

## **APELLIDOS, ESTRUCTURA GENETICA Y DINAMICA EVOLUTIVA DE LA ARGENTINA.**

**Dipierri, José E.; Alfaro, Emma L.; Scapoli, C.; Mamolini, E.; Rodríguez-Larralde, A.; Barraí, I.**

INBIAL-UNJu, Argentina. [dipierri@inbial.unju.edu.ar](mailto:dipierri@inbial.unju.edu.ar), Dep. de Biología, Univ. de Ferrara, Italia. Dep. de Medicina Experimental, IVIC, Venezuela.

Los apellidos proporcionan una estimación de la estructura genética de las poblaciones humanas, de su consanguinidad y aislamiento. En este trabajo se analizó la distribución de los apellidos de 22,6 millones de electores, registrados en el Padrón Electoral Nacional (2000-2001) agrupados en 24 distritos, para cada uno de los cuales se calculó el coeficiente de consanguinidad por isonimia al azar ( $F_{ST}$ ), el indicador de migración reciente ( $v$ ) y la diversidad de apellidos ( $\alpha$ ). Se calcularon las distancias isonímicas con las que se construyó un dendograma. Se encontraron 414.441 apellidos diferentes, siendo González el más común. Los apellidos más frecuentes de la Argentina son todos de origen ibérico, sin embargo, sólo 41 de ellos figuran entre los 100 más frecuentes en España. Los valores más elevados de  $F_{ST}$  se presentaron en La Rioja, Corrientes y Santiago del Estero, y los más bajos en Capital Federal, Río Negro, La Pampa, Buenos Aires y Santa Fé. La distribución geográfica de los valores de  $\alpha$  presentó un gradiente decreciente desde el Atlántico hacia el sur y hacia los Andes lo que indicaría un gradiente temporal en el asentamiento de los inmigrantes. Los agrupamientos del dendograma coinciden con las grandes regiones geográficas de la Argentina. Los parámetros isonímicos empleados permiten describir adecuadamente la estructura genética de la Argentina y coinciden con las particularidades de su poblamiento.