



**VI CONGRESO NACIONAL DE APICULTURA**

**LIBRO DE RESÚMENES**

**CÓRDOBA 12 Y 13 DE NOVIEMBRE DE 2010**

## **2. Patrones y procesos de variación (neutral y adaptativa) de la abeja ibérica en el área de hibridación.**

(1) Pinto M. A., I. Muñoz (2), A. Brandão (1), I. Moura (1), J. Azevedo (1), P. de la Rúa (2), J. S. Johnston (3), J. C. Patton (4).

1 CENTRO DE INVESTIGAÇÃO DE MONTANHA, ESCOLA SUPERIOR AGRÁRIA, INSTITUTO POLITÉCNICO DE BRAGANÇA, CAMPUS DE SANTA APOLÓNIA, APARTADO 1172, 5301-855 BRAGANÇA (PORTUGAL).

2ÁREA DE BIOLOGÍA ANIMAL, DPTO. DE ZOOLOGÍA Y ANTROPOLOGÍA FÍSICA, FACULTAD DE VETERINARIA, UNIVERSIDAD DE MURCIA, CAMPUS DE ESPINARDO, 30100 MURCIA (ESPAÑA).

3DEPARTMENT OF ENTOMOLOGY, TEXAS A&M UNIVERSITY, COLLEGE STATION, TEXAS 77843-2475, USA.

4 DEPARTMENT OF FORESTRY AND NATURAL RESOURCES, PURDUE UNIVERSITY, 715 W STATE ST., WEST LAFAYETTE, INDIANA 47907-2061, USA.

Se presenta en esta comunicación un proyecto de investigación financiado por la Fundación para la Ciencia y la Tecnología del Ministerio de Ciencia, Tecnología y Educación Superior de Portugal, para el periodo 2010-2012. El objetivo general de este proyecto es examinar los patrones y procesos de variación (neutral y adaptativa) de la abeja *Apis mellifera iberiensis* de la península Ibérica, usando para ello las más avanzadas herramientas moleculares. La abeja ibérica constituye un modelo útil para examinar las fuerzas evolutivas presentes en áreas de hibridación ya que estudios previos sugieren que la península Ibérica fue un refugio durante la última glaciación y una zona de contacto secundario entre dos linajes divergentes de abejas. Estos eventos históricos junto con otros procesos contemporáneos mediados por el ser humano (trashumancia, compra-venta de reinas, etc.), han configurado un patrón complejo de variación en las poblaciones de la abeja ibérica que debe ser estudiado cuidadosamente. A partir de la publicación del genoma de la abeja se han desarrollado nuevos marcadores moleculares como los polimorfismos de un solo nucleótido (SNPs son sus siglas en inglés), este hecho junto con la posibilidad de analizar zánganos haploides (con una única dotación genómica), permitirá diseccionar la importancia de las distintas fuerzas evolutivas neutras y adaptativas que actúan en esta zona híbrida. Los objetivos específicos son: (1) proporcionar información robusta sobre la historia demográfica de la abeja ibérica, (2) obtener un conocimiento fundamental del papel de las fuerzas neutras y de la selección en la diversidad de las abejas ibéricas y (3) desarrollar un conocimiento más completo de las bases moleculares de la adaptación local de la abeja ibérica.

Correo electrónico: [apinto@ipb.pt](mailto:apinto@ipb.pt)