

# CATÁLOGO DE REPRODUCTORES DE PURA RAZA MENORQUINA DOMA MENORQUINA Y DOMA CLÁSICA

EQUINE IMAGES  
FRED  
FISCH  
DATE



## CATÁLOGO 2017





**ASSOCIACIÓ DE CRIADORS I PROPIETARIS  
DE CAVALLS DE RAÇA MENORQUINA**

# **Pura Raza Menorquina. Catálogo de reproductores para Doma Menorquina y Doma Clásica (2017).**

## **Menorca Purebred Horse. Catalog of breeding stock for Menorca Dressage and Classic Dressage (2017).**

---

### **Autores de contenido**

Ester Bartolomé Medina; M<sup>a</sup> Dolores Gómez Ortiz; M<sup>a</sup> José Sánchez Guerrero; Sara Negro Rama; Julia Poyato Bonilla; Mercedes Valera Córdoba.

### **Edición**

Grupo de Investigación MERAGEM (PAI-AGR-158 y AGR-273)

E-mail: agr158equinos@gmail.com

<http://www.uco.es/genetica/MERAGEM/Indice.htm>

### **Información Funcional:**

Doma Menorquina: Federación Hípica de las Illes Balears. Delegación de Menorca.

*C/ Ses Escoles, 23. 07748 Es Mercadal (España)*

*Tel/Fax . 971 154 225*

Doma Clásica: Asociaciones de Criadores y Real Federación Hípica Española.

*C/ Monte Esquinza, 28, 3<sup>o</sup> izqda. 28010 Madrid (España)*

*Tel. 91 43 64 200 – Fax. 91 57 50 844*

**Información Genética:** Diseño de los modelos genético-estadísticos, preparación de los datos y valoración genética.

**Departamento de Ciencias Agroforestales, ETSIA.**

**Universidad de Sevilla.**

*Ctra. de Utrera Km.1 . 41013 Sevilla (España)*

*Tel. 954 487 748 Fax. 954 486 436*

**Departamento de Genética, Facultad de Veterinaria.**

**Universidad de Córdoba.**

*Campus de Rabanales. Edif. Gregor Mendel, planta baja*

*Ctra. Madrid-Córdoba Km 396a. 14071 Córdoba (España)*

*Tel. 957 211 070 / 957 218 735 – Fax. 957 218 707*

**Información Genealógica:** Libro Genealógico del Caballo de Pura Raza Menorquina.

**Asociación de Criadores y Propietarios de Caballos de Raza Menorquina.**

*Edificio Sa Roqueta. C/ Bijuters, 36. 07760 Ciutadella de Menorca (España)*

*Tel/Fax . 971 48 09 16*

**ISBN:** 978-84-697-7343-7

**Diseño gráfico y maquetación:** Grupo de Investigación MERAGEM.

**Financiación:** Asociación de Criadores y Propietarios de Caballos de Raza Menorquina; Ministerio de Agricultura y Pesca, Alimentación y Medio Ambiente; Consell Insular de Menorca.

**Distribución:** Asociación de Criadores y Propietarios de Caballos de Raza Menorquina.



*Carina Maxwell*  
EQUINE IMAGES

# GRUPO DE INVESTIGACIÓN MERAGEM

---

Avanzando en nuestro Programa de Mejora, ya se ha elaborado el 5º Catálogo del Caballo de Pura Raza Menorquina, a través de las valoraciones genéticas realizadas con los datos de los animales en control de rendimiento (Doma Menorquina y Doma Clásica) hasta finales del año 2016. La información recogida en este Catálogo permitirá al ganadero establecer los apareamientos de sus animales con objeto de alcanzar una mejora en la descendencia. Dado que la funcionalidad o la aptitud para la Doma que un animal presenta es la conjunción de su componente genético y de los factores ambientales a los que ha estado sometido desde su concepción (alimentación, manejo, ejercicio, etc), puede existir un mayor o menor grado de discrepancia entre su valor fenotípico (lo que el ganadero percibe al observar al animal en competición) y lo que se espera de él (la capacidad que tiene el animal de transmitir determinados caracteres a la descendencia). Por ello es muy importante reseñar que los valores reflejados en este Catálogo se refieren al componente genético de cada carácter y por consiguiente hay que tener en cuenta todos esos otros factores que van a condicionar que estos valores genéticos se expresen en mayor o menor medida.

Así mismo, siempre hay que tener en cuenta los valores genéticos junto con su nivel de fiabilidad, que va a depender de numerosos factores, entre los que destaca la cantidad y calidad de la información disponible y la profundidad de las genealogías de los animales en control de rendimientos, junto con su grado de conexión genética.

Desde luego la mejora genética de la Raza estará siempre en manos de los ganaderos, que con su buen hacer y con la ayuda de la información recogida en este Catálogo podrán diseñar los acoplamientos que contribuyan a obtener el máximo progreso genético de la Raza sin perder la variabilidad de la misma. También es fundamental el esfuerzo que realiza cada día la Asociación de Criadores y Propietarios de Caballos de Raza Menorquina en cada una de las fases del Programa Mejora, intentando facilitar al grupo MERAGEM datos objetivos y fiables que permiten realizar las correspondientes valoraciones genéticas.

Me congratula felicitar a todos los ganaderos cuyos ejemplares han sido reconocidos con alguna Categoría Genética en este Catálogo, pues a través de su descendencia se podrá ir avanzando en la Mejora Genética de la Raza. Continúo animando a los ganaderos y los miembros de la Asociación de Criadores a esforzarse por incrementar día a día los animales en control de rendimientos (Doma Clásica, Doma Menorquina y Conformación-funcional y Movimientos Básicos), que nos ayudarán a alcanzar fiabilidades más altas en las sucesivas valoraciones genéticas y con ello animales con categoría de Reproductores Mejorantes para asegurar un mayor y más rápido progreso genético, que repercutirá en la mejora para la Raza.

**M<sup>a</sup> Mercedes Valera Córdoba**

Directora del Programa de Mejora del Caballo de Pura Raza Menorquina

# ASOCIACIÓN DE CRIADORES Y PROPIETARIOS DE CABALLOS DE RAZA MENORQUINA

---

Un año más, la Asociación de Criadores y Propietarios de Caballos de Raza Menorquina apuesta por el desarrollo de herramientas útiles, atractivas y sencillas para los criadores que contribuyan a la conservación y selección de los ejemplares criados dentro y fuera de nuestras fronteras.

Este año, además de un Catálogo de Reproductores, la Asociación de Criadores ha organizado una Jornada Informativa sobre las actuaciones del Programa de Mejora de la Raza durante los días 6 y 7 de octubre. En ella se contó con la participación de tres expertos reconocidos a nivel internacional, que explicaron cómo utilizar las herramientas disponibles para el Caballo de Pura Raza Menorquina en la actualidad con fines conservadores y selectivos, y cuales son las medidas de conservación ex-situ que se pueden desarrollar para garantizar el mantenimiento de variabilidad genética existente en la población actual.

Teniendo en cuenta la demanda del mercado ecuestre internacional y la información disponible para nuestra Raza, el Catálogo se orienta de nuevo hacia la selección de reproductores que favorezcan la consecución de una descendencia más funcional y con una mayor calidad de los aires básicos para destacar en las pistas deportivas. Para ello, se incluyen los resultados obtenidos en las valoraciones genéticas oficiales para Doma Clásica y Doma Menorquina, en base a los controles de rendimientos oficiales disponibles hasta finales de 2016.

La información contenida en las páginas de este Catálogo es muy importante para la difusión de la mejora en la población. Por ello, todos los criadores deberían tenerla en cuenta a la hora de diseñar los apareamientos entre los reproductores, potenciando el uso de animales con categoría genética, para ayudar a difundir la mejora a las nuevas generaciones y a conseguir valoraciones genéticas más fiables. Así mismo, es importante recordar que la normativa zootécnica vigente sólo permite el uso de métodos de reproducción artificial (inseminación artificial y trasplante de embriones) para animales poseedores de categorías genéticas oficiales.

Y para terminar, un año más, nos gustaría agradecer el esfuerzo realizado por parte de los ganaderos, jinetes, técnicos, jueces y aficionados que ayudan a la organización y desarrollo de los controles de rendimiento oficiales; de las instituciones que colaboran económicamente en su celebración, y de los genetistas e investigadores que depuran los datos, realizan la valoración genética y elaboran el presente Catálogo de Reproductores.

**Antoni Bagur Moll**  
Presidente de la Asociación

**M<sup>a</sup> Dolores Gómez Ortiz**  
Directora Técnica del Libro Genealógico

# PROGRAMA DE MEJORA DEL CABALLO DE PURA RAZA MENORQUINA

---

En el año 2002, el actual Ministerio de Agricultura y Pesca, Alimentación y Medio Ambiente (MAPAMA) presentó el Plan de Ordenación y Fomento del Sector Equino Español, como base fundamental para la puesta en marcha de una política integrada en la cría y mejora del caballo en nuestro país.

El marco jurídico de este plan comenzó con el Real Decreto 1133/2002, de 31 de octubre, derogado por el Real Decreto 2129/2008, de 26 de diciembre, por el que se establece el Programa Nacional de Conservación, Mejora y Fomento de las Razas Ganaderas. Desde entonces, se ha generado una gran cantidad de normativa que regula, desde los ámbitos más básicos (sanidad, control de rendimientos) hasta los más avanzados e innovadores, dentro de los cuales destacan las normas que regulan los diferentes Programas de Mejora y el Real Decreto 1515/2009 de identificación equina.

En este sentido, la Asociación de Criadores y Propietarios de Caballos de Pura Raza Menorquina, en colaboración con el Grupo de Investigación MERAGEM, está desarrollando el Programa de Mejora de la Raza que combina tanto las actuaciones orientadas a la cría y selección de los ejemplares, como a la conservación genética de esta población. El objetivo general de este programa es conseguir animales con una conformación, dentro de lo establecido por el patrón racial, adecuada a sus actitudes funcionales y con unas cualidades temperamentales (nobleza e inteligencia) que faciliten el manejo en la doma y les permitan destacar en las disciplinas en las que participen. Este objetivo general se divide a su vez en una serie de objetivos específicos:

- Obtención de animales con unas determinadas características morfológicas (dentro del patrón racial) que favorezcan una mejora indirecta de su rendimiento funcional.
- Obtención de caballos con un temperamento equilibrado y una aptitud funcional adecuada para la doma básica.
- Obtención de caballos que puedan destacar en las competiciones deportivas en las que participen (Doma Clásica y Doma Menorquina), tanto a nivel nacional como internacional.
- Obtención de animales sanos, que no posean defectos hereditarios que puedan ocasionar problemas transmisibles a su descendencia.
- Selección de los animales, manteniendo en todo momento la variabilidad genética existente en esta Raza, y minimizando el nivel de endogamia y parentesco de la población.

Asimismo, el Programa de Mejora actual establece que la valoración genética de los animales para su aptitud funcional en las disciplinas de Doma Menorquina y Doma Clásica, se realice a partir de la información recopilada tanto en las Pruebas de Selección de Caballos Jóvenes como en las pruebas oficialmente reconocidas para estas disciplinas en las que participen animales de la Raza.

# CATEGORÍAS GENÉTICAS DE LOS REPRODUCTORES

---

La Orden APA/1018/2003, que regula los Esquemas de Selección y los Controles de Rendimientos para la evaluación genética de los équidos de raza pura en España, establece en el ámbito de los Programas de Mejora, las categorías de Joven Reproductor Recomendado (JRR) y Reproductor Mejorante (RM) en función del índice genético y el nivel de fiabilidad obtenido tras la valoración genética de los animales, a partir de los datos generados en las Pruebas de Selección de Caballos Jóvenes y los controles de rendimientos oficiales incluidos en el Programa de Mejora de cada Raza.

Podrán optar a la categoría genética de JRR aquellos animales (machos y hembras) participantes en las pruebas de Control de Rendimientos establecidas en el Programa de Mejora del Caballo de Raza Menorquina, que hayan obtenido una valoración genética superior a la media poblacional en dicha disciplina (Índice Genético Global > 100), exigiéndose además en el caso de los machos que no estén castrados o que dispongan de semen congelado.

Un caballo (macho o hembra) con la categoría genética de RM deberá haber obtenido un Índice Genético Global para el carácter superior a 100 y una fiabilidad superior o igual al 40%. Además el reproductor debe de tener al menos una cría participando en los Controles de Rendimientos de la disciplina para la que optan a tal categoría genética, con el objeto de haber realizado una valoración genética por la descendencia. Y al igual que para la categoría de JRR, los sementales no pueden estar castrados o, en su caso, deben poseer semen congelado.

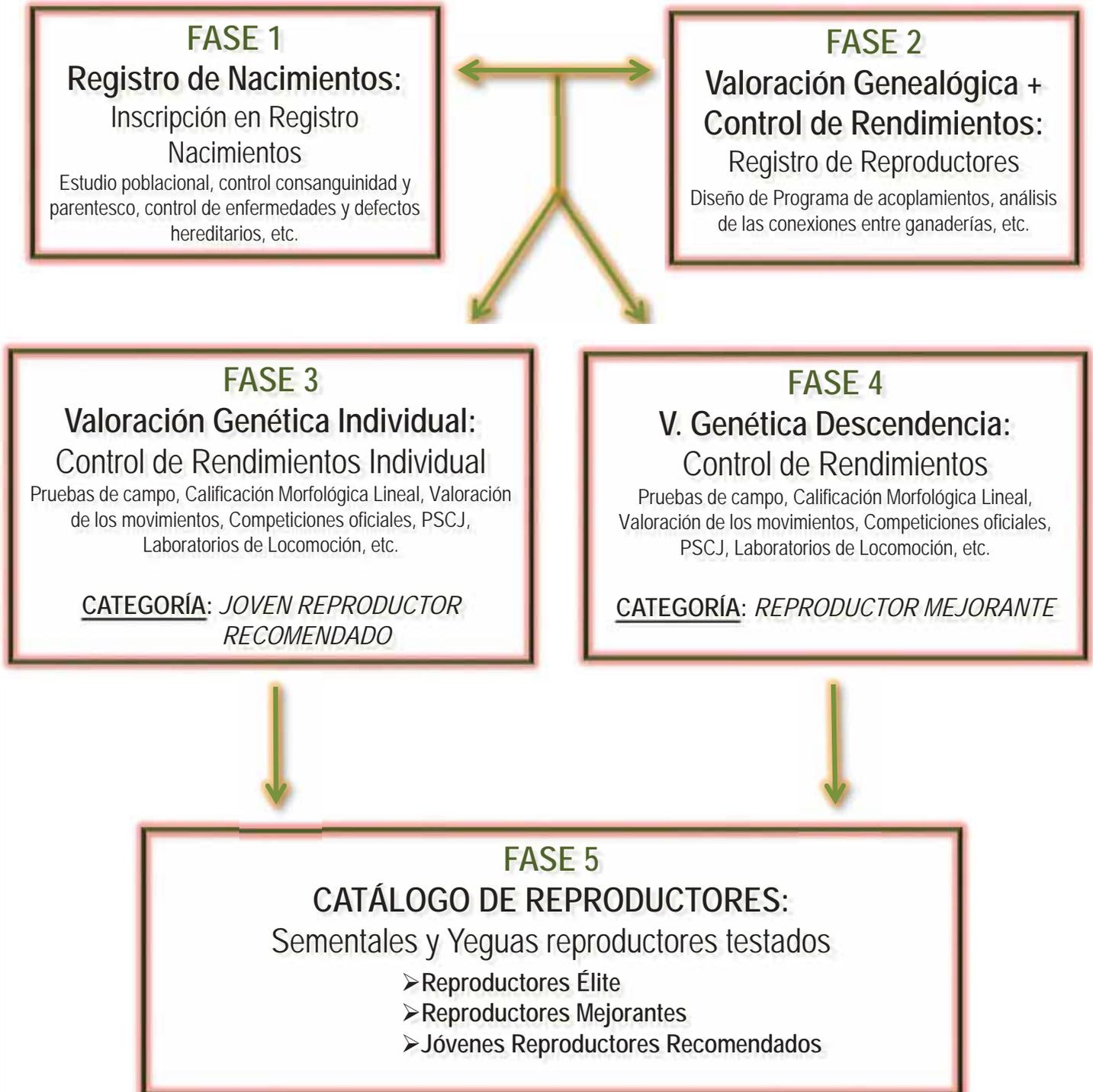
Se recomienda la utilización como reproductores, de los animales que hayan obtenido las categorías genéticas de JRR y RM con la finalidad de:

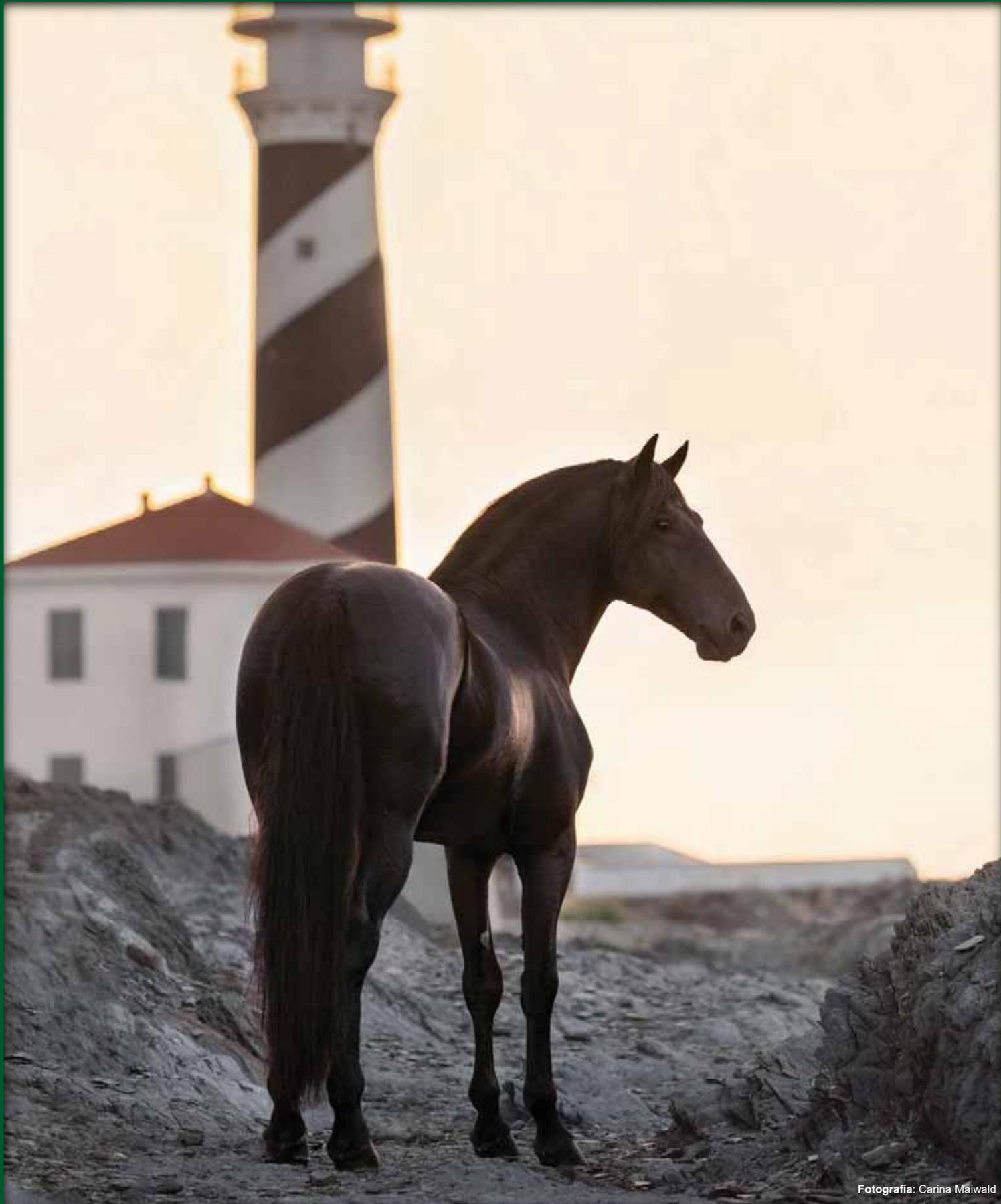
1. Contar con un plantel de reproductores testados genéticamente que implique una reducción del intervalo generacional y, consecuentemente, un mayor progreso genético de la Raza.
2. Incentivar su reproducción con el objetivo de poder optar a la categoría de Reproductor Élite.



Fotografía: Sonia Mascaró Juanico

# FASES DEL PROGRAMA DE MEJORA GENÉTICA DEL CABALLO DE PURA RAZA MENORQUINA





# FICHA DE VALORACIÓN

## Identificación del animal y Datos Genealógicos

### Identificación

UENL/CÓDIGO DEL LG

MICROCHIP

SEXO

AÑO NACIMIENTO

CRIADOR

TITULAR

$F_G = (\%)$  (\*)

$F_M = (\%)/N.D.$

$f_{ij} = (\%)$

$a_{ij} = (\%)/N.D.$

En el apartado de identificación, se recoge la información del nombre, el código, el microchip, el sexo, el año de nacimiento, el criador y el propietario actual de cada ejemplar.

Para facilitar la gestión genética se ha añadido el valor de la consanguinidad de cada ejemplar, tanto calculada a partir de datos genealógicos ( $F_G$ ) como moleculares ( $F_M$ ), y el valor de coascendencia genealógica ( $f_{ij}$ ) y molecular ( $a_{ij}$ ) con el resto de animales vivos del sexo opuesto.

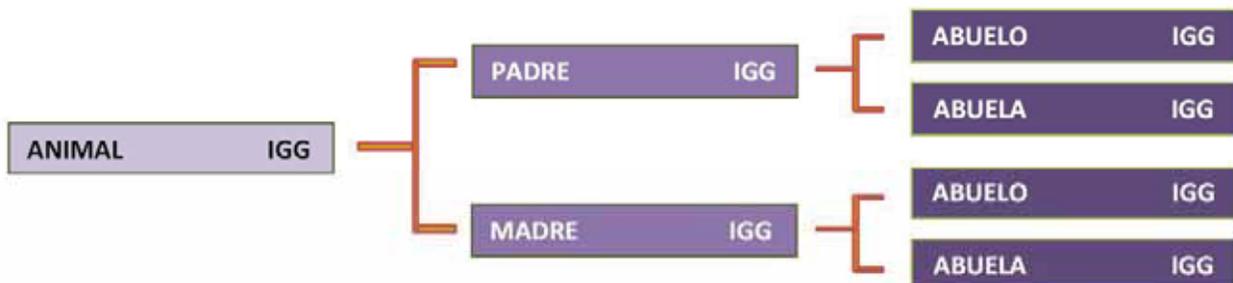
(\*) Ver explicaciones en el apartado "preguntas de interés", N.D. es No disponible.

### Datos Genealógicos

En el apartado de datos genealógicos se recogen los nombres de los antecesores del animal (padres y abuelos).

Para cada antecesor se incluye también su Índice Genético Global (IGG) que combina las variables en estudio, expresado en desviaciones con respecto a la media poblacional (100). Estos valores se han estimado a partir de los resultados obtenidos por las relaciones de parentesco de cada uno de los antecesores.

Si los valores genéticos son superiores a 100, indican que el antecesor es superior a la media de la población estudiada; por el contrario, si es inferior a 100, el antecesor es inferior a la media poblacional.



# FICHA DE VALORACIÓN

## Valores Genéticos Parciales e Índice Genético Global

### Valores Genéticos Parciales

Este bloque representa la culminación de la valoración genética del animal para las variables que se han considerado más interesantes respecto a las disciplinas de Doma Menorquina (DM) y Doma Clásica (DCI). Se ha diseñado un modelo de valoración genética para cada uno de los caracteres evaluados, incluyendo todos los factores de corrección ambientales que influyen sobre los resultados de los caracteres considerados en la valoración, para finalmente calcular el valor genético (VG) del animal (predicción de la parte del rendimiento del animal que es debida a su genética). Los caracteres utilizados para la determinación del VG son los siguientes:

#### DOMA MENORQUINA

- Media ponderada de los puntos finales del ejercicio de doma (**PF**).
- Media de los puntos obtenidos en los movimientos menorquines (**MM**).

#### DOMA CLÁSICA

- Media de los puntos obtenidos en el paso.
- Media de los puntos obtenidos en el trote.
- Media de los puntos obtenidos en el galope.
- Puntuación media del ejercicio de doma (**PD**).
- Clasificación total ponderada (**CP**).

Cada VG va acompañado de su fiabilidad (Fia.), que indica la precisión de la estimación. El valor de la fiabilidad depende del valor de la heredabilidad de cada variable, del número de participaciones del animal y sus parientes en los controles de rendimientos, de la conexión existente entre dichas pruebas, del número de pruebas consideradas en la valoración genética y de la distribución equilibrada de las participaciones en las distintas pruebas. Su rango oscila de 0 a 100 y se expresa en porcentaje. Los valores de fiabilidad se han agrupado y codificado de la siguiente manera :

MUY BAJA	*	< 10%	ALTA	****	≥ 40% y <60%
BAJA	**	≥10% y <20	MUY ALTA	*****	≥ 60% y <80%
MEDIA	***	≥ 20% y <40%	SUPERIOR	*****	≥ 80%

### Índice Genético Global

El Índice Genético Global (IGG) del animal recoge de forma ponderada el mérito genético de los animales a partir del valor genético calculado para cada una de las variables estudiadas.

La ponderación empleada en el IGG para la DM es la siguiente: **80% VGPF + 20% VGMM**

La ponderación empleada en el IGG para la DC es la siguiente: **50% VGPD + 50% VGCP**

ÍNDICE	VALOR	FIA.	90	100	110	120
ÍNDICE GENÉTICO GLOBAL	115	★★★★				

# PREGUNTAS DE INTERÉS

---

## **¿Qué utilidad tiene una valoración genética?**

La valoración genética aporta a los criadores criterios objetivos para seleccionar o desechar a los reproductores (elegir la reposición, comprar o vender reproductores, diseñar apareamientos...). Estos criterios pueden ser prioritarios a la hora de esta elección o complementarios a otros.

## **¿Qué significa un valor genético (VG) alto?**

El VG nos da información sobre la calidad genética del animal, es decir, un animal con un VG elevado indica que la mayor parte del rendimiento observable del animal es debida a su genética propiamente dicha y, por lo tanto, tiene capacidad de transmitirlo a la descendencia.

## **¿Un animal con un buen rendimiento en competición tendrá un valor genético (VG) elevado?**

No necesariamente. Es importante saber que el rendimiento deportivo de un animal en las pruebas puede estar condicionado por algunos factores no genéticos (como el entrenamiento o el jinete). Por ello, un animal con buenos resultados en competición puede no tener una valoración genética positiva, ya que su buen rendimiento deportivo se debe a un entrenamiento muy eficiente y al buen hacer del jinete en la pista. En este caso el animal no será capaz de transmitir este potencial a sus crías. Del mismo modo, la causa de unos resultados deportivos mediocres de un animal no siempre es de origen genético (poco nivel de entrenamiento, mal estado de la pista, poco acoplamiento con el jinete, etc., pueden condicionar el rendimiento deportivo).

## **¿Cómo debo interpretar el valor genético (VG) de un carácter?**

Un VG es una predicción de la parte del rendimiento del animal que es debida a la genética del mismo y que por tanto no variará de una competición a otra, siempre que las condiciones ambientales estén estandarizadas, aportando información sobre cómo se comportará en las futuras participaciones de este tipo de pruebas tanto el propio animal (teniendo en cuenta que también intervienen otros componentes no genéticos) como la progenie de este reproductor (en función del VG del otro progenitor).

El VG se expresa en una escala relativa con media 100 y desviación típica 20 (escala de 80 a 120). Por lo tanto, la interpretación del VG de un animal se debe realizar siempre en comparación con el resto de animales para ese mismo carácter en esa misma valoración genética (la comparación del VG de un animal de una valoración actual con el VG de otro animal obtenida en otro momento puede no ser fiable).

# PREGUNTAS DE INTERÉS

## ¿Qué significado tienen el Valor Genético Parcial (VG) y el Índice Genético Global (IGG)?

Un VG parcial indica el valor para cada una de las variables evaluadas genéticamente. En cambio, el IGG es una estimación que ofrece al ganadero la oportunidad de seleccionar caballos genéticamente superiores de forma global para las diferentes características valoradas (VG parciales), al combinarlas de manera ponderada según su importancia para la cría, en la disciplina ecuestre de la que se trate (ver página 12). Es decir, el IGG refleja el potencial genético global del animal para destacar en una disciplina concreta.

A la hora de elegir un plantel de posibles reproductores en una ganadería, el IGG es el valor más fácil de utilizar en la primera preselección, porque combina de forma ponderada los distintos VG parciales estimados. No obstante, cuando el ganadero debe elegir entre varios reproductores con un IGG similar, puede servir de gran ayuda conocer el VG parcial para cada variable, especialmente si éste tiene interés en mejorar una característica determinada en los descendientes (por ejemplo, para la disciplina de Doma Menorquina, al ganadero le puede interesar mejorar principalmente los movimientos menorquines específicos de esta disciplina).

Es importante que los ganaderos y técnicos valoren la importancia que tiene el uso de los VG a la hora de definir el programa de cubriciones de las ganaderías, dado que representan el mérito genético del reproductor. Estos valores nos permiten la comparación entre distintos futuros reproductores, al ser el reflejo de la predicción del futuro comportamiento de la progenie.



Fotografía: Celeste Ribó

# PREGUNTAS DE INTERÉS

## ¿Para qué me sirve saber los Índices Genéticos Globales (IGG) que aparecen en los árboles genealógicos de un animal?

Los IGG que aparecen en la genealogía de un JRR o un RM indican, para cada uno de sus ascendientes (padres y abuelos), el valor del IGG que han conseguido cuando han sido valorados genéticamente a través de los datos aportados por sus descendientes y colaterales. Estos valores son muy interesantes porque nos orientan sobre la línea paterna o materna de mayor IGG y dan una idea del potencial genético de otras posibles crías.

## ¿Qué significan los asteriscos que aparecen en el campo fiabilidad que acompaña tanto a los Valores Genéticos (VG) como al Índice Genético Global (IGG)?

Para cada VG e IGG se ha determinado una fiabilidad. A mayor número de asteriscos, mayor exactitud en la valoración y mayor fiabilidad o seguridad de que ese animal va a repetir el comportamiento deportivo que ha tenido hasta ahora en el futuro (siempre que las condiciones de las pruebas sean semejantes) y va a transmitir esas características a su descendencia.

El valor de la fiabilidad depende del valor de la heredabilidad obtenido para cada variable, del número de participaciones del animal y sus parientes en las pruebas, de la conexión existente entre dichas pruebas, del número de pruebas consideradas en la valoración genética y de la distribución equilibrada de las participaciones en las distintas pruebas.

## ¿Puede variar el Valor Genético (VG) y la fiabilidad de un animal en una evaluación genética posterior?

A mayor fiabilidad, menor es la probabilidad de que cambie el VG de un animal en valoraciones sucesivas. No obstante, una alta fiabilidad sólo se consigue después de muchas participaciones de los animales y de sus parientes en este tipo de pruebas. Mientras la fiabilidad sea baja, la posibilidad de que cambie el VG es alta. Conforme el animal va participando en más pruebas, su fiabilidad va incrementándose y disminuyendo la probabilidad de que cambie su VG de una valoración a otra.

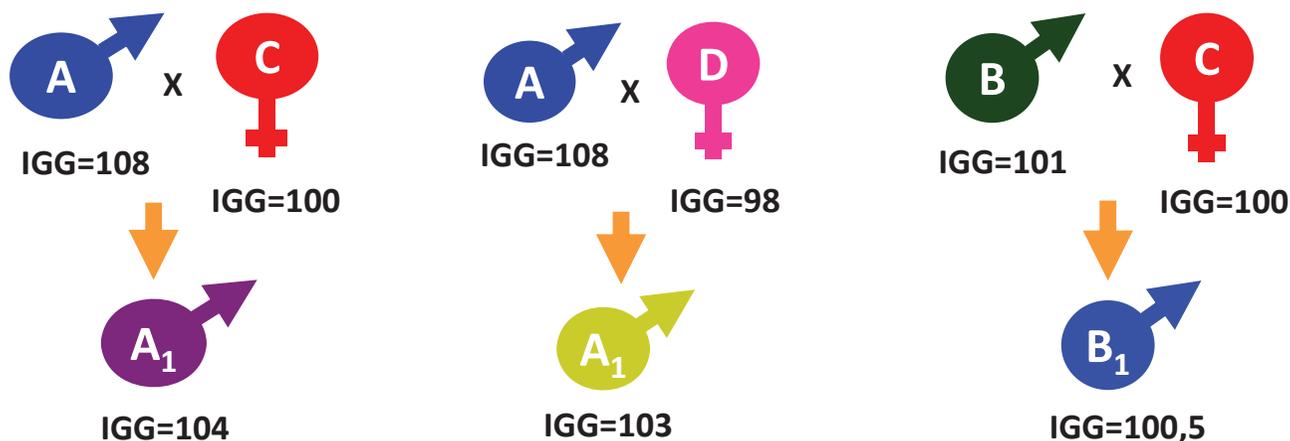


Fotografía: Xisca Martí Marqués

# PREGUNTAS DE INTERÉS

## ¿Cómo puedo seleccionar mis reproductores para mejorar un determinado carácter?

Los apareamientos entre reproductores deben realizarse teniendo en cuenta el VG para cada uno de los caracteres que interese mejorar o teniendo en cuenta el IGG, si quiero mejorar el rendimiento general para una disciplina en una determinada ganadería. Para ello, debemos tener en cuenta tanto el IGG del padre como el de la madre (ver **Figura 1**):



**Figura 1.** Ejemplo cruzamientos entre reproductores.

### NOTA:

Los IGG de los descendientes representan el valor esperado en condiciones medias de cría (alimentación, entrenamiento, jinete, etc). Si estas condiciones se desvían mucho de la media, el resultado no será el esperado.

# PREGUNTAS DE INTERÉS

## ¿Qué es la Consanguinidad de un individuo?

Según el Diccionario Terminológico de las Ciencias Médicas, la consanguinidad (F) se define como el parentesco natural de individuos que descienden del mismo tronco. Esta definición indica que todas las razas de animales domésticos han sido obtenidas a base de cierto grado de consanguinidad. Cada una de estas razas derivan de un tronco común, formado por animales semejantes para los caracteres fenotípicos.

El ganadero cría según sus preferencias fenotípicas, procurando que sus animales tengan unos caracteres comunes, presentando todos ellos una homogeneidad en base a la selección realizada. Para conseguir uniformidad en las ganaderías es necesario cierto grado de consanguinidad. La consanguinidad no mejora las cualidades ni empeora los defectos de los animales, simplemente fija las cualidades, pero también puede fijar los defectos existentes en la población (depresión consanguínea).

El cálculo de F puede realizarse a partir de los datos genealógicos (ver ejemplo de la **Figura 2**) y se denomina “consanguinidad genealógica” ( $F_G$ ) o a partir de los datos moleculares (microsatélites de ADN), denominándose “consanguinidad molecular” ( $F_M$ ).

- Para que un animal sea consanguíneo tiene que tener al menos un antepasado común en su pedigrí.
- En el ejemplo el animal X es consanguíneo. El antepasado común del animal X es el animal E, ya que es un antecesor del padre de X (B) y de la madre de X (N).
- En el ejemplo también son consanguíneos los animales B (antepasado común el animal H) y N (antepasado común el animal T).
- La consanguinidad es una función del número y de la localización de los antepasados comunes en un pedigrí.

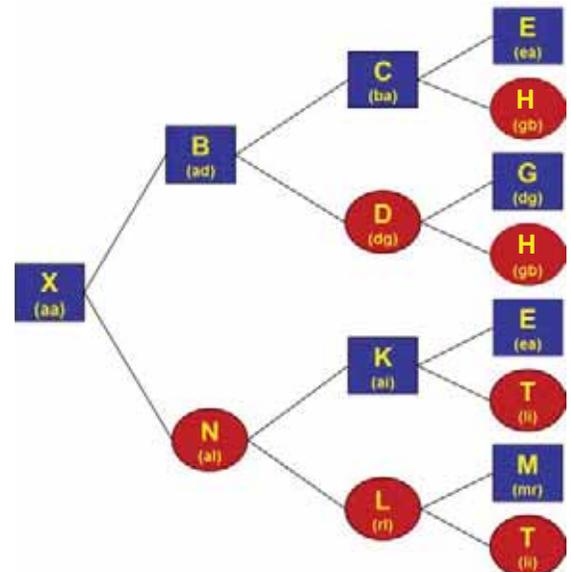


Figura 2. Árbol genealógico.

NOTA:

- Los miles de genes que actuando de forma conjunta determinan un individuo, se heredan en pares de alelos, uno procedente del padre y otro de la madre.
- Si los alelos heredados de ambos padres son idénticos se dice que existe homocigosis.
- Si el par de alelos que se heredan de los padres no son iguales se dice que es heterocigoto para ese par de alelos.

# PREGUNTAS DE INTERÉS

---

## ¿Cuáles son las consecuencias de la Consanguinidad?

1. Aumento de alelos homocigotos (Ejemplo: más aa y menos ba).
2. Fijación de alelos en los subgrupos de individuos más emparentados (Ejemplo: se fija el alelo a).
3. La consanguinidad no aumenta el número de alelos recesivos en la población, pero los hace evidentes. Por ello, las patologías y/o enfermedades recesivas aumentan en las poblaciones consanguíneas (Ejemplo: el alelo a determina que el animal tenga osteocondrosis en homocigosis aa, y como aumenta la proporción de aa en la población, aumenta la aparición de osteocondrosis).
4. Depende además de la existencia de dominancia direccional, o sea, de que los alelos favorables (Ejemplo: bb) sean en promedio dominantes sobre los desfavorables (Ejemplo: aa) . Si no es así, habrá disminución de la media fenotípica de caracteres cuantitativos (Ejemplo: la media de porcentaje de fertilidad en la población global disminuirá).
5. En particular, los caracteres más afectados por el aumento de la consanguinidad suelen estar relacionados con el vigor, la fertilidad y la viabilidad.

## ¿Cuál es el nivel de Consanguinidad máximo aconsejable?

No es posible dar un porcentaje de consanguinidad máximo para la población, ya que es un valor que depende de muchos factores.

En determinadas razas, el nivel máximo de  $F_G$  permitido en sus descendientes debe ser inferior al 6,25%. Este valor probablemente sea excesivamente bajo y en la mayoría de circunstancias y razas de nuestro país podría ser admitido hasta el 10-12% de  $F_G$ , siempre que la población sobre la que se actúa no tenga importantes anomalías genéticas.

Según estudios realizados por numerosos autores, a partir de niveles del 12% de  $F_G$ , un incremento del 1% supone una pérdida del 10% de fertilidad.

Respecto al valor de  $F_M$ , este debe de interpretarse con precaución, ya que en esta Raza se ha calculado a partir de un número reducido de marcadores moleculares, utilizados para los controles de filiación de los animales en el momento de su registro en el Libro Genealógico.

# PREGUNTAS DE INTERÉS

## ¿Qué es la Coascendencia?

El coeficiente de coascendencia genealógica ( $f_{ij}$ ) fue definido por Malécot como la probabilidad de que un alelo tomado al azar del individuo B y un alelo tomado al azar del individuo N, para un mismo *locus*, sean idénticos por ascendencia (copias de un mismo alelo procedente de un antepasado común a ambos). Por otro lado, la coascendencia molecular ( $a_{ij}$ ) se define como la probabilidad de que dos alelos tomados al azar, uno de cada individuo, sean iguales (idénticos en estado).

## ¿Qué utilidad tiene la Coascendencia?

La coascendencia es de gran utilidad para predecir el coeficiente de consanguinidad de un hijo X ( $F_x$ ), ya que el  $F_x$  es igual al coeficiente de coascendencia entre sus padres ( $f_{BN}$ ).

## ¿Cómo puedo planificar los apareamientos teniendo en cuenta la Coascendencia?

Para planificar los apareamientos, se deben tener en cuenta numerosos factores: el estado de salud de los animales, las características morfológicas, la disponibilidad reproductiva, etc. Uno de los factores a considerar es el coeficiente de coascendencia entre los progenitores, utilizando una matriz en cuyas filas se representan las hembras y en las columnas los machos y en la intersección el valor de  $f_{BN}$  y/o de  $a_{ij}$ .

Ejemplo	Macho_01	Macho_02	Macho_03
Hembra_01	0,0000	0,2500	0,0468
Hembra_02	0,0625	0,0000	0,0312
Hembra_03	0,0000	0,0312	0,0000
Hembra_04	0,2656	0,0625	0,0312
Hembra_05	0,0312	0,0000	0,0000

En la matriz se ve que según la consanguinidad y sus posibles efectos perniciosos:

- Es poco aconsejable el apareamiento Macho\_02 x Hembra\_01 ( $f=0,25$ )
- Es poco aconsejable el apareamiento Macho\_01 x Hembra\_04 ( $f=0,2656$ )

Mientras que los posibles cruces entre los progenitores que tienen un coeficiente de coascendencia igual a cero, son desde el punto de vista de la diversidad genética mucho más interesantes para la población.

# PREGUNTAS DE INTERÉS

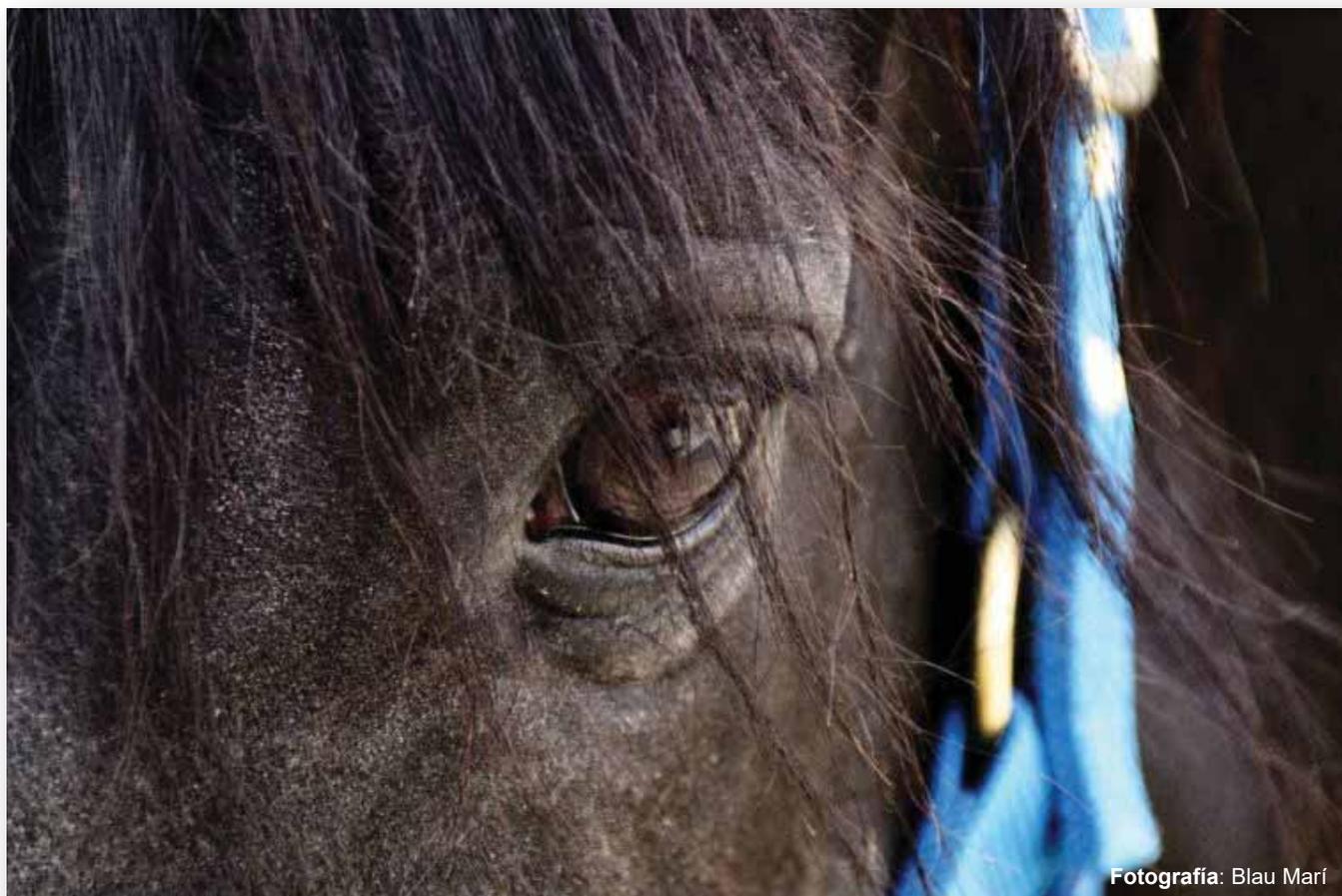
---

## ¿Cómo debo cruzar los animales para no aumentar la Consanguinidad?

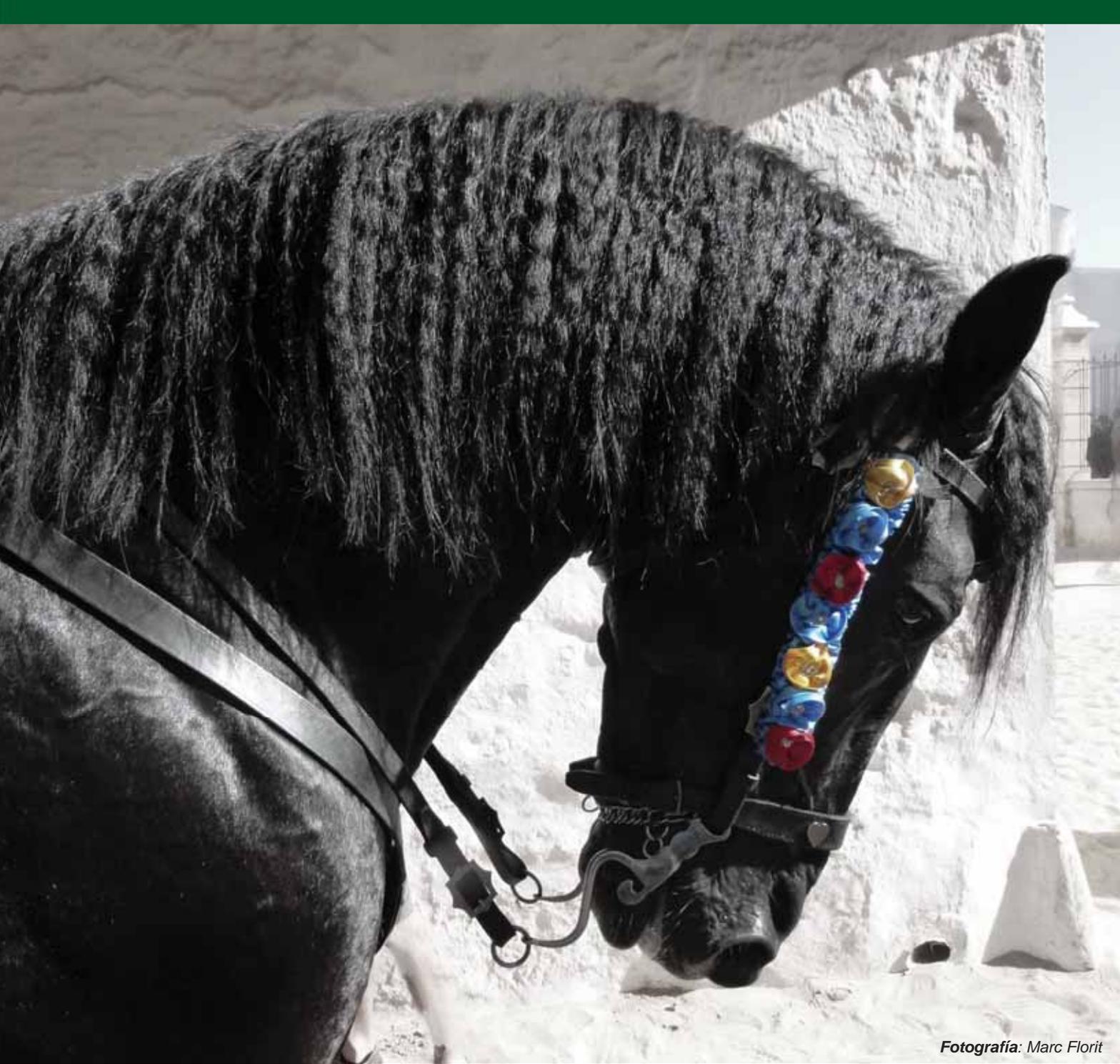
Los apareamientos entre animales deben realizarse teniendo en cuenta parámetros conservacionistas (consanguinidad y coascendencia). De esta manera, aseguraremos que la variabilidad de la población se mantenga alta (condición indispensable para poder llevar a cabo un Programa de Mejora en la Raza).

Un individuo poco consanguíneo y con poca coascendencia comparte un menor número de genes con el resto de individuos de la población. Por ello, es un animal de gran valor para garantizar la supervivencia de la Raza.

Cuando un individuo sea muy consanguíneo o tenga un valor de coascendencia alto respecto a los animales de la población, sería recomendable cruzarlo con otro individuo con el que tuviera una coascendencia baja, para que la consanguinidad de su descendencia no sea elevada.



Fotografía: Blau Marí



*Fotografía: Marc Florit*

# DOMA MENORQUINA



# LA DOMA MENORQUINA

## *Estilo de monta menorquina*

La monta a la menorquina es una modalidad de monta a la jineta, caracterizada por sujetar las riendas con la mano izquierda. Curiosamente, en Menorca, esta modalidad recibe el nombre de “*anar de brilla*”. Este estilo de monta se ha mantenido reducido en el ámbito de las manifestaciones ecuestres con una fuerte tradición, como es el caso de la Doma Menorquina y la Doma Vaquera; al contrario que la monta a la brida, el otro tipo de monta, en la cual el caballo es guiado cogiendo una rienda en cada mano, ha evolucionado con el paso del tiempo y se utiliza en la equitación deportiva y académica actual.

La Doma Menorquina tiene sus orígenes en las fiestas tradicionales de Menorca, un acontecimiento importante y muy respetado por la gente de los pueblos, que han hecho que la tradición se mantenga viva hasta la actualidad, llevándose incluso a actividades de paseo, concursos y espectáculos.

Fuente: Libro de Caballería de las Islas Baleares



# LA DOMA MENORQUINA

## *Figuras y movimientos más característicos*



La fiesta ha creado una estética y un estilo de montar inconfundible y exclusivo, tanto en lo que concierne a la vestimenta de los caballeros y a los adornos de los caballos, como en la forma de utilizar las ayudas para llevar el caballo, es decir, la forma de coger las riendas con la mano izquierda y la combinación de indicaciones con las espuelas y las riendas con el fin de conseguir que el caballo adelante el paso, trote o galope, se detenga, retroceda o gire. Estos aires que los caballos ejecutan durante el transcurso de la fiesta, fruto de una equitación intuitiva, casi instintiva, y el conjunto de formas de montar y adornos, han dado origen a la modalidad ecuestre de Doma Menorquina, cuando estos aires se realizan de forma regulada y reglamentada dentro de una pista.

Los movimientos más característicos de la Doma Menorquina surgen de las fiestas tradicionales en las que el caballo, presionado por una masa de gente, tiene que desplegarse con soltura. La forma más adecuada es el trote con una rotación activa de los posteriores, girando alrededor del tercio anterior, cargando el peso en las espaldas y aliviando el tercio posterior, lo que da la impresión de una pirueta inversa al trote. Este movimiento también puede ejecutarse a la inversa, rotando los anteriores sobre los posteriores, dando la impresión de una pirueta directa al trote.

Aunque, sin duda, el movimiento más característico de la Doma Menorquina es el salto o “bot”, una elevación del tercio anterior, en la que se traslada todo el peso sobre el tercio posterior y se conserva al mismo tiempo la posición de la cabeza y el cuello, sin que salga de mano del jinete. Si el caballo adelanta durante el salto, caminando o saltando con los posteriores juntos, aumenta el grado de dificultad.

Fuente: Libro de Caballería de las Islas Baleares

# **REPRODUCTORES MEJORANTES**



# IDENTIFICACIÓN DEL EJEMPLAR

# DUMAN

UENL/CÓDIGO DEL LG: 191701000100765

MICROCHIP: 7F7F252356

SEXO: MACHO

AÑO NACIMIENTO: 1992

CRIADOR: JAIME MARTI PONS

TITULAR: PEDRO MARTI SALORD

$F_G = 0,00\%$   
 $F_M = 31,78\%$   
 $f_{ijk} = 0,26\%$   
 $a_{ij} = 26,54\%$



## DATOS GENEALÓGICOS



## VALORES GENÉTICOS PARA DOMA MENORQUINA

CARÁCTER	VALOR	FIA.	90	100	110	120
MOVIMIENTOS MENORQUINES	96,62	★★★★	[Progress bar from 90 to ~96]			
PUNTOS POR REPRISE	104,06	★★★★★	[Progress bar from 90 to ~104]			

ÍNDICE	VALOR	FIA.	90	100	110	120
ÍNDICE GENÉTICO GLOBAL	102,57	★★★★★	[Progress bar from 90 to ~103]			

REPRODUCTOR MEJORANTE

# DUMAN

Nº DE HIJOS EN CONTROL DE RENDIMIENTOS

4

Nº DE HIJOS VALORADOS GENÉTICAMENTE

6

## DATOS DE LA DESCENDENCIA

NOMBRE	UEN/CÓDIGO LG	IGG	FIA. (%)	F <sub>G</sub> (%)	F <sub>M</sub> (%)	f <sub>ij,k</sub> (%)	a <sub>ij</sub> (%)
PALERMO	191701000400197	98,90	65,49	0,00	0,00	0,37	0,00
PETRA	191701000400276	100,90	43,07	0,00	31,94	0,84	26,50
RINDA	191701000500034	102,40	44,88	0,00	14,05	0,47	24,62
RUBI	191701000500144	96,30	71,88	0,00	0,00	0,00	0,00
SAID	724002170500256	106,60	71,01	0,00	25,68	1,01	31,74
XAROP HP	724002170600126	109,30	67,17	0,00	27,24	1,16	26,64



# IDENTIFICACIÓN DEL EJEMPLAR

# JALEO FESTER

UENL/CÓDIGO DEL LG: **724002170200176**

MICROCHIP: **20340E5945**

SEXO: **MACHO**

AÑO NACIMIENTO: **1996**

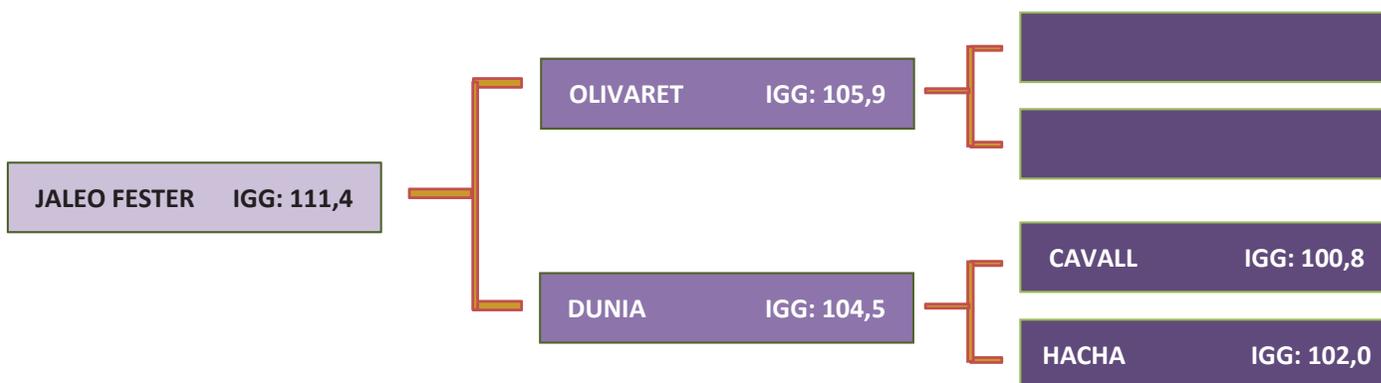
CRIADOR: **ANDRES RUIZ GENER**

TITULAR: **PEDRO VILLALONGA MESQUIDA**

$F_G = 0,00\%$   
 $F_M = 25,46\%$   
 $f_{ij,k} = 0,52\%$   
 $a_{ij} = 25,24\%$



## DATOS GENEALÓGICOS



## VALORES GENÉTICOS PARA DOMA MENORQUINA

CARÁCTER	VALOR	FIA.	90	100	110	120
MOVIMIENTOS MENORQUINES	110,17	★★★★★	[Progress bar from 90 to 110,17]			
PUNTOS POR REPRISE	111,64	★★★★★	[Progress bar from 90 to 111,64]			

ÍNDICE	VALOR	FIA.	90	100	110	120
ÍNDICE GENÉTICO GLOBAL	111,35	★★★★★	[Progress bar from 90 to 111,35]			

REPRODUCTOR MEJORANTE

# JALEO FESTER

Nº DE HIJOS EN CONTROL DE  
RENDIMIENTOS

3

Nº DE HIJOS VALORADOS  
GENÉTICAMENTE

3

## DATOS DE LA DESCENDENCIA

NOMBRE	UEN/CÓDIGO LG	IGG	FIA. (%)	F <sub>G</sub> (%)	F <sub>M</sub> (%)	f <sub>ij,k</sub> (%)	a <sub>ij</sub> (%)
ALBANO	724020000000437	114,00	68,43	0,00	30,92	1,15	27,91
BENZEMA	724904000004997	105,40	65,99	0,00	14,39	0,94	27,23
ZAPE	724020000000214	110,10	74,08	0,00	21,02	1,11	24,86



# IDENTIFICACIÓN DEL EJEMPLAR

# JUSTI

UENL/CÓDIGO DEL LG: 191701000200175

MICROCHIP: 10010000724040000200653

SEXO: MACHO

AÑO NACIMIENTO: 1996

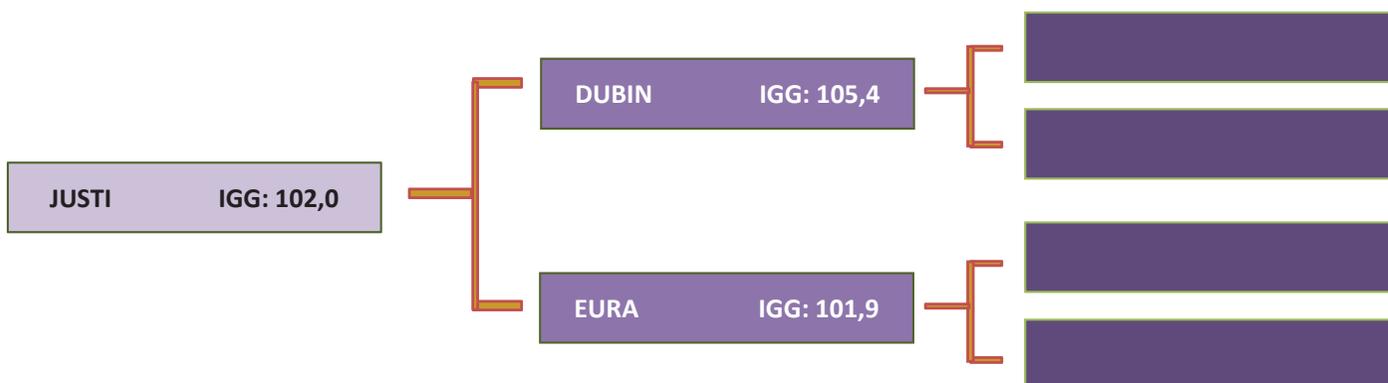
CRIADOR: FRANCISCO FEDELICH SALORD

TITULAR: DAVID PONS HERRERA

$F_G = 0,00\%$   
 $F_M = 18,91\%$   
 $f_{ijk} = 0,58\%$   
 $a_{ij} = 30,15\%$



## DATOS GENEALÓGICOS



## VALORES GENÉTICOS PARA DOMA MENORQUINA

CARÁCTER	VALOR	FIA.	90	100	110	120
MOVIMIENTOS MENORQUINES	100,88	★★★★	[Progress bar from 90 to ~100]			
PUNTOS POR REPRISE	102,22	★★★★★	[Progress bar from 90 to ~105]			

ÍNDICE	VALOR	FIA.	90	100	110	120
ÍNDICE GENÉTICO GLOBAL	101,95	★★★★★	[Progress bar from 90 to ~105]			

# JUSTI

Nº DE HIJOS EN CONTROL DE RENDIMIENTOS

3

Nº DE HIJOS VALORADOS GENÉTICAMENTE

3

## DATOS DE LA DESCENDENCIA

NOMBRE	UEN/CÓDIGO LG	IGG	FIA. (%)	F <sub>G</sub> (%)	F <sub>M</sub> (%)	f <sub>ijk</sub> (%)	a <sub>ij</sub> (%)
ANCO	724020000000394	101,50	66,06	0,00	24,28	1,16	30,85
TRIDENT	724002170500480	91,10	59,77	12,50	0,00	1,41	0,00
URATGE MM	724002170500515	99,20	72,55	0,00	0,00	1,06	0,00



# IDENTIFICACIÓN DEL EJEMPLAR

# NONTE

UENL/CÓDIGO DEL LG: **191701000300294**

MICROCHIP: **985100006333924**

SEXO: **MACHO**

AÑO NACIMIENTO: **2000**

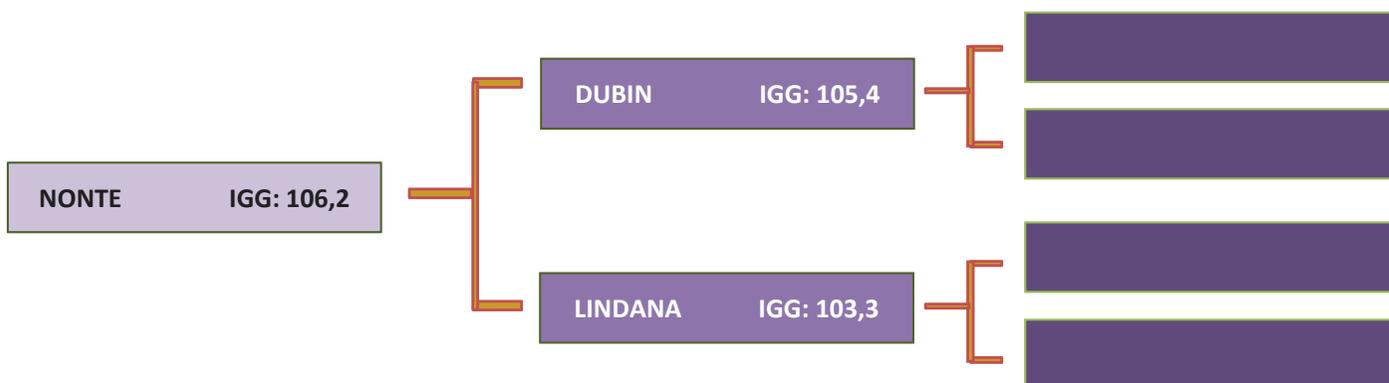
CRIADOR: **JUAN JOSÉ FUXÀ RIERA**

TITULAR: **FAMILIA MARQUÉS TRIAY**

$F_G = 0,00\%$   
 $F_M = 16,98\%$   
 $f_{ijk} = 0,80\%$   
 $a_{ij} = 25,01\%$



## DATOS GENEALÓGICOS



## VALORES GENÉTICOS PARA DOMA MENORQUINA

CARÁCTER	VALOR	FIA.	90	100	110	120
MOVIMIENTOS MENORQUINES	106,21	★★★★	[Progress bar]			
PUNTOS POR REPRISE	106,23	★★★★★	[Progress bar]			

ÍNDICE	VALOR	FIA.	90	100	110	120
ÍNDICE GENÉTICO GLOBAL	106,22	★★★★★	[Progress bar]			

REPRODUCTOR MEJORANTE

# NONTE

Nº DE HIJOS EN CONTROL DE  
RENDIMIENTOS

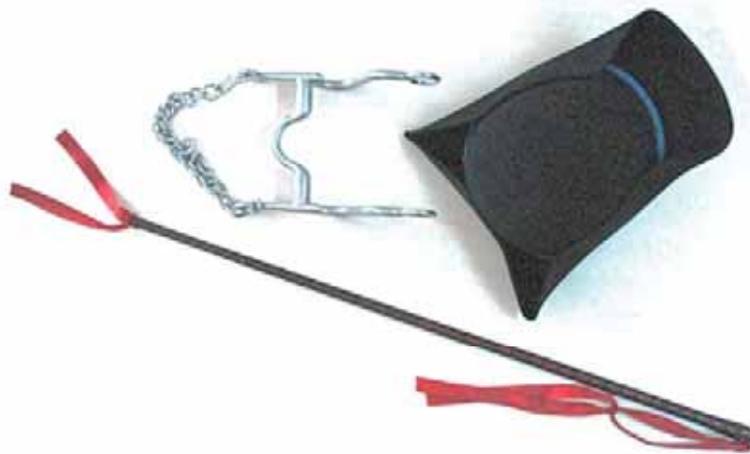
5

Nº DE HIJOS VALORADOS  
GENÉTICAMENTE

7

## DATOS DE LA DESCENDENCIA

NOMBRE	UELN/CÓDIGO LG	IGG	FIA. (%)	F <sub>G</sub> (%)	F <sub>M</sub> (%)	f <sub>ijk</sub> (%)	a <sub>ij</sub> (%)
BINIFAE LL	724020000000684	109,20	66,01	0,00	25,85	1,31	27,03
TELA	724002170500422	98,80	47,20	0,00	21,75	0,92	24,97
TRAVIESO	724002170500388	110,10	75,09	0,00	0,00	0,00	0,00
UNIC	724002170500518	103,60	70,79	0,00	0,00	0,78	0,00
VIDA	724002170500797	100,10	46,04	0,00	15,39	1,06	25,78
XIQUILIN	724002170600212	101,60	72,21	0,00	38,97	1,04	30,69
ZIRIS	724020000000190	95,60	65,46	0,00	32,32	1,07	29,80



# IDENTIFICACIÓN DEL EJEMPLAR

# ONDULADA

UENL/CÓDIGO DEL LG: 191701000400017

MICROCHIP: 985120006823036

SEXO: HEMBRA

AÑO NACIMIENTO: 2001

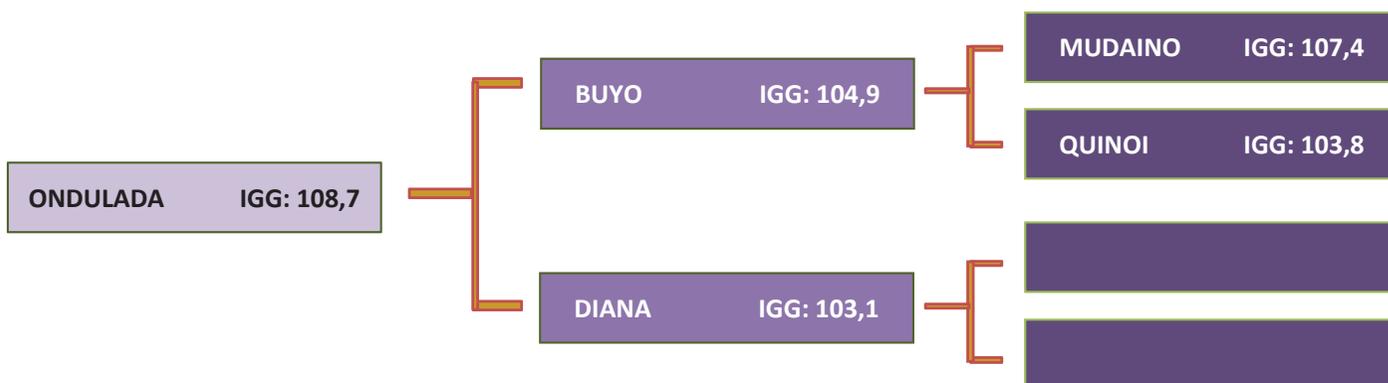
CRIADOR: PEDRO MARQUÉS TALTAVULL

TITULAR: FRANCISCO MARQUÉS TALTAVULL

$F_G = 0,00\%$   
 $F_M = 16,31\%$   
 $f_{ijk} = 0,78\%$   
 $a_{ij} = 27,59\%$



## DATOS GENEALÓGICOS



## VALORES GENÉTICOS PARA DOMA MENORQUINA

CARÁCTER	VALOR	FIA.	90	100	110	120
MOVIMIENTOS MENORQUINES	105,90	★★★★	[Progress bar from 90 to 105,90]			
PUNTOS POR REPRISE	109,40	★★★★★	[Progress bar from 90 to 109,40]			

ÍNDICE	VALOR	FIA.	90	100	110	120
ÍNDICE GENÉTICO GLOBAL	108,70	★★★★★	[Progress bar from 90 to 108,70]			

# ONDULADA

Nº DE HIJOS EN CONTROL DE RENDIMIENTOS

4

Nº DE HIJOS VALORADOS GENÉTICAMENTE

4

## DATOS DE LA DESCENDENCIA

NOMBRE	UEN/CÓDIGO LG	IGG	FIA. (%)	F <sub>G</sub> (%)	F <sub>M</sub> (%)	f <sub>ijk</sub> (%)	a <sub>ij</sub> (%)
ALBANO	724020000000437	114,00	68,43	0,00	30,92	1,15	27,91
BOTILAS	724020000000676	113,00	68,12	3,12	18,66	1,01	26,94
TRAVIESO	724002170500388	110,10	75,09	0,00	0,00	0,00	0,00
ZAPE	724020000000214	110,10	74,08	0,00	21,02	1,11	24,86



**JÓVENES  
REPRODUCTORES  
RECOMENDADOS**



# IDENTIFICACIÓN DEL EJEMPLAR

# ALAMO HP

UEN/CÓDIGO DEL LG: 724020000000289

MICROCHIP: 10010000724040000200022

SEXO: MACHO

AÑO NACIMIENTO: 2010

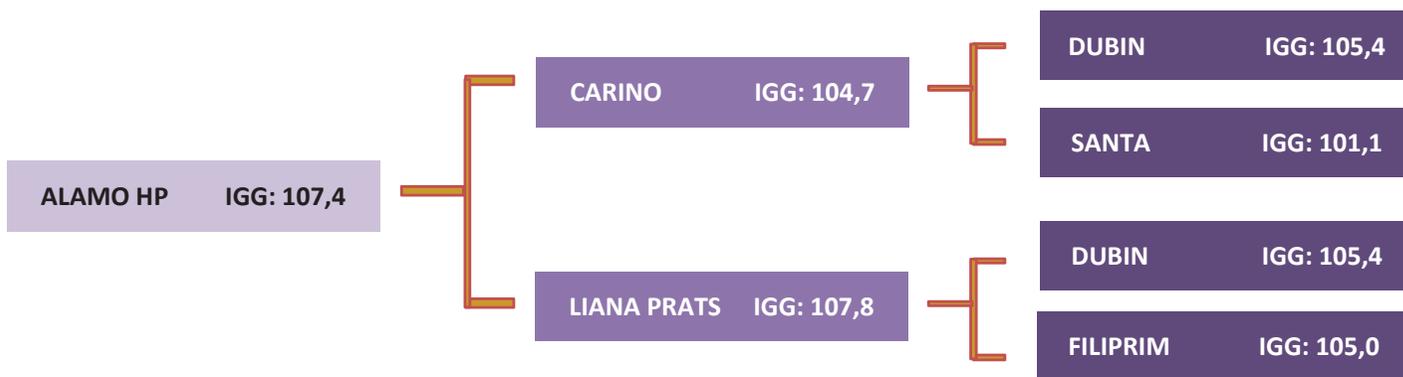
CRIADOR: ANTONIO BOSCH CAPO

TITULAR: FRANCISCO MARQUÉS TALTAVULL

$F_G = 12,50\%$   
 $F_M = 41,51\%$   
 $f_{ijk} = 1,64\%$   
 $a_{ij} = 29,51\%$



## DATOS GENEALÓGICOS



## VALORES GENÉTICOS PARA DOMA MENORQUINA

CARÁCTER	VALOR	FIA.	90	100	110	120
MOVIMIENTOS MENORQUINES	111,24	★★★★	[Progress bar from 90 to 111,24]			
PUNTOS POR REPRISE	106,44	★★★★★	[Progress bar from 90 to 106,44]			

ÍNDICE	VALOR	FIA.	90	100	110	120
ÍNDICE GENÉTICO GLOBAL	107,40	★★★★★	[Progress bar from 90 to 107,40]			

JOVEN REPRODUCTOR RECOMENDADO

# ALBANO

## IDENTIFICACIÓN DEL EJEMPLAR



UENL/CÓDIGO DEL LG: **724020000000437**

MICROCHIP: **10010000724040000200800**

$F_G = 0,00\%$   
 $F_M = 30,92\%$   
 $f_{ijk} = 1,15\%$   
 $a_{ij} = 27,91\%$

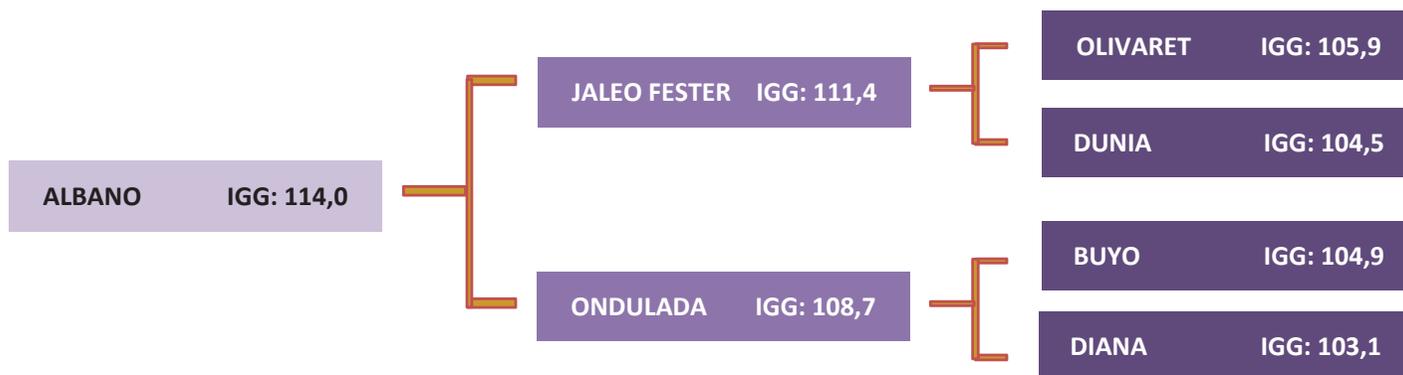
SEXO: **MACHO**

AÑO NACIMIENTO: **2010**

CRIADOR: **FRANCISCO MARQUÉS TALTAVULL**

TITULAR: **FRANCISCO MARQUÉS TALTAVULL**

## DATOS GENEALÓGICOS



## VALORES GENÉTICOS PARA DOMA MENORQUINA

CARÁCTER	VALOR	FIA.	90	100	110	120
MOVIMIENTOS MENORQUINES	110,94	★★★★	[Progress bar from 90 to 110,94]			
PUNTOS POR REPRISE	114,81	★★★★★	[Progress bar from 90 to 114,81]			

ÍNDICE	VALOR	FIA.	90	100	110	120
ÍNDICE GENÉTICO GLOBAL	114,04	★★★★★	[Progress bar from 90 to 114,04]			

## IDENTIFICACIÓN DEL EJEMPLAR

# ALIGOT SF

UEN/CÓDIGO DEL LG: 724020000000315

MICROCHIP: 10010000724040000200128

SEXO: MACHO

AÑO NACIMIENTO: 2010

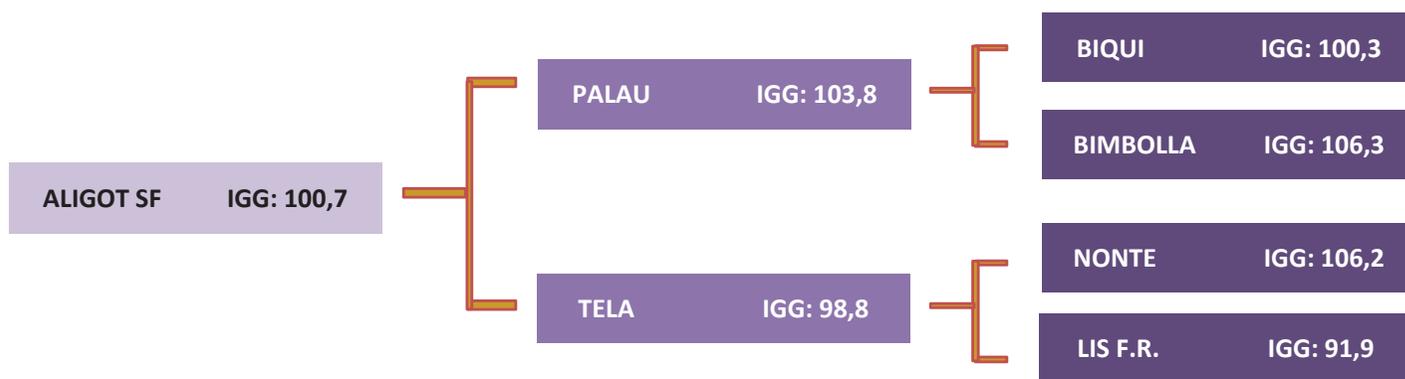
CRIADOR: GANADERIA SON FELIP

TITULAR: PEDRO MARQUÉS FEDELICH

$F_G = 3,12\%$   
 $F_M = 26,92\%$   
 $f_{ijk} = 1,06\%$   
 $a_{ij} = 29,36\%$



## DATOS GENEALÓGICOS



## VALORES GENÉTICOS PARA DOMA MENORQUINA

CARÁCTER	VALOR	FIA.	90	100	110	120
MOVIMIENTOS MENORQUINES	103,62	★★★★	[Progress bar from 90 to 103,62]			
PUNTOS POR REPRISE	99,98	★★★★★	[Progress bar from 90 to 99,98]			

ÍNDICE	VALOR	FIA.	90	100	110	120
ÍNDICE GENÉTICO GLOBAL	100,71	★★★★★	[Progress bar from 90 to 100,71]			

UELN/CÓDIGO DEL LG: 724020000000394

MICROCHIP: 10010000724040000200094

$F_G = 0,00\%$   
 $F_M = 24,28\%$   
 $f_{ijk} = 1,16\%$   
 $a_{ij} = 30,85\%$

SEXO: **MACHO**

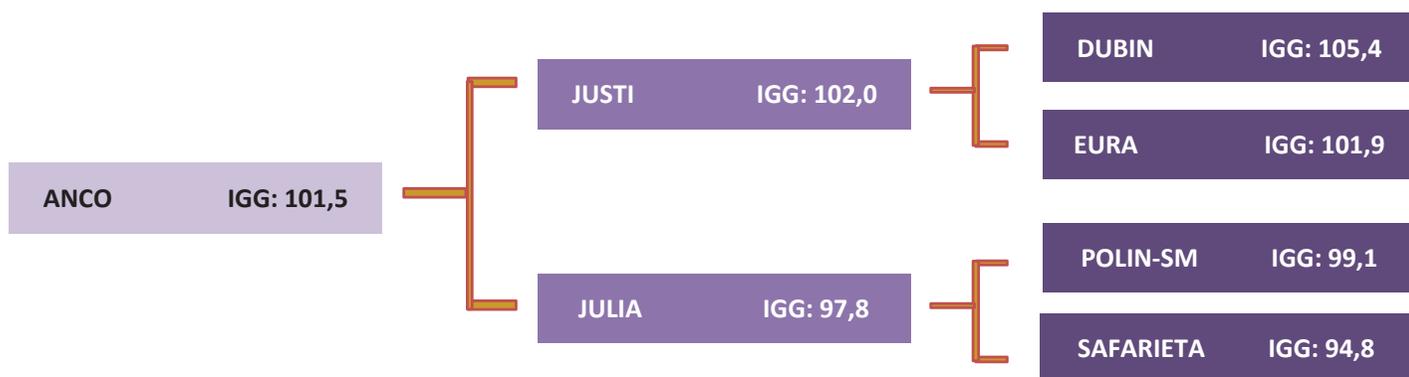
AÑO NACIMIENTO: **2010**

CRIADOR: **ANTONIO PONS GOMILA**

TITULAR: **YUZHNAJA TOCHKA**



## DATOS GENEALÓGICOS



## VALORES GENÉTICOS PARA DOMA MENORQUINA

CARÁCTER	VALOR	FIA.	90	100	110	120
MOVIMIENTOS MENORQUINES	100,09	★★★★	[Progress bar from 90 to 100]			
PUNTOS POR REPRISE	101,89	★★★★★	[Progress bar from 90 to 110]			

ÍNDICE	VALOR	FIA.	90	100	110	120
ÍNDICE GENÉTICO GLOBAL	101,53	★★★★★	[Progress bar from 90 to 110]			

UEN/CÓDIGO DEL LG: 724020000000255

MICROCHIP: 10010000724040000200044

SEXO: MACHO

AÑO NACIMIENTO: 2010

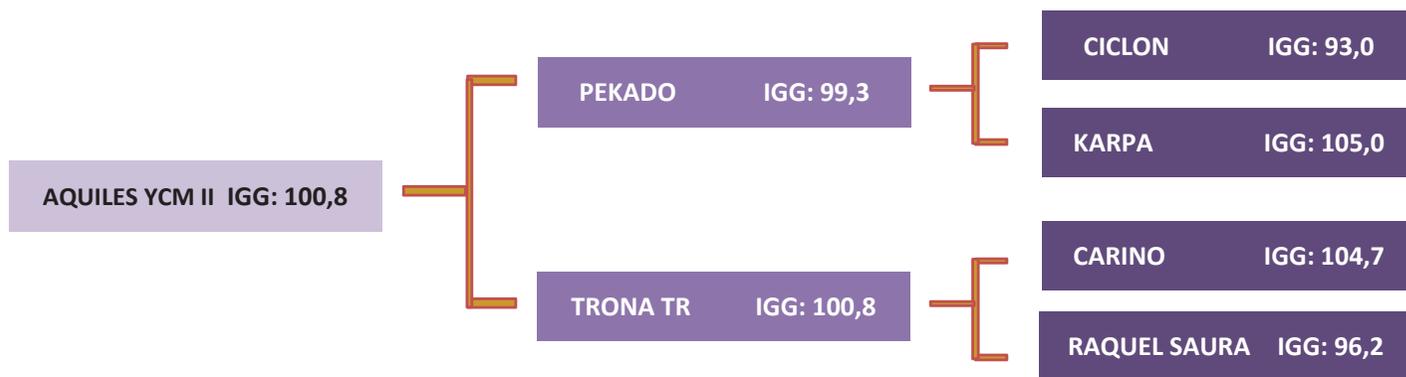
CRIADOR: DAVID CALLEJAS MARQUES

TITULAR: CRISTOBAL CAMPS FLORIT

$F_G = 0,00\%$   
 $F_M = 10,18\%$   
 $f_{ijk} = 0,63\%$   
 $a_{ij} = 28,53\%$



## DATOS GENEALÓGICOS



## VALORES GENÉTICOS PARA DOMA MENORQUINA

CARÁCTER	VALOR	FIA.	90	100	110	120
MOVIMIENTOS MENORQUINES	102,48	★★★★	[Progress bar from 90 to 102,48]			
PUNTOS POR REPRISE	100,40	★★★★★	[Progress bar from 90 to 100,40]			

ÍNDICE	VALOR	FIA.	90	100	110	120
ÍNDICE GENÉTICO GLOBAL	100,82	★★★★	[Progress bar from 90 to 100,82]			

# BARRI

## IDENTIFICACIÓN DEL EJEMPLAR

UENL/CÓDIGO DEL LG: **72402000000624**

MICROCHIP: **10010000724040000200261**

$F_G = 0,00\%$   
 $F_M = 22,93\%$   
 $f_{ijk} = 0,90\%$   
 $a_{ij} = 28,69\%$

SEXO: **MACHO**

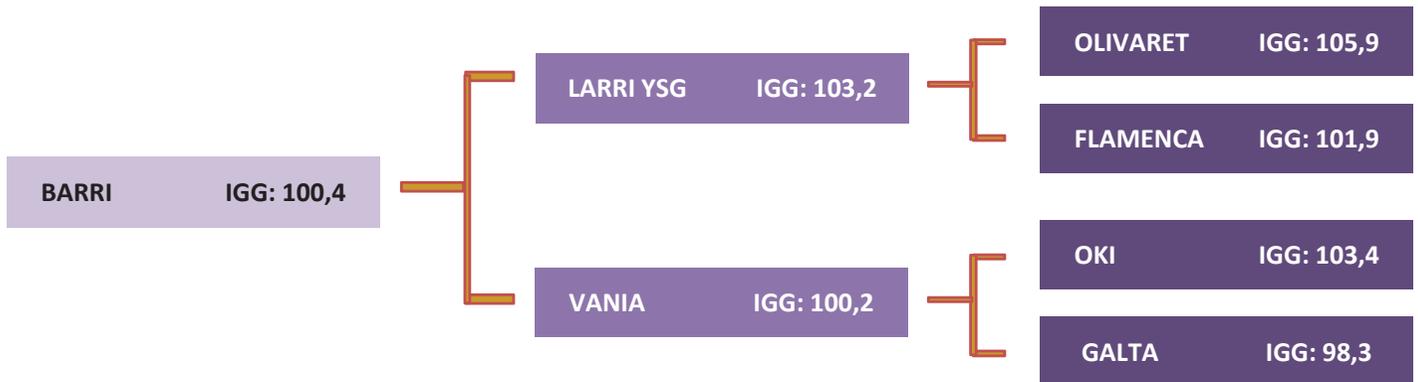
AÑO NACIMIENTO: **2011**

CRIADOR: **GUILLERMO MARQUES GENER**

TITULAR: **GUIEM I TINA SC**



## DATOS GENEALÓGICOS



## VALORES GENÉTICOS PARA DOMA MENORQUINA

CARÁCTER	VALOR	FIA.	90	100	110	120
MOVIMIENTOS MENORQUINES	101,62	★★★★	[Progress bar]			
PUNTOS POR REPRISE	100,14	★★★★★	[Progress bar]			

ÍNDICE	VALOR	FIA.	90	100	110	120
ÍNDICE GENÉTICO GLOBAL	100,44	★★★★★	[Progress bar]			

# IDENTIFICACIÓN DEL EJEMPLAR

# BINIFAELL

UEN/CÓDIGO DEL LG: **724020000000684**

MICROCHIP: **10010000724040000200351**

SEXO: **MACHO**

AÑO NACIMIENTO: **2011**

CRIADOR: **LORENZO GIMENEZ PONS**

TITULAR: **LORENZO GIMENEZ PONS**

$F_G = 0,00\%$   
 $F_M = 25,85\%$   
 $f_{ijk} = 1,31\%$   
 $a_{ij} = 27,03\%$



## DATOS GENEALÓGICOS



## VALORES GENÉTICOS PARA DOMA MENORQUINA

CARÁCTER	VALOR	FIA.	90	100	110	120
MOVIMIENTOS MENORQUINES	105,50	★★★★	[Progress bar from 90 to 105,50]			
PUNTOS POR REPRISE	110,16	★★★★★	[Progress bar from 90 to 110,16]			

ÍNDICE	VALOR	FIA.	90	100	110	120
ÍNDICE GENÉTICO GLOBAL	109,23	★★★★★	[Progress bar from 90 to 109,23]			

JOVEN REPRODUCTOR RECOMENDADO

# BRUCE DE BINISAFUA

## IDENTIFICACIÓN DEL EJEMPLAR

UELN/CÓDIGO DEL LG: 724020000000555

MICROCHIP: 10010000724040000200911

SEXO: MACHO

AÑO NACIMIENTO: 2011

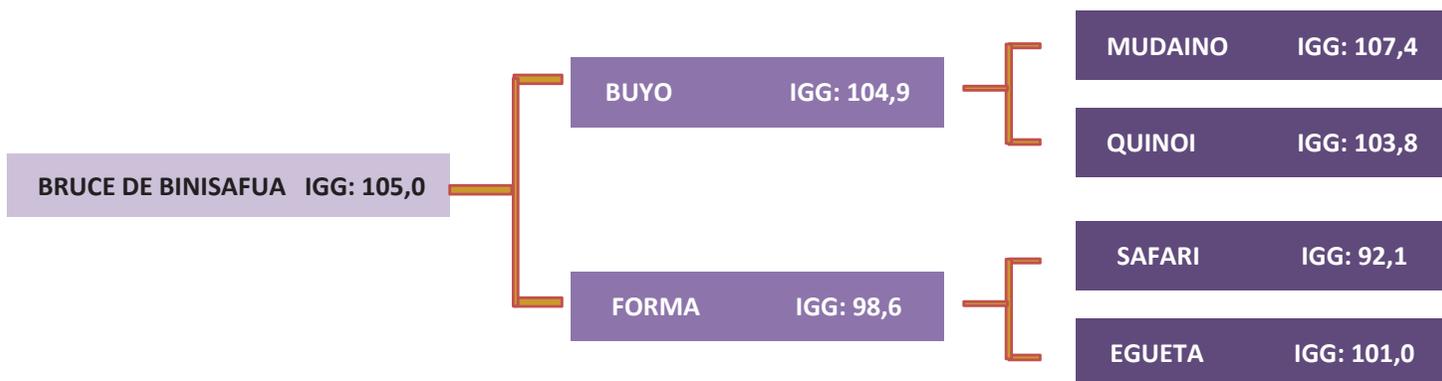
CRIADOR: BINISAFUA DES BARRANC

TITULAR: MIKY BORRAS REVETT

$F_G = 0,00\%$   
 $F_M = 13,53\%$   
 $f_{ij,k} = 1,83\%$   
 $a_{ij} = 27,51\%$



## DATOS GENEALÓGICOS



## VALORES GENÉTICOS PARA DOMA MENORQUINA

CARÁCTER	VALOR	FIA.	90	100	110	120
MOVIMIENTOS MENORQUINES	106,23	★★★★	[Progress bar from 90 to 106,23]			
PUNTOS POR REPRISE	104,64	★★★★★	[Progress bar from 90 to 104,64]			

ÍNDICE	VALOR	FIA.	90	100	110	120
ÍNDICE GENÉTICO GLOBAL	104,96	★★★★★	[Progress bar from 90 to 104,96]			

# IDENTIFICACIÓN DEL EJEMPLAR

# CUCÓ

UEN/CÓDIGO DEL LG: 724020000000744

MICROCHIP: 10010000724040000200381

SEXO: MACHO

AÑO NACIMIENTO: 2012

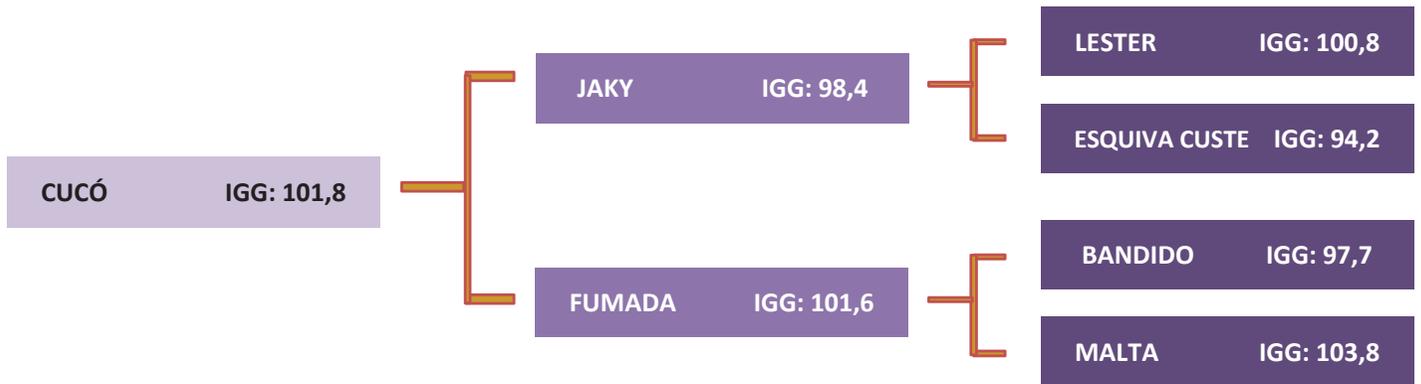
CRIADOR: ALPUTZER Y OTRO SRM

TITULAR: MARC FEBRER COLL

$F_G = 0,00\%$   
 $F_M = 23,72\%$   
 $f_{ijk} = 1,06\%$   
 $a_{ij} = 26,81\%$



## DATOS GENEALÓGICOS



## VALORES GENÉTICOS PARA DOMA MENORQUINA

CARÁCTER	VALOR	FIA.	90	100	110	120
MOVIMIENTOS MENORQUINES	101,40	★★★★	[Progress bar]			
PUNTOS POR REPRISE	101,87	★★★★★	[Progress bar]			

ÍNDICE	VALOR	FIA.	90	100	110	120
ÍNDICE GENÉTICO GLOBAL	101,78	★★★★★	[Progress bar]			



**ANEXO I**  
**MACHOS CON**  
**VALORACIÓN GENÉTICA**  
**POSITIVA**



NOMBRE	UENL/CÓDIGO LG	IGG	FIA. (%)	F <sub>G</sub> (%)	F <sub>M</sub> (%)	f <sub>ijk</sub> (%)	a <sub>ij</sub> (%)
ANDROS	191701000100205	101,2	36,9	0,0	0,0	0,0	0,0
BILMAN	191701000100619	101,0	44,4	0,0	55,4	0,1	34,9
BINIATI-B	191701000100632	108,0	61,4	0,0	24,9	0,1	25,8
CREST	191701000100708	107,2	73,5	0,0	16,6	0,5	24,8
DIESPI	191701000100809	100,6	49,2	0,0	19,4	0,2	32,2
ELIS	724002170100856	102,6	47,7	0,0	31,0	0,0	24,5
EMIR	191701000100878	101,8	36,4	0,0	0,0	0,0	0,0
FAROLET	191701000200043	102,8	48,9	0,0	34,0	0,7	27,9
FLAMENGO	191701000100427	101,7	23,6	0,0	7,8	0,0	22,8
GRAN	191701000200116	103,8	46,2	0,0	34,1	0,1	30,2
GRILL	191701000200094	103,8	47,9	0,0	37,6	0,2	29,0
KALEY	191701000200316	106,9	69,1	0,0	11,5	0,3	24,8
KIBUTZ	191701000200314	105,7	51,1	0,0	23,9	0,7	28,5
KONO	724002170200268	107,2	53,2	0,0	19,6	0,6	22,5
LAPO	191701000300032	108,4	73,2	0,0	25,3	0,5	31,0
LARRY YSG	191701000300081	103,2	43,0	0,0	20,9	0,6	26,6
LLAGOST	191701000300047	102,5	55,6	0,0	0,0	0,8	0,0
LUMBRE	191701000300062	102,2	74,0	0,0	31,7	1,0	31,2
MAO	191701000300239	103,3	48,1	0,0	0,0	0,5	0,0
MELUDIOS MD	191701000300204	105,8	42,0	31,3	0,0	0,9	0,0
MERVIL MJ	191701000300163	101,9	64,0	0,0	9,7	0,4	25,1
NASHVILL	191701000300381	105,9	56,3	0,0	0,0	0,2	0,0
OBI	191701000400056	101,8	72,0	0,0	44,6	0,3	27,8
OKI	191701000400013	103,4	38,3	0,0	0,0	0,8	0,0
OLIMPIC JF	191701000400006	101,6	38,7	0,0	37,4	1,0	29,7
OLIMPICO RUIZ	191701000400100	100,7	66,7	0,0	14,9	0,5	24,0
ONEST	191701000400016	105,0	67,8	0,0	22,6	0,7	28,6
OR DE NA FONT MM	191701000400003	102,4	74,0	0,0	40,3	1,0	28,2
OR OLANO MJ	191701000400094	101,9	66,3	0,0	23,2	1,2	28,7
OTILA GSM	191701000400080	104,4	71,8	0,0	23,6	0,6	24,6
PERFANT	191701000400266	105,1	67,4	0,0	0,0	0,0	0,0
PIALI	191701000100157	101,8	33,6	0,0	0,0	0,0	0,0
PILLU ALLES	191701000400328	109,0	76,4	0,0	19,1	0,8	26,9

NOMBRE	UELN/CÓDIGO LG	IGG	FIA. (%)	F <sub>G</sub> (%)	F <sub>M</sub> (%)	f <sub>ijk</sub> (%)	a <sub>ij</sub> (%)
PONENTE GSM	191701000400250	103,9	65,2	0,0	31,9	1,0	28,3
RAY HP	191701000500115	107,4	70,2	0,0	9,7	1,1	25,9
REMULI	191701000500015	101,7	70,9	0,0	0,0	0,4	0,0
RENIO	191701000500175	100,1	60,6	12,5	15,5	0,4	26,8
ROMUALDO	191701000500146	105,0	70,7	0,0	23,1	1,0	21,7
ROSTOLL	191701000500112	103,4	43,4	0,0	30,1	1,6	32,1
ROY	191701000100335	104,9	36,2	0,0	0,0	0,0	0,0
RUSTIC	191701000500087	103,6	72,5	25,0	52,4	1,7	28,4
SALERU FG	191701000500202	105,5	67,9	0,0	37,7	0,6	28,4
SELENI	191701000500230	107,6	77,2	0,0	9,4	1,0	28,5
SIULU N G	191701000500186	100,5	64,1	0,0	0,0	0,4	0,0
SORIAN TR	191701000500216	106,4	69,4	0,0	0,0	0,9	0,0
SORT	191701000500286	105,9	72,7	9,4	0,0	1,3	0,0
STASKI	191701000500247	104,5	62,9	0,0	14,7	1,5	28,0
TIBET GSM	724002170500378	108,0	75,0	0,0	30,0	0,8	27,9
TRAUS	724002170500409	108,2	72,5	0,0	13,7	0,8	26,6
UNIC	724002170500518	103,6	70,8	0,0	0,0	0,8	0,0
URATGOS	724002170500582	103,3	64,3	12,5	28,4	0,5	27,1
VENT NEGRE	724002170500674	101,0	74,0	0,0	0,0	0,2	0,0
VENTOS	724002170400371	108,3	69,4	0,0	13,0	0,5	26,3
VERNIS HP	724002170500712	108,9	73,6	0,0	25,9	1,6	28,4
VIVIDO	724002170500769	102,0	75,0	0,0	0,0	0,6	0,0
VOLUNTARIOS	724002170500706	100,8	66,8	0,0	0,0	1,5	0,0
VULTOY	724002170500810	111,2	62,9	0,0	0,0	0,2	0,0
XALAM	724002170600057	105,1	67,0	0,0	49,5	1,1	28,7
XANO YCR	724002170600001	101,1	65,8	0,0	20,4	1,0	28,7
XERIF GEA	724002170600004	102,3	66,1	0,0	25,6	0,9	27,1
XIFONER TB	724002170600062	107,4	63,5	0,0	30,7	0,6	30,4
XIQUILIN	724002170600212	101,6	72,2	0,0	39,0	1,0	30,7
XUBEC	724002170600143	109,6	62,9	0,0	21,9	0,5	25,4
ZAR MENORQUI	724020000000068	101,3	62,3	0,0	25,3	0,9	28,6
ZICO	724020000000005	100,8	59,3	0,0	27,2	1,3	26,7
ZUCO RF	724020000000051	104,8	70,0	0,0	8,5	0,9	26,6

**ANEXO II**  
**HEMBRAS CON**  
**VALORACIÓN GENÉTICA**  
**POSITIVA**



NOMBRE	UENL/CÓDIGO LG	IGG	FIA. (%)	F <sub>G</sub> (%)	F <sub>M</sub> (%)	f <sub>ij,k</sub> (%)	a <sub>ij</sub> (%)
ALICIA	191701000100358	103,3	40,3	0,0	0,0	0,0	0,0
ASEN	191701000100388	102,1	25,3	0,0	0,0	0,0	0,0
CANDI	191701000100669	100,6	43,1	0,0	19,8	0,2	29,0
CARIÑOSA	191701000100133	103,8	38,8	0,0	0,0	0,0	0,0
CAROLA	191701000100725	108,3	44,8	0,0	20,2	0,1	22,7
CHANI	191701000100683	102,0	37,9	0,0	17,0	0,1	27,3
CHUSCA	191701000100145	101,5	37,4	0,0	0,0	0,0	0,0
COREA	191701000100719	103,3	37,6	0,0	15,7	0,2	26,2
DACHA	191701000100735	101,3	51,3	0,0	20,0	0,2	27,8
DIANA	191701000100154	103,1	43,1	0,0	0,0	0,0	0,0
DIDA	191701000100813	103,7	41,9	0,0	33,1	0,0	26,4
DUNIA	191701000100746	104,5	45,4	0,0	21,7	0,3	24,9
EGUETA	191701000100473	101,1	21,1	0,0	0,0	0,0	0,0
EMI	191701000100889	101,6	50,2	0,0	0,0	0,3	0,0
EURA	191701000100291	101,9	47,0	0,0	20,6	0,0	26,7
FANTASIA BERNADI	191701000200081	103,8	42,7	0,0	16,4	0,1	24,4
FENICIA	191701000200084	101,2	20,6	0,0	0,0	0,3	0,0
FIBRA	191701000200038	100,5	45,2	0,0	9,3	0,6	24,6
FILI	191701000200050	101,3	47,4	0,0	38,9	0,4	28,2
FILIPRIM	191701000100332	105,0	42,6	0,0	0,0	0,0	0,0
FLAMENCA	191701000200071	101,9	38,1	0,0	11,5	0,4	28,6
FLECHA	191701000100567	103,7	41,0	0,0	22,3	0,0	27,9
FUMADA	724002170200058	101,6	36,8	0,0	20,7	0,1	24,0
GALANA MD	191701000200120	105,1	39,1	12,5	38,2	0,3	29,2
GAMBA	191701000100314	101,2	33,1	0,0	0,0	0,0	0,0
GATA	191701000200092	103,7	44,3	0,0	12,3	0,4	27,5
GUINA	191701000100496	100,9	37,9	0,0	25,6	0,0	29,2
IRIS	191701000100151	101,6	49,6	0,0	0,0	0,0	0,0
KANPINA	191701000200322	103,5	46,7	0,0	28,3	0,6	29,2
KARA	191701000200288	104,8	54,8	0,0	31,6	0,7	29,4
KARATECA	191701000200324	103,4	53,6	0,0	0,0	0,5	25,0
KAREN MJ	191701000200284	103,2	47,8	0,0	0,0	0,9	0,0

NOMBRE	UEN/CÓDIGO LG	IGG	FIA. (%)	F <sub>G</sub> (%)	F <sub>M</sub> (%)	f <sub>ijk</sub> (%)	a <sub>ij</sub> (%)
KIRIA YSG	191701000200265	101,2	41,4	0,0	43,5	0,5	34,2
KIRIAM	191701000200303	100,1	46,4	0,0	19,6	0,9	25,7
KITI	191701000200289	105,4	52,7	0,0	17,3	1,1	29,7
KULUMETA JF	724002170200305	100,4	41,6	0,0	42,7	0,5	28,5
LAIKA	191701000100179	102,8	26,4	0,0	0,0	0,0	0,0
LAYKA	191701000100247	100,3	34,1	0,0	0,0	0,0	0,0
LIANA PRATS	191701000300098	107,8	56,0	0,0	21,4	0,7	26,1
LINDANA	724002170100463	103,3	42,6	0,0	10,8	0,0	22,4
LLIBERTAT DE MO	191701000300077	104,6	48,0	0,0	14,8	0,2	24,8
LLISA	191701000300102	101,4	36,4	0,0	0,0	0,3	0,0
LLUNA LLENA	191701000300049	105,4	49,6	12,5	0,0	0,6	0,0
LORENA	191701000300121	102,5	45,6	0,0	45,1	0,7	26,6
MANSA HP	191701000300159	105,4	44,4	0,0	35,5	0,4	19,7
MARAVELLA MD	724002170300205	101,9	57,4	0,0	0,0	0,8	0,0
MAUVA	191701000300162	108,2	38,6	0,0	0,0	0,0	0,0
MERILIN	191701000300215	105,3	48,0	0,0	21,0	0,2	27,6
MULATA MJ	191701000300169	102,7	44,2	0,0	42,1	0,7	26,1
NEGRA	191701000100494	101,4	30,8	0,0	0,0	0,0	0,0
NOELIA	191701000300396	106,8	43,3	0,0	31,5	0,3	28,5
NOLI	191701000300289	102,2	48,2	0,0	35,3	0,9	29,6
NURIA	191701000100321	102,3	40,8	0,0	0,0	0,0	0,0
OLGA ALQUERIA	191701000400108	108,4	50,7	0,0	15,9	0,1	26,7
PARRITXA	191701000100192	100,9	30,4	0,0	0,0	0,0	0,0
PASTORA	191701000100176	101,2	20,8	0,0	0,0	0,0	0,0
PATRICIA	191701000400196	100,7	45,9	0,0	11,0	0,8	26,8
PETRA	191701000400276	100,9	43,1	0,0	31,9	0,8	26,5
PITIUSCA	191701000400272	103,1	38,4	0,0	36,6	0,6	27,1
RINDA	191701000500034	102,4	44,9	0,0	14,1	0,5	24,6
ROSELLA HP	191701000500116	106,3	42,0	0,0	6,0	0,4	25,1
RULI	191701000500048	104,6	25,6	25,0	24,1	1,6	26,0
SOROYA	191701000500250	101,9	39,9	0,0	33,8	1,3	29,0
VANIA	724002170500777	100,2	29,0	6,3	30,3	0,7	26,8



*Lina Florit*

# DOMA CLÁSICA



# LA DOMA CLÁSICA

---

## *Pruebas de Selección de Caballos Jóvenes*

Para poder realizar una valoración genética precoz de los reproductores, es necesaria la recopilación de la información obtenida tanto de los registros genealógicos de la Raza como de los controles de rendimientos funcionales realizados para cada una de las disciplinas en las que participe. Por ello, las Pruebas de Selección de Caballos Jóvenes (PSCJ) para las disciplina de Doma Clásica se celebran en nuestro país desde 2004, con el objetivo de generar controles de rendimiento precoces que sirvan como base fundamental para la valoración genética de los animales y para la selección de futuros reproductores, a la vez que se incentiva al sector a la iniciación precoz del caballo en las principales disciplinas ecuestres.

En el Real Decreto 2129/2008, donde se recogen los requisitos básicos de las PSCJ, se limita la participación a animales con edades comprendidas entre los 4 y 6 años.



En relación con los resultados de estas pruebas de selección, la Orden APA/1018/2003, que regula los Esquemas de Selección y los Controles de Rendimiento para la evaluación genética de los équidos de raza pura en España, establece la categoría genética de Joven Reproductor Recomendado (JRR), a la que optarán los animales participantes en una determinada disciplina que hayan obtenido una valoración genética superior a la media poblacional en dicha disciplina en base a la información disponible.

# LA DOMA CLÁSICA

## *Valoración Genética para la Doma Clásica*

La Valoración Genética de Doma Clásica se realiza en base a dos tipos de controles de rendimientos diferentes según su organizador y su objetivo:

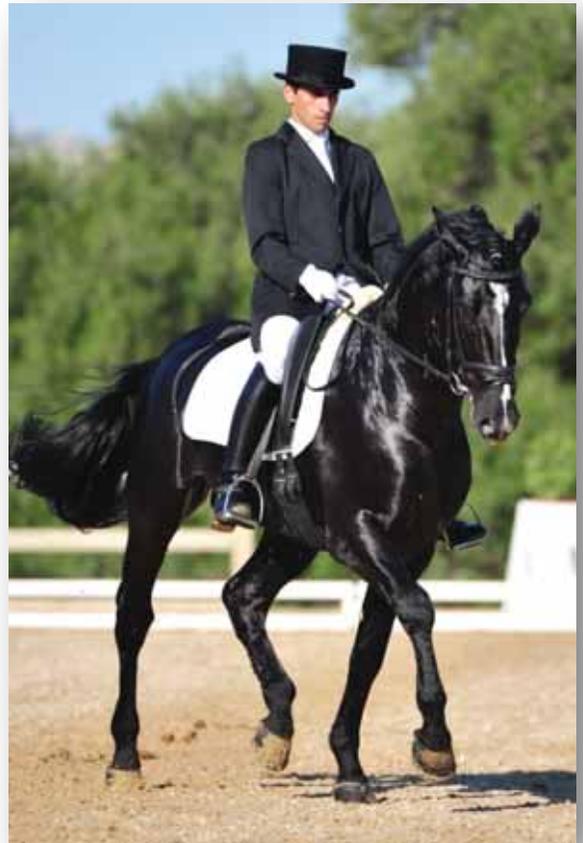
1. Las **Pruebas de Selección de Caballos Jóvenes (PSCJ)**, organizados por las Asociaciones de Criadores para controlar precozmente los rendimientos deportivos en esta disciplina en el ámbito del Programa de Mejora. En ellas se realizan dos tipos de ejercicios:

### **A) Ejercicios de Presentación:**

- a. Presentación Montada: prueba libre de 3 minutos en la que deben realizar al menos los ejercicios establecidos en la normativa.
- b. Presentación a la Mano: valoración de la conformación funcional de los animales desensillados.

### **B) Ejercicios de Doma obligatorios:**

- a. Ejercicio Preliminar de Doma: en el que se ejecutan las reprises preliminar de 4, 5 y 6 años, según la edad.
- b. Ejercicio Final de Doma: en el que se ejecutan las reprises final de 4, 5 y 6 años, según la edad.



2. Las **competiciones deportivas oficiales y regladas**, organizadas al amparo de la **Real Federación Hípica Española (RFHE)**. En este sentido, se incluyen en la Valoración Genética los resultados de todos los animales participantes en todos los niveles de competición para la disciplina de Doma Clásica (de 4 años a Gran Premio) en todas las competiciones de categoría nacional celebradas en España.

**JÓVENES  
REPRODUCTORES  
RECOMENDADOS**



## IDENTIFICACIÓN DEL EJEMPLAR

UENL/CÓDIGO DEL LG: 724020000000289

MICROCHIP: 10010000724040000200022

SEXO: MACHO

AÑO NACIMIENTO: 2010

CRIADOR: ANTONIO BOSCH CAPÓ

TITULAR: FRANCISCO MARQUÉS TALTAVULL

$F_G = 12,50\%$

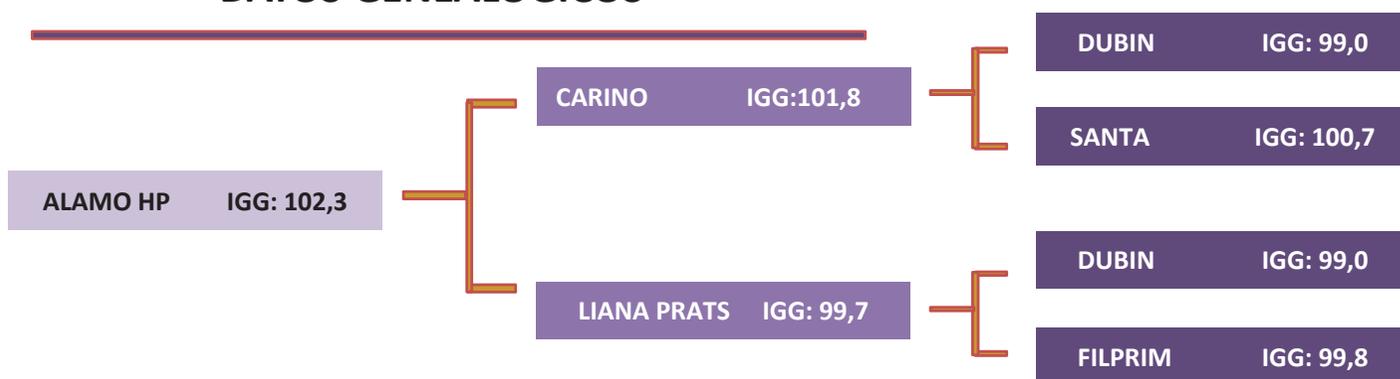
$F_M = 41,51\%$

$f_{ijk} = 1,64\%$

$a_{ij} = 29,51\%$



## DATOS GENEALÓGICOS



## VALORES GENÉTICOS PARA DOMA CLÁSICA

CARÁCTER	VALOR	FIA.	90	100	110	120
PASO	99,25	***	[Progress bar]			
TROTE	100,99	***	[Progress bar]			
GALOPE	102,13	***	[Progress bar]			
IMPRESIÓN GENERAL	101,10	***	[Progress bar]			
SUMISIÓN	101,24	***	[Progress bar]			
PUNTOS POR REPRISE	100,98	***	[Progress bar]			
CLASIFICACIÓN TOTAL PONDERADA	103,68	**	[Progress bar]			

ÍNDICE	VALOR	FIA.	90	100	110	120
ÍNDICE GENÉTICO GLOBAL	102,33	***	[Progress bar]			

# ALBANO

## IDENTIFICACIÓN DEL EJEMPLAR

UEN/CÓDIGO DEL LG: 724020000000437

MICROCHIP: 10010000724040000200800

SEXO: MACHO

AÑO NACIMIENTO: 2010

CRIADOR: FRANCISCO MARQUÉS TALTAVULL

TITULAR: FRANCISCO MARQUÉS TALTAVULL



$F_G = 0,00\%$   
 $F_M = 30,92\%$   
 $f_{ijk} = 1,15\%$   
 $a_{ij} = 27,91\%$

## DATOS GENEALÓGICOS



## VALORES GENÉTICOS PARA DOMA CLÁSICA

CARÁCTER	VALOR	FIA.	90	100	110	120
PASO	103,15	***	[Progress bar]			
TROTE	101,42	***	[Progress bar]			
GALOPE	100,38	***	[Progress bar]			
IMPRESIÓN GENERAL	101,36	***	[Progress bar]			
SUMISIÓN	101,08	***	[Progress bar]			
PUNTOS POR REPRISE	101,52	***	[Progress bar]			
CLASIFICACIÓN TOTAL PONDERADA	107,08	**	[Progress bar]			

ÍNDICE	VALOR	FIA.	90	100	110	120
ÍNDICE GENÉTICO GLOBAL	104,30	***	[Progress bar]			

# IDENTIFICACIÓN DEL EJEMPLAR

# ANTON GSM

UENL/CÓDIGO DEL LG: 724020000000357

MICROCHIP: 10010000724040000200107

SEXO: MACHO

AÑO NACIMIENTO: 2010

CRIADOR: SON MARTORELLET

TITULAR: SON MARTORELLET

$F_G = 0,00\%$   
 $F_M = 20,14\%$   
 $f_{ijk} = 1,52\%$   
 $a_{ij} = 29,39\%$



## DATOS GENEALÓGICOS



## VALORES GENÉTICOS PARA DOMA CLÁSICA

CARÁCTER	VALOR	FIA.	90	100	110	120
PASO	100,25	****	[Progress bar]			
TROTE	99,75	***	[Progress bar]			
GALOPE	100,15	****	[Progress bar]			
IMPRESIÓN GENERAL	99,97	****	[Progress bar]			
SUMISIÓN	99,88	****	[Progress bar]			
PUNTOS POR REPRISE	100,00	****	[Progress bar]			
CLASIFICACIÓN TOTAL PONDERADA	103,01	**	[Progress bar]			

ÍNDICE	VALOR	FIA.	90	100	110	120
ÍNDICE GENÉTICO GLOBAL	101,51	***	[Progress bar]			

# BINIFAELL



## IDENTIFICACIÓN DEL EJEMPLAR

UEN/CÓDIGO DEL LG: **72402000000684**

MICROCHIP: **10010000724040000200351**

SEXO: **MACHO**

AÑO NACIMIENTO: **2011**

CRIADOR: **LORENZO GIMENEZ PONS**

TITULAR: **LORENZO GIMENEZ PONS**

$F_G = 0,00\%$   
 $F_M = 25,85\%$   
 $f_{ijk} = 1,31\%$   
 $a_{ij} = 27,03\%$

## DATOS GENEALÓGICOS



## VALORES GENÉTICOS PARA DOMA CLÁSICA

CARÁCTER	VALOR	FIA.	90	100	110	120
PASO	99,61	***	[Progress bar]			
TROTE	99,44	***	[Progress bar]			
GALOPE	99,60	***	[Progress bar]			
IMPRESIÓN GENERAL	99,50	***	[Progress bar]			
SUMISIÓN	99,50	***	[Progress bar]			
PUNTOS POR REPRISE	99,50	***	[Progress bar]			
CLASIFICACIÓN TOTAL PONDERADA	103,12	**	[Progress bar]			

ÍNDICE	VALOR	FIA.	90	100	110	120
ÍNDICE GENÉTICO GLOBAL	101,31	***	[Progress bar]			

## IDENTIFICACIÓN DEL EJEMPLAR

# BON SOMNI GSM

UENL/CÓDIGO DEL LG: 724020000000548

MICROCHIP: 10010000724040000200867

SEXO: MACHO

AÑO NACIMIENTO: 2011

CRIADOR: SON MARTORELLET

TITULAR: SON MARTORELLET

$F_G = 0,00\%$   
 $F_M = 35,88\%$   
 $f_{ijk} = 1,04\%$   
 $a_{ij} = 25,22\%$



## DATOS GENEALÓGICOS



## VALORES GENÉTICOS PARA DOMA CLÁSICA

CARÁCTER	VALOR	FIA.	90	100	110	120
PASO	99,85	****	[Progress bar]			
TROTE	100,40	****	[Progress bar]			
GALOPE	100,11	****	[Progress bar]			
IMPRESIÓN GENERAL	100,20	****	[Progress bar]			
SUMISIÓN	100,23	****	[Progress bar]			
PUNTOS POR REPRISE	100,16	****	[Progress bar]			
CLASIFICACIÓN TOTAL PONDERADA	101,54	**	[Progress bar]			

ÍNDICE	VALOR	FIA.	90	100	110	120
ÍNDICE GENÉTICO GLOBAL	100,85	***	[Progress bar]			

# BRUCE DE BINISAFUA

## IDENTIFICACIÓN DEL EJEMPLAR



UEN/CÓDIGO DEL LG: **72402000000555**

MICROCHIP: **10010000724040000200911**

$F_G = 0,00\%$   
 $F_M = 13,53\%$   
 $f_{ijk} = 1,83\%$   
 $a_{ij} = 27,51\%$

SEXO: **MACHO**

AÑO NACIMIENTO: **2011**

CRIADOR: **BINISAFUA DES BARRANC**

TITULAR: **MIKY BORRAS REVETT**

## DATOS GENEALÓGICOS



## VALORES GENÉTICOS PARA DOMA CLÁSICA

CARÁCTER	VALOR	FIA.	90	100	110	120
PASO	100,20	***	[Progress bar]			
TROTE	99,40	***	[Progress bar]			
GALOPE	99,52	***	[Progress bar]			
IMPRESIÓN GENERAL	99,59	***	[Progress bar]			
SUMISIÓN	99,55	***	[Progress bar]			
PUNTOS POR REPRISE	99,64	***	[Progress bar]			
CLASIFICACIÓN TOTAL PONDERADA	102,03	**	[Progress bar]			

ÍNDICE	VALOR	FIA.	90	100	110	120
ÍNDICE GENÉTICO GLOBAL	100,84	***	[Progress bar]			

# IDENTIFICACIÓN DEL EJEMPLAR

# CORPULENT

UENL/CÓDIGO DEL LG: 724020000000777

MICROCHIP: 10010000724040000200322

SEXO: MACHO

AÑO NACIMIENTO: 2012

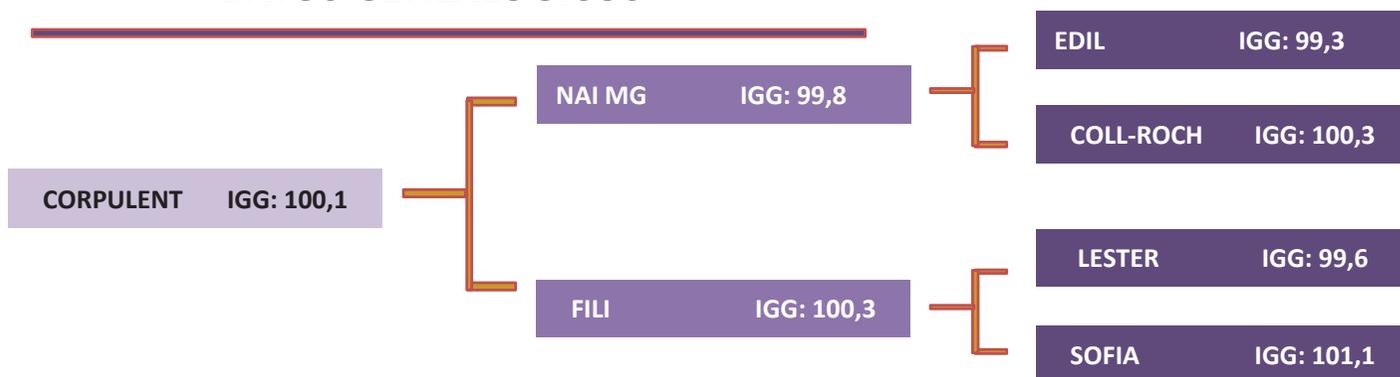
CRIADOR: GUILLERMO MARQUÉS GENER

TITULAR: SON MARTORELLET

$F_G = 0,00\%$   
 $F_M = 29,01\%$   
 $f_{ijk} = 1,42\%$   
 $a_{ij} = 26,46\%$



## DATOS GENEALÓGICOS



## VALORES GENÉTICOS PARA DOMA CLÁSICA

CARÁCTER	VALOR	FIA.	90	100	110	120
PASO	96,28	***	[Progress bar]			
TROTE	99,32	***	[Progress bar]			
GALOPE	100,27	***	[Progress bar]			
IMPRESIÓN GENERAL	99,99	***	[Progress bar]			
SUMISIÓN	99,10	***	[Progress bar]			
PUNTOS POR REPRISE	100,84	***	[Progress bar]			
CLASIFICACIÓN TOTAL PONDERADA	99,41	**	[Progress bar]			

ÍNDICE	VALOR	FIA.	90	100	110	120
ÍNDICE GENÉTICO GLOBAL	100,12	***	[Progress bar]			

JOVEN REPRODUCTOR RECOMENDADO



**ANEXO I**  
**MACHOS CON**  
**VALORACIÓN GENÉTICA**  
**POSITIVA**



NOMBRE	UEN/CÓDIGO LG	IGG	FIA. (%)	F <sub>G</sub> (%)	F <sub>M</sub> (%)	f <sub>ijk</sub> (%)	a <sub>ij</sub> (%)
AZAR	191701000100359	101,0	0,3	0,0	0,0	0,0	0,0
CHANU	191701000100045	101,0	0,5	0,0	0,0	0,0	0,0
DIC	191701000100455	100,9	0,2	0,0	0,0	0,0	0,0
DUMAN	191701000100765	100,9	8,7	0,0	31,8	0,3	26,5
FLAMENGO	191701000100427	101,3	2,8	0,0	7,8	0,0	22,8
GRILL	191701000200094	100,1	10,1	0,0	37,6	0,2	29,0
JALEO FESTER	724002170200176	100,7	11,5	0,0	25,5	0,5	25,2
MEQUETREFE	191701000300133	100,5	5,1	0,0	0,0	0,1	0,0
MILAN	191701000300200	100,2	5,6	0,0	21,2	0,1	26,0
OKI	191701000400013	102,2	8,8	0,0	0,0	0,8	0,0
ONEST	191701000400016	101,2	6,1	0,0	22,6	0,7	28,6
PIALI	191701000100157	100,7	1,7	0,0	0,0	0,0	0,0
REMULI	191701000500015	103,7	27,9	0,0	0,0	0,4	0,0
ROMERO	191701000500017	101,6	32,1	0,0	15,9	0,6	27,3
ROY	191701000100335	102,3	5,0	0,0	0,0	0,0	0,0
SAID	724002170500256	100,8	22,8	0,0	25,7	1,0	31,7
SALERU FG	191701000500202	100,8	30,7	0,0	37,7	0,6	28,4
SALVATGE	191701000500254	104,9	21,7	0,0	0,0	0,8	0,0
SOLITARI TB	191701000500299	100,2	21,0	0,0	5,7	1,1	25,6
TIBET GSM	724002170500378	102,4	27,3	0,0	30,0	0,8	27,9
VICTORIOS TC	724002170500681	101,7	14,8	0,0	28,9	1,0	27,3
VOLUM	724020000000133	100,3	8,0	12,5	45,5	0,3	26,8
VULTOY	724002170500810	100,2	15,3	0,0	0,0	0,2	0,0
XALEST DEL VENT	724002170600071	100,8	12,8	0,0	33,0	1,2	27,8
XIFONER TB	724002170600062	104,9	27,2	0,0	30,7	0,6	30,4
XULET	724002170600027	104,6	10,1	6,3	36,5	0,8	28,8



**ANEXO II**  
**HEMBRAS CON**  
**VALORACIÓN GENÉTICA**  
**POSITIVA**



NOMBRE	UENL/CÓDIGO LG	IGG	FIA. (%)	F <sub>G</sub> (%)	F <sub>M</sub> (%)	f <sub>ijk</sub> (%)	a <sub>ij</sub> (%)
AD MACARELLA	724002170100367	100,1	0,3	0,0	21,8	0,0	29,8
AMOROSA TP	191701000100395	100,9	0,2	0,0	0,0	0,0	0,0
AUBA II	191701000100215	100,1	2,0	0,0	0,0	0,0	0,0
BELINA FERRAGUT	191701000100485	100,7	1,7	0,0	0,0	0,0	0,0
BINECA	191701000100289	101,0	0,9	0,0	0,0	0,0	0,0
BRUIXA	191701000100613	100,2	1,4	0,0	0,0	0,0	0,0
CAROLA	191701000100725	100,1	6,8	0,0	20,2	0,1	22,7
CHANI	191701000100683	100,9	1,7	0,0	17,0	0,1	27,3
COREA	191701000100719	101,5	3,9	0,0	15,7	0,2	26,2
DIANA	191701000100154	104,3	8,0	0,0	0,0	0,0	0,0
DIDA	191701000100813	102,7	6,8	0,0	33,1	0,0	26,4
DUNIA	191701000100746	101,6	2,5	0,0	21,7	0,3	24,9
EGUETA	191701000100473	101,0	1,3	0,0	0,0	0,0	0,0
EMI	191701000100889	101,9	7,2	0,0	0,0	0,3	0,0
ESPIGA	191701000100848	100,6	1,6	0,0	17,8	0,0	25,7
ESTELADA	191701000100196	100,2	1,4	0,0	36,9	0,0	26,4
EURA	191701000100291	100,2	0,3	0,0	20,6	0,0	26,7
FANTASIA BERNADI	191701000200081	100,4	6,8	0,0	16,4	0,1	24,4
FENICIA	191701000200084	100,9	1,5	0,0	0,0	0,3	0,0
FILI	191701000200050	100,3	5,9	0,0	38,9	0,4	28,2
FLECHA	191701000100567	102,4	0,2	0,0	22,3	0,0	27,9
FLOR	191701000100465	100,6	0,3	0,0	22,9	0,0	27,1
FORMA	724002170200039	100,8	3,1	0,0	36,0	0,6	28,3
GUINA	191701000100496	100,7	1,2	0,0	25,6	0,0	29,2
KANPINA	191701000200322	100,3	4,1	0,0	28,3	0,6	29,2
KATIA	724002170200294	100,8	10,2	0,0	13,8	0,5	26,8
LAIKA	191701000100179	100,3	3,2	0,0	0,0	0,0	0,0
LINDANA	724002170100463	100,9	3,6	0,0	10,8	0,0	22,4
LLIBERTAT DE MO	191701000300077	101,8	11,4	0,0	14,8	0,2	24,8
LLORA	191701000300075	100,8	0,8	0,0	5,7	0,1	22,7
LLUNA LLENA	191701000300049	100,1	6,8	12,5	0,0	0,6	0,0

NOMBRE	UENL/CÓDIGO LG	IGG	FIA. (%)	F <sub>G</sub> (%)	F <sub>M</sub> (%)	f <sub>ijk</sub> (%)	a <sub>ij</sub> (%)
MACEDONIA	191701000300229	100,6	4,3	0,0	0,0	1,0	0,0
MAUVA	191701000300162	100,4	5,2	0,0	0,0	0,0	0,0
MERILIN	191701000300215	102,5	9,5	0,0	21,0	0,2	27,6
NEGRA	191701000100494	100,5	9,7	0,0	0,0	0,0	0,0
NEULA TREMOL	191701000300335	103,3	4,9	0,0	27,5	0,2	26,5
NOELIA	191701000300396	102,1	8,5	0,0	31,5	0,3	28,5
NOFRISIS	191701000400168	100,7	5,1	0,0	23,3	0,3	27,3
ONDULADA	191701000400017	103,1	15,2	0,0	16,3	0,8	27,6
PARRITXA	191701000100192	100,9	2,2	0,0	0,0	0,0	0,0
PASTORA	191701000100176	101,8	1,7	0,0	0,0	0,0	0,0
REGINA	191701000500143	100,5	10,2	0,0	25,3	0,8	25,6
RETXA	191701000500022	100,3	33,0	0,0	36,4	0,3	23,6
SOFIA	191701000100155	101,1	2,7	0,0	0,0	0,0	0,0
UCRAINA	724002170500622	102,0	3,4	0,0	12,5	0,9	21,7





# RELACIÓN HISTÓRICA DE REPRODUCTORES CON CATEGORÍA GENÉTICA



# RELACIÓN HISTÓRICA DE REPRODUCTORES QUE HAN OBTENIDO CATEGORÍAS GENÉTICAS

A continuación se presenta una relación de todos los animales de Pura Raza Menorquina que han obtenido alguna Categoría Genética en el ámbito del Programa de Mejora Genética oficial de la Raza desde su inicio en el año 2007. Con este listado se pretende realizar un reconocimiento de su mérito genético, ya que la Categoría Genética alcanzada por un animal es un mérito permanente a lo largo de toda su vida.

Para un animal de Pura Raza Menorquina, la obtención de una Categoría Genética no es un simple valor añadido al producto, sino que es la llave que abre la puerta a la inseminación artificial según la normativa zootécnica de la Raza vigente en la actualidad, al tratarse de animales que han sido testados genéticamente en base a sus rendimientos y/o los de sus descendientes y colaterales.

## DOMA CLÁSICA

### JOVEN REPRODUCTOR RECOMENDADO 2009

Pillu Allés	191701000400328
Salvatge	191701000500254

### JOVEN REPRODUCTOR RECOMENDADO 2011

Solitari TB	191701000500299
Salvatge	191701000500254

### JOVEN REPRODUCTOR RECOMENDADO 2014

Victorios TC	724002170500681
Violan del Vent	724002170500755
Volum	724020000000133
Vultoy	724002170500810
Xalest del Vent	724002170600071
Xifoner TB	724002170600062
Xulet	724002170600027

### JOVEN REPRODUCTOR RECOMENDADO 2016

Anis YCR	724020000000300
Anton GSM	724020000000357
Binifaell	724020000000684
Bon Somni GSM	724020000000548
Bruce de Binisafua	724020000000555

# RELACIÓN HISTÓRICA DE REPRODUCTORES HAN OBTENIDO CATEGORÍAS GENÉTICAS

## DOMA MENORQUINA

### REPRODUCTOR MEJORANTE 2013

Guim Der 191701000200118

### JOVEN REPRODUCTOR RECOMENDADO 2013

Riot MJ 191701000500071  
Siulu N G 191701000500186  
Tibet GSM 724002170500378  
Traus 724002170500409  
Unic 724002170500518  
Ursais 724002170500627  
Vernis HP 724002170500712  
Vivido 724002170500769  
Vultoy 724002170500810

### REPRODUCTOR MEJORANTE 2014

Buyo 191701000100646  
Jaleo Fester 724002170200176

### JOVEN REPRODUCTOR RECOMENDADO 2014

Vendaval 724002170500705  
Ventos 724002170400371  
Vernis HP 724002170500712  
Vitrac YSG 724002170400355  
Vivido 724002170500769  
Vultoy 724002170500810  
Xano YCR 724002170600001  
Xifoner TB 724002170600062  
Zuco RF 724020000000051

### REPRODUCTOR MEJORANTE 2015

Buyo 191701000100646  
Duman 191701000100765  
Jaleo Fester 724002170200176  
Justi 191701000200175  
Nonte 191701000300294  
Ondulada 191701000400017

### JOVEN REPRODUCTOR RECOMENDADO 2015

Anco 724020000000394  
Zar Menorqui 724020000000068  
Zuco RF 724020000000051  
Xano YCR 724002170600001  
Xifoner TB 724002170600062  
Xiquilin 724002170600212  
Xubec 724002170600143

### REPRODUCTOR MEJORANTE 2016

Duman 191701000100765  
Jaleo Fester 724002170200176  
Justi 191701000200175  
Nonte 191701000300294  
Ondulada 191701000400017

### JOVEN REPRODUCTOR RECOMENDADO 2016

Anco 724020000000394  
Betzer 724020000000618  
Bruce de Binisafua 724020000000555  
Zar Menorqui 724020000000068  
Zuco RF 724020000000051



**AGR 273: NUEVAS TECNOLOGÍAS DE MEJORA ANIMAL Y DE SUS SISTEMAS PRODUCTIVOS**

**AGR 158: ESQUEMAS DE SELECCIÓN DE RAZAS AUTÓCTONAS, CARACTERIZACIÓN Y CONSERVACIÓN DE RECURSOS GENÉTICOS ANIMALES Y DE SUS SISTEMAS PRODUCTIVOS TRADICIONALES, GENÉTICA Y CITOGENÉTICA APLICADA Y MOLECULAR**



CONSELL INSULAR  
DE MENORCA



GOBIERNO  
DE ESPAÑA

MINISTERIO  
DE AGRICULTURA Y PESCA, ALIMENTACIÓN  
Y MEDIO AMBIENTE

