kimutattuk, hogy a TAL enzim esetén a lehetséges kovalens intermedierek vonatkozásában az *N*-MIO intermedier energiája kb. 140 kcal/mol-lal alacsonyabb, mint a jobb FC állapoté.<sup>4,38</sup> A kapott eredmények teljesen összevágtnak a PcPAL szerkezetén végzett ligandum dokkolási és konformációs analízis számításokkal.<sup>39</sup> Kutatásaink során először mutattunk rá a Tyr300-nak protonátadással játszott kettős (a szubsztrát nukleofilicitását és a MIO elektrofilicitását növelő) szerepére. A számított reakciósema második átmeneti állapota egy összehangolt C-N kötéshasadást mutat az *N*-MIO intermedier és a Tyr60 által deprotonált *pro-S* pozíció között. Sikerült megmagyarázni az enzim bázikus centrumainak (Tyr60 és Tyr300) valamint a többi katalitikus rész (Asn203, Arg303, Asn333 és Asn435) szerepét is, melyek azonos módon megtalálhatóak az összes ismert MIO tartalmú ammónia liáz és 2,3-aminomutáz aminosav- szekvenciájában és 3D szerkezetében.

PAL enzimet mágneses nanorészecskére rögzítve, majd mikrofluidikai reaktorba töltve in-line UV detektor alkalmazásával kísérletileg sikerült alátámasztani, hogy az enzim katalizálja az ammónia eliminációját az aciklusos propargilglicin (PG) esetében az ammónium (*E*)-pent-2-én-4-inoátot eredményezve. Ez a tény kizárja az FC-típusú átmenet lehetőségét. A reakció megfordításával kizárólag az L-PG terméket nyertük, ami szintén kizárja a feltételezett nagyon exoterm egylépéses mechanizmust (9. ábra). A QM/MM számítások alátámasztották, hogy mind az L-PG-ből, mind az L-Phe-ből származó *N*-MIO intermedierek hasonló elrendezést mutatnak az aktív centrumon belül, ami egyértelműen alátámasztja az *N*-MIO mechanizmust.<sup>40</sup>



9. Ábra. Propargilglicin reakciója PAL enzimmel

A MIO enzimek szerkezetvizsgálatában szerzett számítógépes tapasztalat segítségével megterveztük a PcPAL enzim mutáns változatát. Az aromás kötőhelyért felelős F137-es aminosavat kisebb, hidrofób aminosavakra cserélve azt vélelmeztük, hogy az enzim jobban elfogadja a sztirilalanint szubsztrátjának. A megtervezett mutánsokat előállítva és tesztelve megállapítottuk, hogy a valin aminosavat tartalmazó mutáns mind a sztirilalanin, mind az *o*-Cl, *p*-Cl és *p*-NO<sub>2</sub> származéka esetében hatékonyan bizonyult. Sajnálatos módon azonban a fordított reakció (ammónia addíció) mind a vad-törzs, mind a mutánsok esetében sikertelen volt.<sup>5</sup>

### Hivatkozások

- Poppe, L.; Novák, L.; *Selective Biocatalysis: A Synthetic Approach*, Verlag Chemie, Weinheim-New York, **1992**.
- Poppe, L.; Nagy, J.; Hornyánszky, G.; Boros, Z. *Sztereoselektív szintézisek* (in Hungarian), Typotex, Budapest, **2011**. <https://doi.org/10.13140/RG.2.1.3824.7526>
- Poppe, L.; Nagy, J.; Hornyánszky, G.; Boros, Z. (Poppe, L.; Nográdi, M.; Eds.): *Stereochemistry and Stereoselective Synthesis – An Introduction*, Weinheim-New York: Wiley-VCH Verlag KGaA, **2016**.
- Boros, Z.; Hornyánszky, G.; Nagy, J.; Poppe, L. "Stereoselective hydrolase-catalyzed processes in continuous-flow mode", in *Cascade Biocatalysis: Stereoselective and Environmentally Friendly Reactions* (Riva S, Fessner W, Eds.), Wiley-VCH, Weinheim, **2014**, 1999-230. <https://doi.org/10.1002/9783527682492.ch9>
- Pilbák, S.; Farkas, Ö.; Poppe, L. *Chem Eur J*, **2012**, *18*, 7793–7802. <https://doi.org/10.1002/chem.201103662>
- Bencze, L. C.; Filip, A.; Bánóczy, G.; Toşa, M. I.; Irimie, F.-D.; Gellért, Á.; Poppe, L.; Paizs, C. *Org. Biomol. Chem.* **2017**, *15*, 3717–3727. <https://doi.org/10.1039/C7OB00562H>
- Boros, Z.; Abaháziová, E.; Oláh, M.; Sátorhelyi, P.; Erdélyi, B.; Poppe, L. *Chim. Oggi*, **2012**, *30(5)*, 26–29.
- Nagy-Győr, L.; Boros, Z.; Poppe, L. *Per. Polytechn. Chem. Eng.* **2013**, *57(1–2)*, 37–40. <https://doi.org/10.3311/PPch.2168>
- Boros Z.; Weiser, D.; Márkus, M.; Abaháziová, E.; Magyar, Á.; Tomin, A.; Koczka, B.; Kovács, P.; Poppe, L. *Proc. Biochem.*, **2013**, *48(7)*, 1039–1047. <https://doi.org/10.1016/j.procbio.2013.05.002>
- Abaházi, E.; Lestál, D.; Boros, Z.; Poppe, L. *Molecules* **2016**, *21*, 767. <https://doi.org/10.3390/molecules21060767>
- Tomin, A.; Weiser, D.; Bata, Z.; Corici, L.; Péter, F.; Poppe, L. *Stud. Univ. Babeş-Bolyai Chem.* **2009**, *54(Sp 2)*, 77–82. <http://mycite.omikk.bme.hu/doc/97971.pdf>
- Weiser, D.; Tomin, A.; Poppe, L. *Stud. Univ. Babeş-Bolyai Chem.* **2010**, *55(4)*, 283–288. <http://mycite.omikk.bme.hu/doc/103009.pdf>
- Tomin, A.; Weiser, D.; Hellner, G.; Bata, Z.; Corici, L.; Péter, F.; Koczka, B.; Poppe, L. *Proc. Biochem.*, **2011**, *46*, 52–58. <https://doi.org/10.1016/j.procbio.2010.07.021>
- Hellner, G.; Boros, Z.; Tomin, A.; Poppe, L. *Adv. Synth. Catal.*, **2011**, *353*, 2481–2491. <https://doi.org/10.1002/adsc.201100329>
- Weiser, D.; Boros, Z.; Hornyánszky, G.; Tóth, A.; Poppe L. *Proc. Biochem.* **2012**, *47*, 428–434. <https://doi.org/10.1016/j.procbio.2011.11.023>
- Weiser, D.; Sóti, P. L.; Bánóczy, G.; Bódai, V.; Kiss, B.; Gellért, Á.; Nagy, Z. K.; Koczka, B.; Szilágyi, A.; Marosi, G.; Poppe, L. *Tetrahedron* **2016**, *72(46)*, 7335–7342. <https://doi.org/10.1016/j.tet.2016.06.027>
- Weiser, D.; Varga, A.; Kovács, K.; Nagy, F.; Szilágyi, A.; Vértessy, B. G.; Paizs, C.; Poppe, L. *ChemCatChem* **2014**, *6(4)*, 1463–1469. <https://doi.org/10.1002/cctc.201300806>
- Ósze, M.; Weiser, D.; Hornyánszky, G.; Poppe, L. *Stud. Univ. Babeş-Bolyai Chem.* **2012**, *57(2)*, 129–137.
- Szigeti, M.; Tőke, E. R.; Turóczy, M. C.; Nagy, V.; Szakács, G.; Poppe, L. *ARKIVOC*, **2008**, (3), 54–65. <http://mycite.omikk.bme.hu/doc/54061.pdf>
- Toşa, M.; Pilbák, S.; Moldovan, P.; Paizs, C.; Szatzker, G.; Szakács, G.; Novák, L.; Irimie, F.-D.; Poppe, L. *Tetrahedron: Asymmetry*, **2008**, *19*, 1844–1852. <https://doi.org/10.1016/j.tetasy.2008.07.004>

### 3. Összegzés és kitekintés

A Bioorganikus Kémiai Kutatócsoport által kutatott területek (kemoenzimatikus módszerekkel megvalósított új sztereoselektív szintézisek, a biotranszformációk hatásának fokozása új enzim immobilizálási technikák kifejlesztésével és folytonos átfolyós rendszerek alkalmazásával, enzimek szerkezetének és hatásmechanizmusának tanulmányozása elméleti számítások és gyakorlati megvalósítások segítségével) hozzájárulnak új, hatékony és környezetbarát szintetikus módszerek kifejlesztéséhez. Ezek az összetett kutatási erőfeszítések elősegíthetik a modern, biotechnológiával integrált szintetikus módszerek fejlesztését és felhasználását akár humán területeken is. A szerkezetvizsgálatban szerzett számítógépes tapasztalat segítségével elérhetővé vált a célzott, adott szubsztrátra szabott mutáns enzimek megtervezése is.

### Köszönetnyilvánítás

A szerzők köszönetet mondanak az OTKA (NN-103242), a Nemzeti Fejlesztési Ügynökség (NKFP 07 A2 FLOWREAC), az Új Magyarország Fejlesztési Terv (TÁMOP-4.2.2.B-10/1-2010-0009), A Magyar Kutatási és Innovációs Alap (KMR 12-1-2012-0051 és KMR 12-1-2012-0140), és az EU COST (Action CM0701 és CM1303) projektek támogatásáért.

20. Brem, J.; Pilbák, S.; Paizs, C.; Bánóczy, G.; Irimie, F.-D.; Toşa, M.-I.; Poppe, L. *Tetrahedron: Asymmetry*, **2011**, *22*(8), 916-923. <https://doi.org/10.1016/j.tetasy.2011.05.009>
21. Brem, J.; Naghi, M.; Toşa, M. I.; Boros, Z.; Poppe, L.; Irimie, F. D.; Paizs, C. *Tetrahedron: Asymmetry*, **2011**, *22*, 1672-1679. <https://doi.org/10.1016/j.tetasy.2011.09.005>
22. Varga, A.; Zaharia, V.; Nógrádi, M.; Poppe, L. *Tetrahedron: Asymmetry* **2013**, *24*, 1389-1394. <https://doi.org/10.1016/j.tetasy.2013.09.007>
23. Csuka, P.; Boros, Z.; Örfi, L.; Dobos, J.; Poppe, L.; Hornyánszky, G. *Tetrahedron: Asymmetry* **2015**, *26*, 644-649. <https://doi.org/10.1016/j.tetasy.2015.04.013>
24. Oláh, M.; Boros, Z.; Hornyánszky, G.; Poppe, L. *Tetrahedron* **2016**, *72*(46), 7249-7255. <https://doi.org/10.1016/j.tet.2015.12.046>
25. Bartha-Vári, J. H.; Toşa, M. I.; Irimie, F.-D.; Weiser, D.; Boros, Z.; Vértessy, B. G.; Paizs, C.; Poppe, L. *ChemCatChem* **2015**, *7*(7), 1122-1128. <https://doi.org/10.1002/cctc.201402894>
26. Bódai, V.; Nagy-Győr, L.; Örkényi, R.; Molnár, Z.; Kohári, S.; Erdélyi, B.; Nagymáté, Z.; Romsics, C.; Paizs, C.; Poppe, L.; Hornyánszky, G. *J. Mol. Catal. B Enzym.* **2016**, *134A*, 206-214. <https://doi.org/10.1016/j.molcatb.2016.11.003>
27. Boros, Z.; Szigeti, M.; Tomin, A.; Kovács, P.; Üрге, L.; Darvas, F.; Poppe, L. *Stud. Univ. Babeş-Bolyai Chem.* **2009**, *54*(Sp 2), 69-75. <http://mycite.omikk.bme.hu/doc/97970.pdf>
28. Csajági, Cs.; Szatzker, G.; Tőke, E. R.; Üрге, L.; Darvas, F.; Poppe, L. *Tetrahedron: Asymmetry*, **2008**, *19*, 237-246. <https://doi.org/10.1016/j.tetasy.2008.01.002>
29. Tomin, A.; Hornyánszky, G.; Kupai, K.; Dorkó, Z.; Üрге, L.; Darvas, F.; Poppe, L. *Proc. Biochem.*, **2010**, *45*, 859-865. <https://doi.org/10.1016/j.procbio.2010.02.006>
30. Boros, Z.; Falus, P.; Márkus M.; Weiser D.; Oláh M.; Hornyánszky G.; Nagy J.; Poppe L. *J. Mol. Catal. B, Enzym.* **2013**, *85-86*, 119-125. <https://doi.org/10.1016/j.molcatb.2012.09.004>
31. Falus, P.; Boros, Z.; Hornyánszky, G.; Nagy, J.; Darvas, F.; Üрге, L.; Poppe, L. *Stud. Univ. Babeş-Bolyai Chem.* **2010**, *55*(4), 289-298. <http://mycite.omikk.bme.hu/doc/103010.pdf>
32. Falus, P.; Boros, Z.; Hornyánszky, G.; Nagy, J.; Darvas, F.; Üрге, L.; Poppe, L. *Tetrahedron Lett.*, **2011**, *52*, 1310-1312. <https://doi.org/10.1016/j.tetlet.2011.01.062>
33. Pilbák, S.; Tomin, A.; Rétey, J.; Poppe, L. *FEBS J.* **2006**, *273*(5), 1004-1019. <https://doi.org/10.1111/j.1742-4658.2006.05127.x>
34. Kovács, K.; Bánóczy, G.; Varga, A.; Szabó, I.; Holczinger, A.; Hornyánszky, G.; Zagyva, I.; Paizs, C.; Vértessy, B. G.; Poppe, L. *PLoS ONE* **2014**, *9*(1), e85943. <https://doi.org/10.1371/journal.pone.0085943>
35. Poppe, L. *Curr. Opin. Chem. Biol.*, **2001**, *5*, 512-524. [https://doi.org/10.1016/S1367-5931\(00\)00253-2](https://doi.org/10.1016/S1367-5931(00)00253-2)
36. Poppe, L.; Rétey, J. *Angew. Chem.*, **2005**, *117*, 3734-3755; *Angew. Chem., Int. Ed. Engl.*, **2005**, *44*, 3668-3688. <https://doi.org/10.1002/anie.200461377>
37. Poppe, L.; Paizs, C.; Kovács, K.; Irimie, F.-D.; Vértessy, B.: "Preparation of unnatural amino acids with ammonia-lyases and 2,3-aminomutases", in *Methods in Molecular Biology*, Vol. 794 "Unnatural amino acids", Part 1; New York: Springer Science+Business Media, **2012**, pp 3-19. [https://doi.org/10.1007/978-1-61779-331-8\\_1](https://doi.org/10.1007/978-1-61779-331-8_1)
38. Poppe, L.; Pilbák, S.; Paizs, C.; Rétey, J. *Stud. Univ. Babeş-Bolyai Chem.* **2008**, *53*(2), 15-19. <http://mycite.omikk.bme.hu/doc/66210.pdf>
39. Seff, A. L.; Pilbák, S.; Poppe, L. *Stud. Univ. Babeş-Bolyai Chem.* **2008**, *53*(2), 67-71. <http://mycite.omikk.bme.hu/doc/66209.pdf>
40. Weiser, D.; Bencze L. C.; Bánóczy, G.; Ender, F.; Kókai, E.; Szilágyi, A.; Vértessy, B. G.; Farkas, Ö.; Paizs, C.; Poppe, L. *ChemBioChem* **2015**, *16*(16), 2283-2288. <https://doi.org/10.1002/cbic.201500444>

### From synthetic chemistry to enzyme engineering – Introduction of the Bioorganic Chemistry Group

The Bioorganic Chemistry Research Group was established in 2005 at the Department of Organic Chemistry and Technology, Budapest University of Technology and Economics by Prof. László Poppe. Furthermore, two senior scientist, one postdoctoral fellow, 11 PhD students and 30-40 undergraduate students contribute to our research results. At BME about 220 m<sup>2</sup> well-equipped laboratory space is available for bioorganic chemistry research (with equipment for synthetic, biotransformation and basic protein works; 2 HPLC's, 3 GC's, 3 UV-VIS, FTIR, gel-electrophoresis, bench-top centrifuges, pumps and continuous-flow reactors). In addition, high performance PC's and molecular modeling program packages are available for protein modelling and QM/MM investigations.

The activity of Bioorganic Chemistry Group (BCG) covers a wide range of topics from development of novel synthetic methods, mostly using biocatalysis<sup>1</sup> for stereoselective synthesis<sup>2</sup> via novel enzyme immobilization methods and stereoselective hydrolase-catalyzed processes<sup>3</sup> in continuous-flow mode to sophisticated QM/MM calculations for exploring enzyme mechanisms.<sup>4,5</sup> The most studied enzymes by BCG are lipases and the so-called MIO enzymes.

One of BCG's major interest is to develop novel forms of immobilized enzymes and to perform kinetic resolutions or enantioselective biotransformations with them, preferably in continuous-flow mode (Fig. 1). The FLOWREAC project allowed us to utilize the continuous-flow technology of ThalesNano and gain expertise in enzyme-immobilization (Fig. 1B and 1C) and in development of continuous-flow biotransformations (Fig. 1C and 1D).

Enzyme immobilization on a solid support is one of the methods to use enzymes in industry because it confers easy product separation and enhanced thermal and pH stability. Ideal properties for immobilization support include chemical and mechanical stability, hydrophilicity, inertness toward enzymes, ease of derivatization, biocompatibility, resistance to microbial attack, and a large surface area. Among the many organic and inorganic supports our group focused mostly on mesoporous silica materials (MPs) for use in enzyme immobilization.<sup>6-8</sup> MPs have large surface areas with relatively large-pore diameters (5–100 nm) that match the sizes of the enzymes.

Entrapment is a useful technique of enzyme immobilization. The sol-gel encapsulation of lipases proved to be a particularly easy and effective way to enhance the mechanical and catalytic properties of biocatalysts. The sol-gel encapsulated enzymes usually retain their selectivity whereas their heat stability or specific activity may be significantly improved. BCG researchers investigated the lipase immobilization by entrapment in sol-gel matrices to study the effect of enzymes, supports, enzyme/support ratios, silane precursor composition and bioimprinting effect of additives.<sup>10-14</sup> In addition to test the resulting sol-gel lipases in kinetic resolution of 1-phenylethanol using batch mode, the reactions were studied in continuous-flow systems as well.<sup>8</sup>

BCG demonstrated for the first time that the inexpensive glycerol diglycidyl ether (GDE) could be used conveniently as a bis-epoxide type cross-linking agent in preparation of cross-linked enzyme aggregates (CLEAs) from two different enzyme classes (Fig. 4).<sup>16</sup>

A number of multi-ton industrial processes use enzymatic kinetic resolution, often with lipases that tolerate different substrates. This initiated the activity of BCG to develop novel kinetic resolution (KR) and dynamic kinetic resolution (DKR) processes (Fig. 5 and Fig. 6). Because efficient screening methods has increasing significance in rapid evaluation of novel biocatalysts BCG developed a multi-substrate kinetic resolution screening method for lipase biocatalysts based on enantioselective GC method.<sup>17</sup>

Stereoselective biotransformations – such as asymmetric biotransformation, kinetic resolution and dynamic kinetic resolution – developed by BCG enabling the continuous-mode hydrolase-mediated production of compounds in high enantiomeric purity are discussed (Fig 8).

Besides recombinant production and experimental biochemical studies on PAL,<sup>35,36</sup> BCG researchers performed theoretical calculations such as homology modeling, docking, molecular dynamics and QM/MM calculation on the MIO-enzymes. A detailed QM/MM study on the mechanism of the TAL reaction revealed the *N*-MIO intermediate as the most plausible for the TAL reaction.<sup>4</sup> We explored for the first time the role of Tyr300 in a tandem nucleophilic and electrophilic enhancement by a proton transfer.

The synergy and integration between various research interests of BCG involving novel stereoselective synthetic methods by chemoenzymatic techniques, intensification of biotransformations by novel immobilization methods of various enzymes and by continuous-flow reactions together with enzyme structural and mechanistic studies by experimental and computational techniques can result in novel, effective and ecofriendly synthetic methods. Thus, the complex research efforts of BCG can have positive impact on the development modern, integrated synthetic methods, or even on human applications of the biocatalysts.