

DESCRIPTEURS DE PASSEPORT MULTI-CULTURES FAO/BIOVERSITY (V.2.1)

Décembre 2015

Cette liste des descripteurs de passeport “multi-cultures” (MCPD en anglais) V.2.1, est une mise à jour de la publication MCPD V.2 publiée en 2012. La liste MCPD V.2 était une révision de la première version FAO/IPGRI publié en 2001 enrichie pour répondre aux besoins émergents, tels que l'utilisation plus large d'outils GPS, ou la mise en œuvre du Système multilatéral d'accès et de partage des avantages du Traité international sur les ressources phylogénétiques pour l'alimentation et l'agriculture.

La liste MCPD, élaborée conjointement par Bioversity International (anciennement IPGRI) et la FAO, a été largement utilisée et fournit des normes internationales qui facilitent l'échange de données passeport du matériel génétique. Ces descripteurs ont pour objectif d'être compatibles avec les listes de descripteurs des plantes cultivées élaborées par Bioversity, avec les descripteurs utilisés par le Système mondial d'information et d'alerte rapide (WIEWS) sur les ressources phylogénétiques (RPG) de la FAO, et avec le portail mondial GENESYS.

Chaque descripteur de passeport multi-cultures est accompagné d'une brève explication du contenu, du système de codage et du nom de champ suggéré. L'Annexe I fournit un accès simple à la «Liste historique des changements importants» des versions précédentes MCPD.

Règles générales

- (i) Si un champ permet de renseigner plusieurs valeurs, celles-ci doivent être séparées par un point-virgule (;) sans espace (exemple: Nom de l'accession: Symphony;Emma;Songino).
- (ii) Si aucune donnée n'est disponible pour un champ donné, celui-ci doit rester vide (exemple: Altitude). Si les données sont échangées sous format ASCII, pour un champ ne comportant pas de valeur numérique, il doit rester vide. Si les données sont échangées sous un format de base de données, les valeurs numériques manquantes doivent être représentées par des valeurs génériques "NULL" (VIDE).
- (iii) Les dates sont enregistrées sous le format AAAAMMJJ. Si le mois ou le jour sont manquants, ils doivent être remplacés par des tirets ou “00” [double zéro]. Si les deux (mois et jour) sont manquants, insérer deux doubles zéros (exemple: 1975----, 19750000 ou 197506--, 19750600).
- (iv) Noms de pays: Les codes ISO de trois lettres (ISO 3611-1) sont utilisés pour les pays. La liste des codes et le pays, ou les codes numériques du pays ou de la région ajoutés ou modifiés sont disponibles en ligne:

<http://unstats.un.org/unsd/methods/m49/m49alpha.htm>.

Remarque: La liste des codes désuets est également disponible en ligne:

http://en.wikipedia.org/wiki/ISO_3166-1_alpha-3#Reserved_code_elements.

- (v) Pour les instituts, les codes WIEWS de la FAO doivent être utilisés. La liste des codes des instituts en vigueur est disponible sur le site web de la FAO (<http://www.fao.org/wiews>).
- Si de nouveaux codes instituts sont nécessaires, ils peuvent être générés en ligne par les points focaux de la FAO responsables au niveau national (<http://www.fao.org/agriculture/crops/thematic-sitemap/theme/seeds-pgr/gpa/national-focal-points/en/>), ou ils peuvent être demandés à: WIEWS@fao.org.
 - Pour les instituts qui n'existent plus, fournir les informations complètes dans les descripteurs 4.1, 4.1.1, 18.1, 22.1 et 25.1.

DESCRIPTEURS DE PASSEPORT MULTI-CULTURES

0. Identificateur unique persistant (PUID)

Tout identifiant unique persistant, attribué à l'accession afin qu'il puisse être clairement référencé au niveau global et les informations qui y sont associés récoltés par des moyens automatisés. Rapporter un PUID pour chaque accession.

Le Secrétariat du Traité international sur les ressources phytogénétiques pour l'alimentation et l'agriculture (RPGAA) facilite l'attribution d'un identifiant unique persistant (PUID), sous la forme d'un DOI, aux RPGAA au niveau de l'accession (<http://www.planttreaty.org/doi>).

Les banques de gènes ne pas appliquer une vraie PUID à leurs accessions devraient utiliser, et demander les bénéficiaires à utiliser, la concaténation de INSTCODE, ACCENUMB et GENRE comme un identificateur unique global, comme dans la plupart des égards au PUID quand ils échangent des informations sur les accessions à des tiers (exemple : NOR017:NGB17773:ALLIUM).

1. Code de l'institut (INSTCODE)

Code WIEWS de la FAO de l'institut où l'accession est conservée. Les codes se composent du code à trois lettres de la norme ISO 3166-1 pour le pays où est situé l'institut suivi d'un numéro (exemple: COL001). La liste des codes en vigueur est disponible sur le site web de la FAO (<http://www.fao.org/wiews>). Pour les instituts n'ayant pas encore de code de la FAO, ou ayant des codes désuets, voir les 'Règles générales (v)'

2. Numéro d'accession (ACCENUMB)

Identifiant unique pour les accessions au sein d'une banque de gènes et est attribué au moment de l'introduction d'un échantillon dans la collection (exemple: "PI 113869").

3. Numéro de collecte	(COLLNUMB)
Identificateur original attribué par le(s) collecteur(s) à l'échantillon. Il est normalement composé du nom ou des initiales du/des collecteur(s) suivi(s) d'un numéro (exemple : "FM9909"). Cet identifiant est essentiel pour identifier les doubles conservés dans des collections différentes.	
4. Code de l'institut collecteur	(COLLCODE)
Code WIEWS de la FAO de l'institut ayant effectué la collecte de l'échantillon. Si l'échantillon a été collecté par l'institut détenteur, le code de l'institut collecteur (COLLCODE) sera le même que celui de l'institut détenteur (INSTCODE). La norme suivie est la même que pour INSTCODE. Les valeurs multiples sont séparées par un point-virgule sans espace.	
4.1 Nom de l'institut collecteur	(COLLNAME)
Nom de l'institut ayant effectué la collecte de l'échantillon. Ce descripteur ne doit être utilisé qu'au cas où le COLLCODE ne pourrait pas être pourvu parce que le code WIEWS de la FAO pour cet institut n'est pas disponible. Les valeurs multiples sont séparées par un point-virgule sans espace.	
4.1.1 Adresse de l'institut collecteur	(COLLINSTADDRESS)
Adresse de l'institut ayant effectué la collecte de l'échantillon. Ce descripteur ne doit être utilisé qu'au cas où le COLLCODE ne pourrait pas être pourvu parce que le code WIEWS de la FAO pour cet institut n'est pas disponible. Les valeurs multiples sont séparées par un point-virgule sans espace.	
4.2 Identifiant de la mission de la collecte	(COLLMISSID)
Identifiant de la mission de collecte attribué par l'institut collecteur (4 ou 4.1) (exemple: "CIATFOR-052" ou "CN426").	
5. Genre	(GENUS)
Nom de genre du taxon. La première lettre doit être en majuscule.	
6. Espèces	(SPECIES)
La partie correspondant à l'épithète d'espèce dans le nom scientifique doit apparaître en lettres minuscules. Seule l'abréviation suivante est permise: "sp".	
7. Nom d'auteur se rapportant à l'espèce	(SPAUTHOR)
Indiquer le nom d'auteur se rapportant à l'espèce.	
8. Sous-taxons	(SUBTAXA)
Les sous-taxons peuvent être utilisés pour ajouter tout identifiant taxonomique supplémentaire. Les abréviations suivantes sont admises: "subsp." (pour sous-espèces); "convar." (pour convariété); "var." (pour variété); "f." (pour forme); "Group" (pour "groupe de cultivars").	
9. Nom d'auteur se rapportant au sous-taxon	(SUBTAUTHOR)
Indiquer le nom d'auteur se rapportant au sous-taxon de plus bas niveau taxonomique.	
10. Nom commun de la plante	(CROPNAME)
Le nom commun de la plante. Exemple: "malting barley", "macadamia", "maïs".	

11 Nom de l'accession	(ACCENAME)
Désignation enregistrée ou autre appellation officielle donnée à l'accession autre que le numéro d'accession du donateur (23) ou le numéro de collecte (3). La première lettre doit être en majuscule. Les valeurs multiples sont séparées par un point-virgule sans espace, par exemple: Bogatyr;Symphony;Emma.	
12. Date d'acquisition [AAAAMMJJ]	(ACQDATE)
Date d'entrée de l'accession dans la collection. AAAA correspond à l'année, MM au mois et JJ au jour. Les données manquantes (MM ou JJ) doivent être indiquées par des tirets ou "00" [double zéro].	
13. Pays d'origine	(ORIGCTY)
Code ISO 3166-1 de trois lettres du pays dans lequel l'échantillon a été initialement collecté (exemple: race locale, espèces sauvages apparentées aux plantes cultivées, variété de l'agriculteur), amélioré ou sélectionné (ligne de l'améliorateur, OGM, population ségrégant, hybrides, cultivars avancés, etc.).	
Remarque: Les descripteurs de 14 à 16 ci-dessous doivent être remplis seulement si a été "collectée".	
14. Localisation du site de collecte	(COLLSITE)
Informations concernant la localisation au sein du pays, décrivant le lieu où l'accession a été collectée, si possible en anglais. Elles peuvent comprendre la direction et la distance en kilomètres depuis la ville, le village ou le point de référence sur la carte les plus proches (exemple: 7 Km au sud de Curitiba dans l'État du Paraná).	
15. Coordonnées géographiques	
<ul style="list-style-type: none"> • Pour les descripteurs de latitude et longitude, deux formats sont proposés. Néanmoins, seul le format adopté pour la collecte doit être utilisé. • Latitude et longitude en degrés décimaux avec une précision de quatre décimaux correspond à environ 10 mètres de l'équateur et décrit le point de rayon du site avec la référence géodésique et l'incertitude des coordonnées en mètres. 	
Remarque: Les deux formats suivants qui s'excluent mutuellement peuvent être employés pour la latitude:	
15.1 Latitude du site de collecte (degrés décimaux)	(DECLATITUDE)
Latitude exprimée en degrés décimaux. Les valeurs positives se trouvent au nord de l'équateur, les négatives au sud de l'équateur (exemple: -44.6975).	
15.2 Latitude du site de collecte (degrés, minutes, secondes)	(LATITUDE)
Degrés (2 chiffres), minutes (2 chiffres) et secondes (2 chiffres), suivis par N (Nord) ou S (Sud) (exemple: 103020S). Chaque valeur manquante (minutes ou secondes) doit être indiquée par un tiret. Les zéros doivent être écrits avant les chiffres (exemple: 10---S; 011530N; 4531--S).	

Remarque: Les deux formats suivants qui s'excluent mutuellement peuvent être employés pour la longitude:

15.3 Longitude du site de collecte (degrés décimaux)	(DECLONGITUDE)
Longitude exprimée en degrés décimaux. Les valeurs positives sont à l'Est (E) du méridien de Greenwich, les négatifs à l'Ouest (W) (exemple: +120.9123).	
15.4 Longitude du site de récolte (degrés, minutes, secondes)	(LONGITUDE)
Degrés (3 chiffres), minutes (2 chiffres) et secondes (2 chiffres), suivis par E (Est) ou W (Ouest) (exemple: 0762510W). Chaque valeur manquante (minutes ou secondes) doit être indiquée par un tiret. Les zéros doivent être écrits avant les chiffres (exemple: 076---)	
15.5 Incertitude des coordonnées [m]	(COORDUNCERT)
Incertitude associée aux coordonnées en mètres. Laisser le champ vide si la valeur est inconnue.	
15.6 Coordonnées de référence	(COORDDATUM)
Les données géodésiques ou le système de référence spatiale sur lesquelles se basent les coordonnées (latitude et longitude) en degrés décimaux (exemple: WGS84, ETRS89, NAD83). Le GPS utilise la référence de WGS84.	
15.7 Méthode de géoréférenciation	(GEOREFMETH)
La méthode de géoréférenciation utilisée (GPS, carte, dictionnaire géographique ou logiciel). Laisser le champ vide si la méthode de géoréférenciation est inconnue.	
16. Elévation du site de collecte [m asl]	(ELEVATION)
L'élévation du site de collecte exprimée en mètres au-dessus du niveau de la mer. Les valeurs négatives sont admises.	
17. Date de collecte de l'échantillon [AAAAMMJJ]	(COLLDATE)
Date de collecte de l'échantillon. AAAA correspondant à l'année, MM au mois et JJ au jour. Les données manquantes (MM ou JJ) doivent être indiquées par des tirets ou "00" [double zéro].	
18. Code de l'institut ayant effectué la sélection	(BREDCODE)
Code WIEWS de la FAO de l'institut dans lequel le matériel a été amélioré. Si c'est l'institut détenteur qui a fait les croisements, son code (BREDCODE) doit être le même que celui de l'institut détenteur (INSTCODE). La norme suivie est la même que pour INSTCODE. Les valeurs multiples sont séparées par un point-virgule sans espace.	
18.1 Nom de l'institut ayant effectué la sélection	(BREDNAME)
Nom de l'institut (ou de la personne) ayant amélioré le matériel. Ce descripteur ne doit être utilisé qu'au cas où le BREDCODE ne pourrait pas être pourvu parce que le code WIEWS de la FAO pour cet institut n'est pas disponible. Les valeurs multiples sont séparées par un point-virgule sans espace.	

19. Statut biologique de l'accession**(SAMPSTAT)**

Le système de codage proposé peut être utilisé à 3 niveaux de précision différents soit en utilisant les codes généraux (en **gras**) tels que 100, 200, 300, 400 soit en utilisant les codes plus spécifiques tels que 110, 120, etc.

100) Sauvage

- 110) Spontané
- 120) Semi-spontané/sauvage
- 130) Semi-spontané/semé

200) Envahi de mauvaises herbes**300) Cultivar traditionnel/variété indigène****400) Matériel de sélection/recherche**

- 410) Lignée de sélectionneur
 - 411) Population synthétique
 - 412) Hybride
 - 413) Stock fondateur/population de base
 - 414) Lignée consanguine (parent de cultivar hybride)
 - 415) Population ségrégant
 - 416) Sélection clonale
- 420) Stock génétique
 - 421) Mutant (exemple: mutation par induction/insertion, populations pour 'TILLING')
 - 422) Stocks cytogénétiques (exemple: ajout/substitution de chromosomes, aneuploïdes, amphiploïdes)
 - 423) Autres stocks génétiques (exemple: cartographie des populations)

500) Cultivar avancé ou amélioré (méthodes de sélection conventionnelles)**600) OGM** (par génie génétique)**999) Autre** (préciser dans le champ **Remarques**)**20. Données généalogiques****(ANCEST)**

Information sur le pedigree ou autre description contenant généalogie (exemple: variété du géniteur lorsqu'il s'agit d'un mutant ou d'une sélection). Par exemple, un pedigree "Hanna/7*Atlas/Turk/8*Atlas"; ou "mutation trouvée dans Hanna"; ou "croisement concernant Hanna ou Irene entre autres".

<p>21. Source de la collecte ou de l'acquisition</p> <p>Le système de codage proposé peut être utilisé à 2 niveaux de précision différents: soit en utilisant les codes généraux (en gras) tels que 10, 20, 30, 40, etc., soit en utilisant les codes plus spécifiques tels que 11, 12, etc.</p> <ul style="list-style-type: none"> 10) Habitat naturel <ul style="list-style-type: none"> 11) Forêt ou bois 12) Végétation arbustive 13) Prairie 14) Désert ou toundra 15) Habitat aquatique 20) Ferme ou habitat cultivé <ul style="list-style-type: none"> 21) Champ 22) Verger 23) Jardin d'arrière-cour, potager ou familial (urbain, peri-urbain ou rural) 24) Jachère 25) Pâturage 26) Entrepôt de ferme 27) Aire de battage 28) Parc 30) Marché ou boutique 40) Institut, station expérimentale, organisme de recherche, banque de gènes 50) Société semencière 60) Habitat envahi de mauvaises herbes, perturbé ou rudéral <ul style="list-style-type: none"> 61) Bord de route 62) Bordure de champ 99) Autre (préciser dans le champ Remarques) 	<p>(COLLSRC)</p>
<p>22. Code de l'institut donateur</p> <p>Code WIEWS de la FAO de l'institut donateur. La norme suivie est la même que pour INSTCODE.</p>	<p>(DONORCODE)</p>
<p>22.1 Nom de l'institut donateur.</p> <p>Nom de l'institut donateur (ou de la personne donatrice). Ce descripteur ne doit être utilisé que dans le cas où le DONORCODE ne peut pas être rempli parce que le code WIEWS de la FAO pour cet institut n'est pas disponible.</p>	<p>(DONORNAME)</p>
<p>23. Numéro d'accession du donateur</p> <p>Numéro attribué par le donateur à une accession. La norme suivie est la même que pour ACCENUMB.</p>	<p>(DONORNUMB)</p>
<p>24. Autre(s) numéro(s) associé(s) à l'accession</p> <p>Tout autre numéro d'identification connu dans d'autres collections pour cette accession. Utiliser le modèle suivant : INSTCODE:ACCENUMB;INSTCODE:identifiant...INSTCODE et identifiant sont séparés par des deux-points sans espace. Les paires d'INSTCODE et l'identifiant sont séparées par un point-virgule sans espace. Lorsque l'institut est inconnu, le numéro doit être précédé de deux-points.</p>	<p>(OTHERNUMB)</p>

25. Localisation des doubles de sécurité Code WIEWS de la FAO de l'institut (ou des instituts) conservant un double de sécurité. Les valeurs multiples sont séparées par un point-virgule sans espace. La norme suivie est la même que pour INSTCODE.	(DUPLSITE)
25.1 Institut conservant un double de sécurité Nom de l'institut conservant un double de sécurité. Les valeurs multiples sont séparées par un point-virgule sans espace.	(DUPLINSTNAME)
26. Mode de conservation du matériel génétique Si le matériel génétique est conservé de plusieurs façons, des choix multiples sont admis, séparés par un point-virgule sans espace (exemple: 20;30). (Pour une description détaillée des modes de conservation, voir <i>Normes applicables aux banques de gènes</i> , FAO 2014). 10) Collection de graines 11) Court terme 12) Moyen terme 13) Long terme 20) Collection au champ 30) Collection in vitro 40) Cryoconservation 50) Collection d'ADN 99) Autre (préciser dans le champ REMARKS)	(STORAGE)
27. État de l'accession selon le MLS L'état de l'accession par rapport au Système multilatéral (MLS en anglais) du Traité international sur les ressources phytogénétiques pour l'alimentation et l'agriculture. Si l'état est inconnu, laisser le champ vide. 0 Non (il n'est pas inclus) 1 Oui (il est inclus) 99 Autre (préciser dans le champ Remarques , exemple: "en cours d'élaboration")	(MLSSTAT)
28. Remarques Le champ Remarques est utilisé pour ajouter des notes ou donner des détails sur les descripteurs de valeur 99 ou 999 (= Autre). Faire précéder les remarques du nom du champ auquel elles se rapportent suivi par de deux-points (:) sans espace (exemple: COLLSRC:bord de route). Séparer par un point-virgule sans espace les remarques se rapportant à différents champs.	(REMARKS)

ANNEXE I

Liste des changements principaux dans la liste MCPD

➤ **Liste des changements principaux dans la liste MCPD V.2.1 (2015) par rapport à la version 2012:**

La «Question ouverte» sur les identificateurs uniques globaux, dans l'attente de MCPD V.2 (2012), a été abordée et le nouveau descripteur suivant ajouté:

- **0. Identificateur unique persistant (PUID)**

➤ **Liste des changements principaux dans la liste MCPD V.2 (2012) par rapport à la version 2001:**

Le processus de révision pour mettre à jour la liste FAO/IPGRI des descripteurs de passeport multi-cultures (MCPD, 2001) a impliqué la consultation de plus de 300 personnes de 187 instituts dans 87 pays.

Le processus de révision a indiqué que: (a) il n'existe aucun problème majeur concernant la version 2001, ce qui confirme sa validité; (b) une certaine souplesse supplémentaire concernant des descripteurs existants a été jugée nécessaire; et (c) quelques nouveaux descripteurs pourraient améliorer la liste MCPD. Tous ces amendements sont énumérés ci-après.

Titre

On lit dorénavant FAO/Bioversity (anciennement FAO/IPGRI) pour refléter le changement de nom d'IPGRI à Bioversity international.

Introduction

Le texte relatif à cette version mise à jour a été modifié en fonction des changements principaux, y compris l'ajout de cette liste historique des changements, en annexe.

Règles générales

- L'explication du système de codage lié aux nouveaux descripteurs est donnée pour faciliter l'échange de données informatisées.
- **Noms des pays:** Le lien web des nouveaux codes ISO pour les noms de pays est indiqué, de même qu'un lien web concernant les codes désuets (exemple: SUN, DDR).
- **Codes WIEWS de la FAO d'instituts:** Le lien web relatif aux codes actuels d'instituts a été mis à jour. Un lien est fourni sous forme électronique pour générer de nouveaux codes d'instituts en ligne.
- **Données manquantes:** Pour les descripteurs concernant les "Dates", les données manquantes peuvent être indiquées par des tirets ou "00" [double zéro] pour assurer un transfert de données cohérent, quelque soit le système employé.
- **Latitude et longitude:** Deux options (Latitude: DDMSSH ou +/-DD.DDDD; Longitude: DDDMSSSE/W ou +/-DDD.DDDD) sont autorisées, mais seul un des deux modèles de coordonnées doit être utilisé (celui employé pour la mission de collecte).

Modifications

REMARQUE: Les nouveaux descripteurs ajoutés sont soulignés.

1. Code de l'institut

Le lien web de la FAO est mis à jour

Le nouveau lien pour demander le code de l'institut de la FAO est indiqué

2. Numéro d'accession

"Number" remplacé par "identifier" (identifiant)

"Collection" supprimé

3. Numéro de collecte

"Number" remplacé par "identifier" (identifiant) dans le texte, puisqu'il ne s'agit pas nécessairement d'un nombre

4. Code de l'institut collecteur

Les valeurs multiples sont autorisées

4.1 Nom de l'institut collecteur

Nouveau descripteur ajouté

4.1.1 Adresse de l'institut collecteur

Nouveau descripteur ajouté

4.2 Identificateur de la mission de la collecte

Nouveau descripteur ajouté

8. Sous-taxon

"Group" a été ajouté pour les groupes de cultivars

10. Nom commun de la plante

"En anglais de préférence" à été supprimé étant donné que pas toutes les plantes et les parents sauvages ont un nom en anglais

11. Nom de l'accession

Le texte descriptif a été affiné

12. Date d'acquisition [AAAAMMJJ]

Les données manquantes peuvent également être indiquées avec "00" (double zéro comme alternative aux traits d'union)

13. Pays d'origine

Le texte modifié offre à présent une meilleure définition

15. Coordonnées géographiques

La formule de conversion pour la latitude et la longitude a été supprimée

Les nouveaux champs suivants ont été ajoutés:

15.1 Latitude du site de collecte (en degrés décimaux)

15.3 Longitude du site de collecte (en degrés décimaux)

15.5 Incertitude des coordonnées [m]

15.6 Données des coordonnées

15.7 Méthode de géoréférenciation

(Ancien 18) **17. Date de collecte de l'échantillon [AAAAMMJJ]**

Les données manquantes peuvent également être indiquées avec "00" [double zéro]

(Ancien 19) **18. Code de l'institut ayant effectué la sélection**

Les valeurs multiples sont autorisées

18.1 Nom de l'institut ayant effectué la sélection

Nouveau champ ajouté

(Ancien 20) **19. Statut biologique de l'accession**

Nouveau statut ajouté: "130 =Semi-spontané ou semé

État original affiné: "420 = mutant ou stock génétique", avec une meilleure définition

Nouveau descripteur relatif au statut ajouté: "600 = OGM (par génie génétique)"

22.1 Nom de l'institut donateur

Nouveau descripteur ajouté

(Ancien 24) **23. Numéro d'accession du donateur**

Numéro remplacé par "identifiant" (identifiant)

(Ancien 25) **24. Autres identifiants associés à l'accession**

Titre et texte modifiés, "numéro" remplacés par "identifiants"

(Ancien 26) **25. Localisation des doubles de sécurité**

Les valeurs multiples sont autorisées

25.1 Institut conservant un double de sécurité

Nouveau descripteur ajouté

(Ancien 27) **26. Mode de conservation du matériel génétique**

Nouveau descripteur relatif au statut ajouté "50 = collecte d'ADN »

27. État de l'accession selon le MLS

Nouveau descripteur ajouté

28. Remarques

Exemple changé

QUESTION OUVERTE

Identifiant unique global

Un identificateur unique global ou identifiant permanent (GUID) tel que l'identifiant numérique d'objet (DOI, en anglais), ou le *Life science Identifier* (LSID), serait utile pour établir des services automatisés intégrant des données relatives au matériel génétique et faciliterait le lien nécessaire pour identifier des accessions et d'autres génotypes à travers différents systèmes d'information. La question a été soulevée par quelques répondants du sondage pour cette révision, mais une consultation internationale plus approfondie s'avérerait nécessaire pour aboutir à un consensus.